La inferencia de red es un proceso en el que se infieren genes a partir de otras en un espacio de expresión genética. Cada gen es inferido por uno o otro en un instante de tiempo anterior por ejemplo si se quisiera predecir:

G0 y se tuviera 20 instantes de tiempo, entonces la predeccion en un instante t1g0 esta inferida por un instante t0g0.

, el algoritmo que se plantea busca encontrar la mejor colección de genes y que infieran en la acción del gen, esta esta definida por dos estados cuando el gen esta activo ->1 y cuando no -> 0.Para eso selecciona un objetivo que es el gen a inferir y luego realiza una busqueda exhaustiva en un espacio de dimensiones, ademas para poder iterar entre el espacio de dimensiones se utiliza una funcion de error que permitira aproximar la mejor soluciones que exista entre el espacio de dimensiones. Esta mejor solucion se busca en cada grupo de una dimension **y quiza se posible determinar antes un valor de busqueda para que al asignarle un valor a un gen este se encuentre dentro de ese valor esperado.y ya no seguir iterando en todo el espacio.**

N comenzando desde:

-N=0

Aca no existe ninguna seleccion de gen y la funcion de error sera un default por ejemplo default=0

-N=1

Significa que buscara en cada grupo de genes compuestos por un solo gen:

{G1},{G2},{G3}.........

A cada grupo se les asignara una funcion de error donde alpha representa la funcion de error para cada grupo donde i> 0 && i<N

-N=2

Significa que buscara en el total de espacio de grupos compuestos por dos genes:

{G1,G2},{G1,G3},{G2,G3}.......

Y asi para las demas dimensiones.

Cuando encuentras empate entre grupos de genes, se elabora una funcion de desempate que clasifica los genes por conceptos biologicos.