Crear paquetes en R

Oscar Perpiñán Lamigueiro

Marzo de 2013

Crear paquetes en

Oscar Perpiñán Lamigueiro

Introducción

en R



Introducción

Crear un paquete en R

- Package: An extension of the R base system with code, data and documentation in standardized format.
- ▶ **Library**: A directory containing installed packages.
- ► **Repository**: A website providing packages for installation.
- ▶ **Source**: The original version of a package with human-readable text and code.
- Binary: A compiled version of a package with computer-readable text and code, may work only on a specific platform.
- ▶ **Base packages**: Part of the R source tree, maintained by R Core.
- Recommended packages: Part of every R installation, but not necessarily maintained by R Core.
- ► Contributed packages: All the rest.

Crear paquetes en R

Oscar Perpiñán Lamigueiro

Introducción

Crear un paquete en R

- ► Es una herramienta cómoda para mantener colecciones coherentes de funciones y datos.
- Permite publicar código de forma que pueda ser empleado por otros siguiendo unas estructuras comunes.
- La estructura de un paquete obliga a organizar, limpiar y documentar el código.
- ▶ Al distribuir las herramientas para que otros puedan usarlas, se obtiene realimentación sobre lo publicado, de forma que se aumenta su robustez, se amplian sus funcionalidades y se conecta con otras herramientas y proyectos.
- "As we enjoy great advantages from the inventions of others, we should be glad of an opportunity to serve others by any invention of ours, and this we should do freely and generously."

Extraído de Best Practices for Scientific Computing

- Write programs for people, not computers.
- ► Automate repetitive tasks
- Use the computer to record history
- Make incremental changes
- Use version control
- Don't repeat yourself (or others)
- ► Plan for mistakes
- Optimize software only after it works correctly
- Document design and purpose, not mechanics
- Collaborate

Introducción

en R

- ► Writing R Extensions
- ► Creating R Packages: a tutorial

Introducción

Crear un paquete en R

Crear un paquete en R

- Las fuentes de un paquete de R están contenidas en un directorio que contiene al menos:
 - Los ficheros DESCRIPTION y NAMESPACE
 - ► Los subdirectorios:
 - R: código en ficheros .R
 - man: páginas de ayuda de las funciones, métodos y clases contenidos en el paquete.
- Esta escructura puede ser generada con package.skeleton.

preestablecido:

```
Package: pkgname

Version: 0.5-1

Date: 2004-01-01

Title: My First Collection of Functions

AuthorsQR: c(person("Joe", "Developer", role = c("aut", "cre"),

email = "Joe.Developer@some.domain.net"),

person("Pat", "Developer", role = "aut"),

person("A.", "User", role = "ctb",

email = "A. User@whereever.net"))

Author: Joe Developer and Pat Developer, with contributions from
```

► El fichero DESCRIPTION contiene la información

básica sobre el paquete con un formato

Author: Joe Developer and Pat Developer, with contributions from A. User Maintainer: Joe Developer < Joe Developer@some.domain.net>
Depends: R (>= 1.8.0), nlme

Suggests: MASS

Description: A short (one paragraph) description of what

the package does and why it may be useful.

License: GPL (>= 2)

URL: http://www.r-project.org, http://www.another.url

Los campos Package, Version, License, Title, Angle

NAMESPACE

Crear paquetes en

Oscar Perpiñán Lamigueiro

Introducción

Crear un paquete en R

- ▶ R usa un sistema de gestión de *espacio de nombres* que permite al autor del paquete especificar:
 - las variables del paquete que se exportan (y son, por tanto, accesibles a los usuarios)
 - ▶ las variables que se importan de otros paquetes.
 - ▶ las clases y métodos S3 y S4 que deben registrarse.
- Este mecanismo queda definido en el contenido del fichero NAMESPACE.

- ► El NAMESPACE controla la estrategia de busqueda de variables que utilizan las funciones del paquete:
 - ► En primer lugar busca entre las creadas localmente (por el código de la carpeta R/).
 - ► En segundo lugar busca entre las variables importadas explicitamente de otros paquetes.
 - En tercer lugar busca en el NAMESPACE del paquete base.
 - Por último busca siguiendo el camino habitual (ver el resultado de search())

▶ Para exportar las variables f y g:

export(f, g)

Para importar todas las variables del paquete pkgExt:

import(pkgExt)

► Para importar las variables var1 y var2 del paquete pkgExt:

importFrom(pkgExt, var1, var2)

Para registar el método S3 print para la clase myClass:

S3method(print, foo)

▶ Para registrar las clases S4 class1 y class2:

```
exportClasses(class1, class2)
```

Para registrar los métodos S4 method1 y method2:

```
exportMethods(method1, method2)
```

▶ Para importar métodos y clases S4 de otro paquete:

```
importClassesFrom(package, ...)
importMethodsFrom(package, ...)
```

- ▶ Las páginas de ayuda de los objetos R se escriben usando el formato "R documentation" (Rd), un lenguaje similar a LATEX.
- Es aconsejable seguir estas orientaciones: Guidelines for Rd files
- Para generar el esqueleto de un fichero Rd es aconsejable usar:
 - prompt: genérica
 - promptClass y promptMethods: clases y métodos.
 - promptPackage: paquete
 - promptData: datos
- Todos los comandos disponibles están en el documento Parsing Rd files.

```
\name{load}
\alias{load}
\title{Reload Saved Datasets}
\description{
 Reload the datasets written to a file with the function
 \code{save}.
\usage{
 load(file, envir = parent.frame())
\arguments{
\item{file}{a connection or a character string giving the
   name of the file to load.}
\item{envir}{the environment where the data should be
   loaded.}
\seealso{
 \code{\link{save}}.
\examples{
 ## save all data
 save(list = ls(), file= "all.RData")
 ## restore the saved values to the current environment
```

Oscar Perpiñán Lamigueiro Crear un paquete

en R

Crear paquetes en

Introducción

Crear un paquete en R

en R

Publicar un paquete

Comprobar

R CMD check myPackage/

Construir

R CMD build myPackage/

▶ Publicar (o actualizar) en un repositorio

Comprobar un directorio (desde línea de comandos):

R CMD check myPackage/

Comprobar un paquete ya construido (desde línea de comandos):

R CMD check myPackage.tar.gz

► Esta comprobación incluye más de 20 puntos de prueba detallados en el manual Writing R extensions.

Fuente o binario

Se puede construir un fichero fuente en formato *tarball* (independiente de la plataforma, habitual en sistemas Unix) o en forma binaria (dependiente de la plataforma, habitual para Windows y Mac).

- ▶ Fuente en formato tarball
 - El resultado es un fichero tarball myPackage.tar.gz que se puede distribuir a cualquier sistema.

R CMD build myPackage/

- Comprimido binario
 - El resultado es una copia comprimida de la versión instalada del paquete: depende del sistema operativo.

R CMD INSTALL --build myPackage/

- Para paquetes sin código compilado (C, Fortran), también se puede usar R CMD check y R CMD build en un sistema Windows.
- Para generar un binario hay que usar R CMD INSTALL
 --build.
 - Es posible que haya que modificar la variables de entorno TEMP y TMP de forma que sólo contengan caracteres ASCII.
- Para paquetes con código compilado, o en caso de problemas con los comandos anteriores, hay que usar Rtools.
- ► Se pueden instalar fuentes *tarball* con (ver R installation and administration):

install.packages(myPackage.tar.gz, type='source')

- El principal repositorio de paquetes estables es CRAN.
 - Publicar en este repositorio conlleva la aceptación de unas condiciones.
 - ▶ Para publicar en CRAN hay que subir el fichero fuente *tarball* resultado de R CMD build via FTP anónimo a la dirección ftp://CRAN.R-project.org/incoming/ y enviar un correo en texto plano a CRAN@R-project.org.
 - ► Es imprescindible haber comprobado el fichero con R CMD check --as-cran antes de subirlo al servidor FTP. El resultado de esta comprobación **no** debe contener errores ni advertencias (warnings).
 - ► Más detalle en el apartado Submission de las condiciones de CRAN y en el manual R Extensions.

Repositorios

Crear paquetes en

Oscar Perpiñán Lamigueiro

Introducción

en R

- Otros repositorios destacables son:
 - R-Forge (versiones de desarrollo)
 - Bioconductor (paquetes de bioinformática)
 - Proyectos R en Github (versiones de desarrollo)
 - RForge (versiones de desarrollo)