

Apresentação - A partir da Página 19

Equação de Helmholtz - Métodos Numéricos

MÉTODOS E IMPLEMENTAÇÃO COMPUTACIONAL

Discretização MDPC2

- O parâmetro N representa o número de subintervalos em cada direção do domínio $[0, 1]^2$. Testamos valores de $N = 64, 128, 192, 256$. O tamanho do passo é dado por $h = 1/N$, e temos $(N + 1) \times (N + 1)$ pontos totais na malha, sendo $(N - 1)^2$ pontos internos que constituem as incógnitas do sistema. Por exemplo, para $N = 256$, temos $h = 1/256 = 0.00390625$ e $255 \times 255 = 65.025$ incógnitas.
- A discretização utiliza um stencil de 5 pontos, onde cada ponto interno está conectado ao seu centro e aos quatro vizinhos (norte, sul, leste, oeste). A equação discretizada é:

$$\frac{u_{i+1,j} - 2u_{i,j} + u_{i-1,j}}{h^2} + \frac{u_{i,j+1} - 2u_{i,j} + u_{i,j-1}}{h^2} + k^2 u_{i,j} = 0$$

O primeiro termo discretiza $\frac{\partial^2 u}{\partial x^2}$, o segundo discretiza $\frac{\partial^2 u}{\partial y^2}$, e o terceiro é o termo reativo $k^2 u$ avaliado no ponto (i, j) .

- Esta discretização resulta em um sistema linear esparsa da forma $A\mathbf{u} = \mathbf{b}$, onde a matriz $A = L + k^2 I$ tem dimensão $(N - 1)^2 \times (N - 1)^2$ e possui apenas 5 diagonais não-nulas devido à estrutura do stencil. O vetor \mathbf{b} é construído a partir das condições de contorno Dirichlet impostas na fronteira do domínio.

Implementação com Matrizes Esparsas

- Para $N = 200$, teríamos aproximadamente 40.000 incógnitas, e uma matriz densa ocuparia cerca de 12 GB de RAM, tornando a solução inviável em computadores típicos. A solução é o uso de matrizes esparsas. Utilizamos dois formatos principais: o formato LIL (List of Lists) para a montagem eficiente da matriz, que permite inserção rápida de elementos durante a construção e é ideal para montar a matriz Laplaciana. Após a montagem, convertemos para o formato CSC (Compressed Sparse Column), que é otimizado para operações de álgebra linear e é usado pelos solvers do `scipy.sparse`. Esta conversão é automática e resulta em uma redução drástica de memória: de 12 GB para apenas algumas dezenas de MB.

Sistema de Cache — Otimização Crítica

- Ao testar múltiplos grupos com o mesmo valor de N , reconstruir as matrizes Laplacianas e as coordenadas da malha para cada caso seria extremamente custoso. Por exemplo, para $N = 128$ testando 6 grupos e 4 valores diferentes de k , teríamos 24 casos. Sem cache, isso significaria 24 construções da matriz Laplaciana, todas idênticas. Com cache, fazemos apenas 1 construção e reutilizamos 23 vezes.

- A implementação do cache utiliza dois dicionários globais. O primeiro, `_laplacian_cache`, armazena as matrizes Laplacianas, onde a chave é o valor de N e o valor é uma tupla (L, h) contendo a matriz Laplaciana L já no formato CSC otimizado e o passo h . O segundo dicionário, `_coords_cache`, armazena as coordenadas da malha, onde a chave é novamente N e o valor é a tupla (x, y, X, Y) com as coordenadas, evitando recálculos custosos de `np.linspace` e `np.meshgrid`.
- A lógica de funcionamento é a seguinte: cada função que constrói estruturas recebe o parâmetro N e uma flag `use_cache`. Primeiro, verifica se N já existe no dicionário de cache. Se existe, retorna imediatamente do cache com acesso $O(1)$, que é praticamente instantâneo. Se não existe, constrói a estrutura, armazena no cache para uso futuro e retorna. Além disso, implementamos um pré-aquecimento do cache: antes de processar qualquer caso, construímos todas as estruturas para todos os valores de N que serão testados, garantindo que a primeira chamada durante o processamento já utilize o cache.
- Os ganhos de performance são significativos: a construção de matrizes fica aproximadamente 90% mais rápida. Por exemplo, a construção da matriz L para $N = 256$ cai de aproximadamente 0.012 segundos para 0.001 segundos após o cache estar aquecido. A mesma matriz L é reutilizada para todos os grupos com o mesmo N , independentemente do valor de k ou da configuração de ângulos. Esta eficiência é especialmente importante ao testar múltiplos grupos e valores de k .
- Em um cenário completo com 6 grupos, 4 valores de k e 4 valores de N , temos um total de 96 casos a processar. Sem cache, isso resultaria em 96 construções da matriz Laplaciana. Com cache, fazemos apenas 4 construções (uma para cada valor de N) e 92 reutilizações, resultando em uma economia de aproximadamente 96% de redução no tempo de construção das matrizes.

Solvers Implementados

- O solver SPLU (Sparse LU) é uma fatoração LU esparsa implementada pela função `scipy.sparse.linalg.splu`. Este é um método direto que fornece solução exata sem iterações. O processo consiste em três etapas: primeiro, fatora a matriz A em $A = LU$ através de uma decomposição Lower-Upper; depois, resolve $Ly = b$ usando substituição progressiva (forward substitution); finalmente, resolve $Ux = y$ usando substituição regressiva (backward substitution). Este método é eficiente para sistemas menores, especificamente para $N \leq 192$, o que corresponde a aproximadamente 40.000 incógnitas. A complexidade é $O(N^3)$ para a fatoração e $O(N^2)$ para a resolução, com memória de $O(N^2)$. A vantagem é que fornece solução exata e determinística, mas a desvantagem é que o custo cresce rapidamente com N .
- O solver GMRES+ILU combina o método iterativo GMRES (Generalized Minimal Residual) com um pré-condicionador ILU (Incomplete LU Factorization). O GMRES, implementado por `scipy.sparse.linalg.gmres`, é um método iterativo que encontra a solução no espaço de Krylov e minimiza o resíduo $\|b - Ax\|_2$ em cada iteração. Utilizamos parâmetros `restart=100` e `maxiter=1000`, com tolerâncias `rtol=10^-8` e `atol=10^-12`. O ILU, implementado por `scipy.sparse.linalg.spilu`, é um pré-condicionador que fatora $A \approx LU$ de forma incompleta, sendo mais rápido que uma fatoração completa mas ainda eficaz em acelerar a convergência do GMRES. Utilizamos parâmetros `drop_tol=10^-3` e `fill_factor=20`. Este método é eficiente para sistemas grandes, especificamente para $N \geq 256$, com complexidade $O(N^2)$ por iteração. A vantagem é que é escalável para sistemas muito grandes, mas a desvantagem é que pode não收敛ir se o sistema estiver mal condicionado.
- A seleção automática implementada através do modo "auto" utiliza uma heurística que escolhe o solver baseado no tamanho do sistema: se temos $n \leq 40.000$ incógnitas, usa SPLU; se $n > 40.000$, usa GMRES+ILU. Além disso, implementamos uma estratégia de fallback robusta:

se o ILU falha e $n \leq 100.000$, tenta usar SPLU como alternativa; se o ILU falha e $n > 100.000$, usa GMRES sem pré-condicionador como último recurso. Esta estratégia garante que sempre obtemos uma solução, mesmo em casos problemáticos.

Paralelização

- A implementação de paralelização utiliza `multiprocessing.Pool`, que permite processar múltiplos casos simultaneamente em diferentes núcleos do processador. Esta otimização resulta em um ganho de 3 a 4 vezes no tempo total de processamento, sendo especialmente útil ao processar os 96 casos do cenário completo ($6 \text{ grupos} \times 4 \text{ valores de } k \times 4 \text{ valores de } N$).

RESULTADOS PRINCIPAIS

Quantificação do Erro

- O erro relativo foi quantificado utilizando a norma $L^2(\Omega)$ integral, definida como $\|u\|_{L^2(\Omega)}^2 = \int_{\Omega} |u(x, y)|^2 dx dy$. O erro relativo é então calculado como $E_{L^2} = \frac{\|u_{\text{aprox}} - u_{\text{exata}}\|_{L^2(\Omega)}}{\|u_{\text{exata}}\|_{L^2(\Omega)}}$. Aproximamos esta norma integral utilizando a regra do retângulo em malha uniforme: $\|u\|_{L^2(\Omega)}^2 \approx h^2 \sum_{i,j} |u_{i,j}|^2 = h^2 \|\mathbf{u}\|_2^2$. Portanto, temos $\|u\|_{L^2(\Omega)} \approx h \|\mathbf{u}\|_2$, e o erro calculado é $E_{L^2} \approx \frac{h \|u_{\text{aprox}} - u_{\text{exata}}\|_2}{h \|\mathbf{u}_{\text{exata}}\|_2}$. Esta aproximação tem ordem $O(h^2)$, sendo consistente com a ordem do método de diferenças finitas de segunda ordem.

Resultados por Número de Onda k

- Para $k = 1$ (baixa frequência), obtivemos excelente precisão com erros relativos da ordem de 10^{-7} a 10^{-8} . A taxa de convergência observada foi $p \approx 2.0$, confirmando a ordem teórica do método. Especificamente, para $N = 64$ temos erro de 6.4×10^{-7} , para $N = 128$ o erro cai para 1.6×10^{-7} (4 vezes menor), e para $N = 256$ o erro é de 4.1×10^{-8} (15 vezes menor que o inicial). Este comportamento demonstra que o método funciona perfeitamente para valores pequenos de k .
- Para $k = 20$ (frequência média), observamos uma degradação na precisão, com erro relativo de 4.2×10^{-2} para $N = 128$, o que corresponde a 4.2%. A taxa de convergência cai para $p \approx 1.5 - 1.8$, indicando o início do efeito de poluição numérica. Para $N = 64$ temos erro de 2.1×10^{-1} (21%), para $N = 128$ o erro é 4.2×10^{-2} (4.2%, 5 vezes menor), e para $N = 256$ o erro cai para 1.0×10^{-2} (1.0%, 21 vezes menor que o inicial). Apesar da degradação, ainda obtemos precisão aceitável com malhas refinadas.
- Para $k = 40$ (alta frequência), observamos degradação significativa, com erro relativo de 2.8×10^{-1} para $N = 128$, o que corresponde a 28%. A taxa de convergência cai para $p \approx 1.2 - 1.5$. Para obter precisão aceitável, é necessário utilizar $N \geq 256$.
- Para $k = 100$ (muito alta frequência), observamos poluição numérica severa, com erro relativo superior a 1.0, podendo ultrapassar 300%. A taxa de convergência cai para $p < 1$, indicando degradação muito severa. Para $N = 64$ temos erro de 2.5 (250%), para $N = 128$ o erro é 1.5 (150%), e surpreendentemente, para $N = 256$ o erro aumenta para 3.6 (360%), demonstrando que mesmo com refinamento, o erro permanece alto e pode até piorar devido à poluição numérica.

Regra de Ouro — Pontos por Comprimento de Onda

- A regra de ouro é definida através de $N_\lambda = \frac{2\pi N}{k}$, que representa o número de pontos por comprimento de onda. A recomendação é ter $N_\lambda 10 - 20$ pontos por comprimento de onda para obter precisão aceitável. Ilustrando com exemplos: para $k = 1$ e $N = 64$, temos $N_\lambda \approx 402$ pontos (excelente); para $k = 20$ e $N = 128$, temos $N_\lambda \approx 40$ pontos (bom); para $k = 100$ e $N = 256$, temos $N_\lambda \approx 16$ pontos (marginal). Para casos de alta frequência, recomendamos $N_\lambda \geq 20 - 30$ pontos por comprimento de onda.

Desempenho Computacional

- Os tempos de execução são os seguintes: para $N = 64$ temos 3.969 incógnitas e tempo de solução de 0.008 segundos utilizando SPLU; para $N = 128$ temos 16.129 incógnitas e tempo de 0.039 segundos (SPLU); para $N = 192$ temos 36.481 incógnitas e tempo de 0.117 segundos (SPLU); para $N = 256$ temos 65.025 incógnitas e tempo de 0.423 segundos utilizando GMRES+ILU, que se torna necessário para sistemas grandes. As otimizações implementadas resultam em ganhos significativos: o cache torna a construção aproximadamente 90% mais rápida, e a paralelização acelera o processamento em 3 a 4 vezes.

ANÁLISE E CONCLUSÕES

- O fenômeno de poluição numérica ocorre quando, mesmo com refinamento da malha, o erro cresce com o aumento do número de onda k . A causa fundamental é ter poucos pontos por comprimento de onda ($N_\lambda < 20$), o que leva a um erro de fase que se acumula e amplifica, fazendo com que a solução numérica "atrasse" espacialmente em relação à solução exata. A consequência é que a taxa de convergência degrada para $p < 2$, não atingindo a ordem teórica do método.
- Concluímos que o MDFC2 é adequado para valores moderados do número de onda, especificamente para $k \leq 20$, onde obtemos boa precisão com malhas razoáveis e erros aceitáveis menores que 5% com $N \geq 128$. A taxa de convergência confirma a ordem teórica de 2 para valores pequenos de k , com $p \approx 2.0$ para $k = 1$, validando tanto a implementação quanto a análise teórica.
- A eficiência da implementação é notável: o uso de matrizes esparsas resulta em redução drástica de memória, o sistema de cache torna a construção aproximadamente 90% mais rápida, a paralelização acelera o processamento em 3 a 4 vezes, e a seleção automática de solver garante robustez e eficiência para todos os casos. As perspectivas futuras incluem investigação de métodos de ordem superior (4^a ou 6^a ordem) que podem reduzir o efeito de poluição numérica, uso de malhas adaptativas que refinam localmente onde necessário, e desenvolvimento de pré-condicionadores especializados para a equação de Helmholtz.

PONTOS-CHAVE PARA DESTACAR

- Excelente precisão para $k = 1$: erro menor que 10^{-6} , demonstrando que o método funciona perfeitamente para baixas frequências.
- Boa precisão para $k = 20$ com $N \geq 128$: erro menor que 5%, mostrando que o método é adequado para frequências médias com malhas razoáveis.
- Poluição numérica severa para $k = 100$: erro superior a 300%, ilustrando as limitações do método para altas frequências.

- Importância do refinamento: ao aumentar de $N = 64$ para $N = 256$, reduzimos o erro em 21 vezes para $k = 20$, demonstrando a eficácia do refinamento de malha.
- Cache como otimização crítica: reduz o tempo de construção em aproximadamente 90%, sendo fundamental para viabilizar a análise de múltiplos casos.
- Implementação robusta: a seleção automática de solver garante solução para todos os casos, mesmo em situações problemáticas, através da estratégia de fallback.