## **AVIAN**

Ductoin	Mode	c50					c70					c80					Total
Protein		75	85	90	95	99	75	85	90	95	99	75	85	90	95	99	Total
01PB2	cov0	91	111	134	227	5130	240	255	276	355	5167	261	274	309	387	5177	15507
01PB2	cov1	18	33	52	135	5084	18	33	56	135	5088	18	33	55	135	5089	15507
02PB1	cov0	95	106	89	124	2882	223	234	238	272	2918	224	235	259	296	2937	15447
02PB1	cov1	27	36	40	75	2816	27	37	41	76	2816	27	36	41	77	2816	13447
03PA	cov0	55	66	52	2426	5501	195	208	168	2555	5551	249	259	198	2580	5564	15441
03PA	cov1	11	19	29	2400	5829	11	20	29	2402	5840	11	19	29	2404	5840	13441
04HA	cov0	74	103	173	1758	7010	116	167	231	2052	7048	151	170	259	2075	7058	15380
04HA	cov1	31	46	493	1672	7016	31	74	500	1942	7016	28	46	500	1943	7016	15560
05NP	cov0	8	11	23	62	3179	78	81	77	118	3219	94	97	90	130	3225	14682
05NP	cov1	5	8	12	52	3171	5	8	12	52	3171	5	8	12	52	3171	14002
06NA	cov0	57	109	163	591	2613	103	120	216	648	2663	133	150	242	675	2683	15442
06NA	cov1	24	36	273	543	2421	25	36	274	544	2422	25	36	274	544	2422	13442
07M1	cov0	6	6	8	35	538	10	10	12	42	542	10	10	13	42	542	15335
07M1	cov1	3	3	5	33	569	3	3	5	33	569	3	3	5	33	569	15555
07M2	cov0	15	141	112	553	2379	45	172	129	567	2391	106	215	180	614	2414	15124
07M2	cov1	14	58	106	555	2366	14	58	106	555	2366	14	58	106	555	2366	13124
08NEP	cov0	10	31	176	347	1730	29	43	192	366	1749	67	85	225	399	1766	15228
08NEP	cov1	9	29	211	437	1735	9	29	211	437	1735	9	29	211	437	1735	13220
08NS1	cov0	8	117	86	464	3187	14	125	93	469	3187	26	133	101	472	3189	15293
08NS1	cov1	4	115	81	554	3200	4	116	81	554	3200	5	115	81	554	3200	10230

## MAMMAL

Protein	Mode	c50					c70					c80					Total
rioteili		75	85	90	95	99	75	85	90	95	99	75	85	90	95	99	Total
01PB2	cov0	34	49	74	2099	4615	47	62	95	2115	4625	71	86	119	2133	4642	21880
01PB2	cov1	18	28	52	2080	4600	18	28	54	2083	4600	18	28	57	2083	4600	21000
02PB1	cov0	86	144	164	3266	4746	128	186	216	3308	4772	170	230	252	3358	4788	21829
02PB1	cov1	58	124	136	3244	4746	58	124	152	3246	4750	58	124	138	3246	4752	21029
03PA	cov0	44	68	102	672	8286	82	106	132	3566	8300	122	146	176	3610	8322	21856
03PA	cov1	24	50	72	650	8260	24	50	74	3512	8260	24	50	76	3516	8260	21000
04HA	cov0	39	46	148	1957	6732	88	103	221	2023	6799	117	134	258	2051	6808	22106
04HA	cov1	20	32	147	2030	6740	20	32	154	2038	6740	20	32	150	2038	6740	22106
05NP	cov0	15	18	621	79	2148	25	28	631	89	2153	33	35	636	93	2155	21865
05NP	cov1	6	9	614	70	2243	7	10	614	70	2244	7	10	614	70	2244	21000
06NA	cov0	25	31	56	322	2426	36	44	70	327	2437	49	57	85	325	2263	21845
06NA	cov1	13	21	45	293	2376	13	21	47	294	2377	13	21	47	294	2377	21045
07M1	cov0	10	12	12	266	1558	22	24	30	286	1568	30	32	40	294	1576	21791
07M1	cov1	2	4	6	260	1552	2	4	6	260	1552	2	4	6	260	1552	21/91
07M2	cov0	24	48	108	600	4178	54	82	124	614	4196	90	114	154	642	4234	21770
07M2	cov1	20	44	94	586	4168	20	44	94	586	4168	20	44	94	586	4168	21//0
08NEP	cov0	10	42	66	448	2728	18	44	76	456	2736	34	60	92	472	2740	21760
08NEP	cov1	4	34	60	462	2620	4	34	60	462	2620	4	34	60	462	2620	21700
08NS1	cov0	20	74	304	1008	7644	34	88	318	1022	7650	46	98	328	1032	7658	21737
08NS1	cov1	10	70	264	1034	7650	10	70	264	1034	7650	10	70	264	1034	7650	21/3/

mmseqs easy-linclust "\$f".fasta "\$f"\_cluster\_75 tmp --min-seq-id 0.75 -c 0.5 --cov-mode 0

		С	50		
Protein	CoV	75	85		
01PB2	cov0	91	111		
01PB2	cov1	18	33		