Oppg. 1

Har en normalfordeling med ukjent μ og $\sigma^2 = 0.060^2$

a) Antar $\mu = 6.8$ og har da

$$P[X < 6.74] = P\left[\frac{X - \mu}{\sigma} < \frac{6.74 - \mu}{\sigma}\right] = P[Z < -1] = 0.1587$$
 (1)

ved å slå opp i tabell. Kan så finne P [6.74 < X < 6.86], men siden normalfordelingen er lik på begge sider av μ har vi

$$P[6.74 < X < 6.86] = 1 - 2P[X < 6.74] = 0.6826$$
(2)

til slutt ser vi på P $[|X - \mu| > 0.06]$ og har da

$$P[|X - \mu| > 0.06] = P[X < 6.74] + P[X > 6.86] = 1 - P[6.74 < X < 6.86] = 0.3174$$
(3)

b) Ser på $Y = \sum_{i=1}^{5} X_i/5$ og vet ikke lenger hva μ er, kan dermed se på

$$Var[Y] = \frac{1}{25} [5\sigma^2] = \frac{1}{5}\sigma^2$$
 (4)

vet at Y er normalfordelt og at det ikke har noe å si hvor μ er og kan dermed anta $\mu=0$ og da

$$P[|Y| > 0.06] = 2P[Y > 0.06] = 2P\left[\frac{\sqrt{5}Y}{\sigma} > \frac{0.06\sqrt{5}}{\sigma}\right] = 0.025$$
 (5)

ved oppslag i tabell og ser videre på

$$\overline{x} - z_{0.025} \frac{\sigma}{\sqrt{n}} = 6.707$$

$$\overline{x} + z_{0.025} \frac{\sigma}{\sqrt{n}} = 6.813$$
(6)

og har dermed konfidensintervallet på 95%

$$\mu \in (6.707, 6.813) \tag{7}$$

Oppg. 2

a) Ser på poissonfordelingen

$$f(x) = \frac{\lambda^x}{x!} e^{-\lambda}, x \in \mathbb{N}$$
 (8)

antar $\lambda = 15$ og ser da at vi har

$$E[X] = \mu = \lambda = 15 \tag{9}$$

og har dermed

$$P[X > 20] = 1 - P[X \le 20] = 0.083 \tag{10}$$

og

$$P[10 < X < 20] = P[X < 20] - P[X < 10] = 0.8053$$
(11)

b) Antar så at vi ikke kjenner λ og har $\hat{\lambda} = \overline{X} = 359/30$ og har da fra sentralgrenseteoremet at dette kan tilnærmes en standard normalfordeling og kan se på

$$Z = \frac{\overline{X} - \lambda}{\sigma} \sqrt{n} \tag{12}$$

og vi bruker variansen i en poissonfordeling som σ og dermed

$$\sigma^2 = \operatorname{Var}\left[X\right] = \overline{X} \tag{13}$$

vil ha et konfidensintervall med 99% sannsynlighet og må dermed ha

$$P\left[-t_{0.005} < T < t_{0.005}\right] = 0.99$$

$$P\left[\overline{X} - t_{0.005} \frac{\sigma}{\sqrt{n}} < \lambda < \overline{X} + t_{0.005} \frac{\sigma}{\sqrt{n}}\right] = 0.99$$
(14)

slår opp i tabell og finner $t_{0.005}=2.750$ med frihetsgrad $\nu=30$ og har dermed

$$\lambda \in (10.34, 13.59) \tag{15}$$

c) Ser så på sannsynlighetsmaksimeringsestimatoren for λ og definerer da

$$L(x_{1}, x_{2}, \dots, x_{n}, y_{1}, y_{2}, \dots, y_{m}; \lambda) = \prod_{i=1}^{n} f(x_{i}; \lambda) \cdot \prod_{j=1}^{m} f(y_{j}; \lambda)$$

$$= \lambda^{\sum_{i=1}^{n} x_{i}} \frac{e^{-n\lambda}}{\prod_{i=1}^{n} x_{i}!} \cdot \left(\frac{\lambda}{2}\right)^{\sum_{j=1}^{m} y_{j}} \frac{e^{-\frac{m\lambda}{2}}}{\prod_{j=1}^{m} y_{j}!}$$
(16)

og finner så logaritmen av L

$$\ln L = \sum_{i=1}^{n} x_i \ln \lambda - n\lambda - \ln \prod_{i=1}^{n} x_i! + \sum_{j=1}^{m} y_j \ln \frac{\lambda}{2} - \frac{m\lambda}{2} - \ln \prod_{j=1}^{m} y_j!$$
 (17)

og deriverer så med hensyn på λ

$$\frac{\partial L}{\partial \lambda} = 0 = \sum_{i=1}^{n} x_i \frac{1}{\lambda} - n + \sum_{j=1}^{m} y_j \frac{1}{\lambda} - \frac{m}{2}$$

$$\lambda \left(n + \frac{1}{2}m \right) = \sum_{i=1}^{n} x_i + \sum_{j=1}^{m} y_j$$

$$\lambda = \frac{\sum_{i=1}^{n} x_i + \sum_{j=1}^{m} y_j}{n + \frac{1}{2}m}$$

$$\lambda = \frac{\overline{x}n + \overline{y}m}{n + \frac{1}{2}m}$$
(18)

og har dermed

$$\hat{\lambda} = \frac{\overline{x}n + \overline{y}m}{n + \frac{1}{2}m} \tag{19}$$

Oppg. 3

a) Ser at X er definert slik at for hver del av DNA-strukturen så er det to muligheter, at det er en match eller ikke. Siden det sjekkes for n deler som er uavhengige er X binomisk fordelt

$$f(x) = b(x; n, p) = \binom{n}{x} p^x (1 - p)^{n - x}, x \in \mathbb{N} \cup \{0\}$$
 (20)

kan dermed finne ved n=5

$$P[X = 2] = f(2) = \frac{5!}{2!(5-2)!} \cdot 0.15^{2} \cdot (1 - 0.15)^{5-2} = 0.138$$
(21)

og

$$P[X > 2] = 1 - P[X = 1] - P[X = 0] = 1 - 5 \cdot 0.15 \cdot 0.85^{4} - 0.85^{5} = 0.165$$
(22)

og

$$P[X = 2|X \ge 2] = \frac{P[X = 2]}{P[X > 2]} = 0.836$$
(23)

b) Sjansen for å begå en type 1 feil vil være at et binomisk forsøk med p=0.15, n=5 gir 5 og har da sjansen for type 1 feil gitt ved

$$P(X=5) = p^n = 0.15^5 = 7.594 \cdot 10^{-5}$$
(24)

og siden H_1 har p=1 så er det ingen mulighet for at utfallet av forsøket ikke er 5 og dermed er sjansen for en type 2 feil lik 0. Ser så på hvor mange deler av DNA-strukturen som må sammenliknes for å få sjansen for en type 1 feil lik 10^{-6} som er gitt ved

$$10^{-6} = 0.15^n \Rightarrow n = \log_{0.15} 10^{-6} = 7.282 \tag{25}$$

og ved å runde opp får vi at en må sammenlikne n=8 deler av DNA-strukturen for å få ønsket sannsynlighet for type 1 feil.

Oppg. 4

Har X med normalfordeling med $\mu=80, \sigma^2=18^2$ og $Y=\sum_{n=1}^{16} X_n$ ser på

$$P[X_1 > 90] = P\left[\frac{X_1 - \mu}{\sigma} > \frac{90 - \mu}{\sigma}\right] = 0.2877$$
 (26)

og vet at

$$\mu_Y = 16\mu_X, \quad \sigma_Y^2 = 16\sigma_X^2$$
 (27)

har da

$$E[Y] = 16\mu_X = 1280 \tag{28}$$

og

$$Var[Y] = 16\sigma_X^2 = 4^2 \cdot 18^2 = 72^2$$
(29)

og til slutt fordi Y også er normalfordelt

$$P[Y > 16 \cdot 90] = P\left[\frac{Y - \mu_Y}{\sigma_Y}\sqrt{n} > \frac{16 \cdot 90 - \mu_Y}{\sigma_Y}\sqrt{n}\right] = P[Z > 2.22] = 0.013$$
(30)

ved oppslag i tabell. Dersom vi hadde sett bortifra uavhengighet kunne vi ikke brukt regnereglene for varians og forventningsverdi og de tre siste utregningene ville ikke vært rett. Vi trenger så vite sannsynlighetsfordelingen for å finne sannsynlighetene $P[X_1 > 90]$, $P[Y > 16 \cdot 90]$, men variansen og forventningsverdien er ikke avhengig av dette og disse vil da fortsatt stemme.

b) Ser at vi kan skrive

$$\overline{x} = \frac{1591}{20} = 79.55, S^2 = \frac{1}{19} \sum_{i=1}^{20} (x_i - \overline{x})^2 = 192.471$$
 (31)

finner så et 90% konfidensintervall

$$\overline{x} - t_{0.05} \frac{S}{\sqrt{n}} = 74.20$$

$$\overline{x} + t_{0.05} \frac{S}{\sqrt{n}} = 84.90$$
(32)

og har dermed

$$\mu \in (74.20, 84.90) \tag{33}$$

c) Finner sannsynligheten for at vi har $\sigma^2 \geq 15^2$ og ser på

$$\chi^2 = \frac{(n-1)s^2}{\sigma_0^2} = 6.283\tag{34}$$

vi må ha $\chi^2 < \chi^2_{0.01} = 36.191$ med 19 frihetsgrader og fra det vi ser stemmer dette og vi kan ikke forkaste H_0 .