Índice

Indice	1
Integrantes del grupo	2
Descripción del problema	2
Problema Real	2
Resolución del Problema	2
Librerías empleadas	2
Proceso	3
Análisis Exploratorio de Datos	3
DecisionTree	7
RandomForest	9
SVM	9
Naive-Bayes	9
Naive-Bayes Multinomial	10
Modelo elegido	11
Clustering	11
Elección del número de clusters	11

Integrantes del grupo

José Manuel Vega Gradit, Víctor Montesdeoca Fenoy e Iván Eugenio Tello López.

Descripción del problema

Problema Real

Una fábrica se encuentra con el reto de identificar unos cilindros y clasificarlos en dos grandes grupos: metales y rocas. El primero será utilizado en la construcción de un parque de atracciones, mientras que el segundo se utilizará con el propósito de fabricar elementos decorativos.

Para la empresa es de vital importancia minimizar la aparición de falsos positivos en la detección de metales y que utilizar rocas en lugar de metales para la construcción de las atracciones resultaría catastrófico.

Resolución del Problema

Consideramos como positivo que los cilindros sean metálicos. Debido a que los cilindros metálicos se van a usar para la construcción de una atracción, debemos priorizar que no haya falsos positivos ya que estos pondrían en peligro a la gente que se monte en la atracción.

Por tanto buscamos maximizar la **precisión** en la matriz de confusión.

Librerías empleadas

- Pandas: Librería de código abierto de python para la manipulación, análisis y visualización de datos, las características más atractivas que motivan el uso de esta librería son la flexibilidad, la rapidez y lo poderosa que es.
- Plotly: Librería de código abierto de python para realizar gráficas interactivas y de alta calidad.
- Cufflinks: Librería de python que conecta plotly con pandas para crear gráficas directamente sobre data frames.
- Sklearn: Es un conjunto de rutinas escritas en Python para hacer análisis predictivo, que incluyen clasificadores, algoritmos de clusterización, etc. Está basada en NumPy, SciPy y matplotlib.

Proceso

Análisis Exploratorio de Datos

En primer lugar, visualizamos las 10 primeras filas del conjuntos de datos para hacernos a la idea de cómo son los datos.

	V1	V2	V3	V4	V5	V6	V7	V8	V9	V10		V52	V53	V54	V55	V56	V57	V58	V59	V60	Class
0	0.0200	0.0371	0.0428	0.0207	0.0954	0.0986	0.1539	0.1601	0.3109	0.2111		0.0027	0.0065	0.0159	0.0072	0.0167	0.0180	0.0084	0.0090	0.0032	R
1	0.0453	0.0523	0.0843	0.0689	0.1183	0.2583	0.2156	0.3481	0.3337	0.2872		0.0084	0.0089	0.0048	0.0094	0.0191	0.0140	0.0049	0.0052	0.0044	R
2	0.0262	0.0582	0.1099	0.1083	0.0974	0.2280	0.2431	0.3771	0.5598	0.6194		0.0232	0.0166	0.0095	0.0180	0.0244	0.0316	0.0164	0.0095	0.0078	R
3	0.0100	0.0171	0.0623	0.0205	0.0205	0.0368	0.1098	0.1276	0.0598	0.1264		0.0121	0.0036	0.0150	0.0085	0.0073	0.0050	0.0044	0.0040	0.0117	R
4	0.0762	0.0666	0.0481	0.0394	0.0590	0.0649	0.1209	0.2467	0.3564	0.4459		0.0031	0.0054	0.0105	0.0110	0.0015	0.0072	0.0048	0.0107	0.0094	R
5	0.0286	0.0453	0.0277	0.0174	0.0384	0.0990	0.1201	0.1833	0.2105	0.3039		0.0045	0.0014	0.0038	0.0013	0.0089	0.0057	0.0027	0.0051	0.0062	R
6	0.0317	0.0956	0.1321	0.1408	0.1674	0.1710	0.0731	0.1401	0.2083	0.3513		0.0201	0.0248	0.0131	0.0070	0.0138	0.0092	0.0143	0.0036	0.0103	R
7	0.0519	0.0548	0.0842	0.0319	0.1158	0.0922	0.1027	0.0613	0.1465	0.2838		0.0081	0.0120	0.0045	0.0121	0.0097	0.0085	0.0047	0.0048	0.0053	R
8	0.0223	0.0375	0.0484	0.0475	0.0647	0.0591	0.0753	0.0098	0.0684	0.1487		0.0145	0.0128	0.0145	0.0058	0.0049	0.0065	0.0093	0.0059	0.0022	R
9	0.0164	0.0173	0.0347	0.0070	0.0187	0.0671	0.1056	0.0697	0.0962	0.0251		0.0090	0.0223	0.0179	0.0084	0.0068	0.0032	0.0035	0.0056	0.0040	R

10 rows × 61 columns

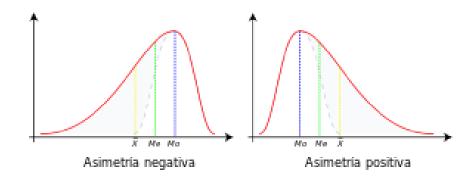
Parece que, salvando la columna de las clases todas las variables son numéricas. Como esto de vital importancia para utilizar los modelos con la librería de Sklearn (no funciona con variables categóricas), nos aseguramos viendo el tipo de datos de cada columna:

df.info() <class 'pandas.core.frame.DataFrame'> RangeIndex: 208 entries, 0 to 207 Data columns (total 61 columns): Column Non-Null Count Dtype 0 V1 208 non-null float64 1 V2 208 non-null float64 float64 V3 208 non-null float64 V4 208 non-null 208 non-null 208 non-null float64 V7 208 non-null float64 V8 208 non-null float64 8 float64 V9 208 non-null V10 208 non-null float64 208 non-null float64 11 V12 208 non-null float64 12 V13 208 non-null float64 13 V14 208 non-null float64 14 V15 208 non-null float64 208 non-null float64 15 V16 17 V18 208 non-null float64 18 V19 208 non-null float64 19 V20 208 non-null float64 20 float64 V21 208 non-null 21 V22 208 non-null float64 23 V24 208 non-null float64 24 V25 208 non-null float64

V26 208 non-null float64 26 V27 208 non-null float64 27 V28 208 non-null float64 V29 float64 28 208 non-null 29 V30 208 non-null float64 208 non-null 32 V33 208 non-null float64 33 V34 208 non-null float64 34 V35 208 non-null float64 35 V36 float64 208 non-null 208 non-null 38 208 non-null float64 39 V4a 208 non-null float64 40 V41 208 non-null float64 41 V42 208 non-null float64 42 V43 208 non-null float64 208 non-null 44 V45 208 non-null 45 V46 208 non-null float64 46 V47 208 non-null float64 47 V48 float64 208 non-null 48 V49 208 non-null float64 208 non-null float64 208 non-null 51 V52 208 non-null float64 52 V53 208 non-null float64 53 V54 208 non-null float64 54 V55 208 non-null float64 208 non-null float64 208 non-null float64 V58 208 non-null float64 58 V59 208 non-null float64 59 V60 208 non-null float64 60 208 non-null Class object

Tras esto, para poder entender mejor los resultados que vamos a obtener y ver si sería necesario normalizar los datos, miramos la distribución de los datos.

Primero, calculamos la métrica de *skewness* o asimetría estadística, que nos dirá la distribución que siguen nuestros datos, para cada columna. Si esta es negativa significará que la distribución es asimétrica positiva o a la derecha. mientras que si es positiva entonces la distribución es asimétrica negativa o a la izquierda. Además, si la asimetría es menor de -1 o mayor de 1, esto significa que los datos siguen una distribución muy asimétrica.



Buscamos las columnas con una asimetría menor que -1 o mayor que 1:

```
skewCols = df.skew()
 skewedCols = skewCols[skewCols.ge(1) | skewCols.le(-1)]
 skewedCols
٧1
       2.131088
       2.155644
V2
V3
       2.652518
٧4
       3.401697
V5
       2.018141
۷6
       1.248166
٧8
       1.481107
       1.633870
V9
V10
       1.281258
       1.022369
V14
V38
       1.033366
V44
       1.235086
V45
       1.366839
V46
       1.706674
V47
       1.790155
V48
       1.277722
V49
       1.273385
V50
       1.761714
V51
       2.716060
V52
       2.093976
V53
       1.060572
V54
       1.093090
V55
       1.789946
V56
       1.780805
V57
       1.653090
V58
       2.098330
V59
       1.737506
V60
       2.775754
```

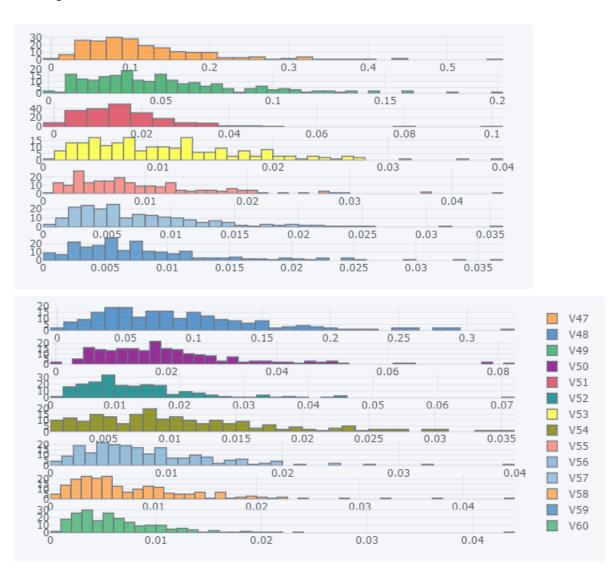
Hay un total de 28 columnas que cumplan esta condición. De manera gráfica, representando mediante histogramas con 50 barras, podmeos observar las distribuciones de cada una de ellas.

Las primeras 14 columnas:





Las segundas 14:



Estudio de posibles modelos

Los modelos de aprendizaje automático supervisado que vamos a estudiar son DecisionTree, RandomForest, SVM, Naive-Bayes y Naive-Bayes Multinomial.

DecisionTree

Es un algoritmo de clasificación que usa un modelo basado en un árbol de decisiones con sus consecuencias para predecir resultados.

<pre>print(classification_report(y_train, y_train_pred))</pre>								
	precision	recall	f1-score	support				
М	1.00	1.00	1.00	85				
R	1.00	1.00	1.00	81				
accuracy			1.00	166				
macro avg	1.00	1.00	1.00	166				
weighted avg	1.00	1.00	1.00	166				

<pre>print(classification_report(y_test, y_test_pred))</pre>								
	precision	recall	f1-score	support				
M R	0.80 0.55	0.62 0.75	0.70 0.63	26 16				
accuracy macro avg weighted avg	0.67 0.70	0.68 0.67	0.67 0.66 0.67	42 42 42				

Podemos ver con con el conjunto de train los resultados obtenidos son óptimos, sin embargo al trasladar el análisis al conjunto de test los resultados son mucho peores. Motivo por el que podemos concluir que ha habido overfitting o *sobreajuste*. Con esto en mente, realizamos Pre-Prunning usando GridSearch para encontrar el arbol más óptimo de entre una serie de árboles con unos parámetros de hojas y anchura ya dados:

```
params = {'max_depth': [2,4,6,8,10,12],
          'min samples split': [2,3,4,5],
          'min samples leaf': [1,2,3]}
tree = DecisionTreeClassifier(random state=0)
gcv = GridSearchCV(estimator=tree,param_grid=params)
gcv.fit(X_train, y_train)
gcv
GridSearchCV(estimator=DecisionTreeClassifier(random_state=0),
             param_grid={'max_depth': [2, 4, 6, 8, 10, 12],
                          'min samples leaf': [1, 2, 3],
                          'min_samples_split': [2, 3, 4, 5]})
 print(classification_report(y_train, y_train_pred))
              precision
                            recall f1-score
                                                support
                              0.99
           Μ
                    0.99
                                        0.99
                                                     85
           R
                    0.99
                              0.99
                                        0.99
                                                     81
                                        0.99
                                                    166
    accuracy
                                        0.99
                                                    166
   macro avg
                    0.99
                              0.99
weighted avg
                   0.99
                              0.99
                                        0.99
                                                    166
 print(classification_report(y_test, y_test_pred))
                            recall f1-score
              precision
                                                support
                   0.75
                              0.58
                                        0.65
                                                     26
                              0.69
                                        0.58
           R
                    0.50
                                                     16
                                        0.62
                                                     42
    accuracy
                                        0.62
   macro avg
                   0.62
                              0.63
                                                     42
weighted avg
                   0.65
                              0.62
                                        0.62
                                                     42
```

Habiendo realizado el Pre-Prunning vemos cómo ya no se produce overfitting como en el caso anterior pero los resultados obtenidos siguen lejos de ser óptimos con una precisión de 0,75.

RandomForest

Es un algoritmo utilizado para clasificación basado en una combinación de árboles predictores tal que cada árbol depende de los valores de un vector aleatorio probado independientemente y con la misma distribución para cada uno de estos.

<pre>print(classification_report(y_test,y_pred_rf))</pre>									
	precision	recall	f1-score	support					
M	0.91	0.77	0.83	26					
R	0.70	0.88	0.78	16					
accuracy	,		0.81	42					
macro avg	0.80	0.82	0.81	42					
weighted avg	0.83	0.81	0.81	42					

Para RandomForest, el valor de precisión buscado tiene un valor de 0.91

SVM

El objetivo de SVM es encontrar un hiperplano que separe dos clases diferentes de puntos de datos con el margen más amplio entre ambas clases.

```
        print(classification_report(y_test,y_pred_svm))

        precision recall f1-score support

        M
        0.96
        0.88
        0.92
        26

        R
        0.83
        0.94
        0.88
        16

        accuracy
        0.90
        42

        macro avg
        0.90
        0.91
        0.90
        42

        weighted avg
        0.91
        0.90
        0.91
        42
```

La precisión para SVM es de 0.96, siendo esta la mayor hasta el momento.

Naive-Bayes

Es un algoritmo basado en el teorema de bayes para clasificar objetos que asume que las variables del dataset no están relacionadas entre ellas.

<pre>print(classification_report(y_test,y_pred_nb_gaussian))</pre>								
	precision	recall	f1-score	support				
М	0.94	0.62	0.74	26				
R	0.60	0.94	0.73	16				
accuracy			0.74	42				
macro avg	0.77	0.78	0.74	42				
weighted avg	0.81	0.74	0.74	42				

Para Naive-Bayes tiene un 0.94 de precisión.

Naive-Bayes Multinomial

Se trata de un algoritmo basado en el teorema de Bayes para la clasificación de objetos que asume la independencia entre las variables del dataset, se diferencia de Naive-Bayes en que cuenta con un vector que indica el número de apariciones de cada elemento en particular.

<pre>print(classification_report(y_test,y_pred_nb_multinomial))</pre>								
	precision	recall	f1-score	support				
M R	0.88 0.76	0.85 0.81	0.86 0.79	26 16				
accuracy macro avg weighted avg	0.82 0.84	0.83 0.83	0.83 0.83 0.83	42 42 42				

La precisión para Naive-Bayes Multinomial es de 0.88 de precisión.

Modelo elegido

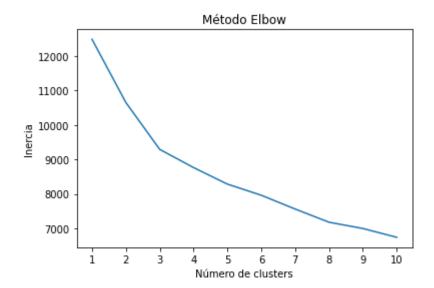
Por lo mostrado en el apartado anterior decidimos que el mejor modelo para este problema es SVM con un 0.96 de precisión.

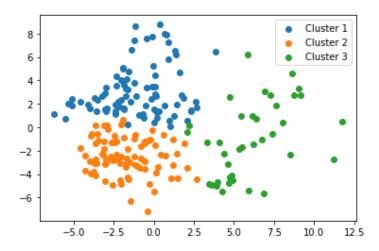
Clustering

Hemos utilizado algoritmos de aprendizaje no supervisado para intentar encontrar características comunes que permitan distinguir entre los metales y las rocas.

Elección del número de clusters

Utilizando el método del codo sobre el dataset, como el punto en el que se observa el cambio más brusco en la inercia nos dirá el número óptimo de Clusters, y en este caso ese punto es 3, el número total de clusters escogidos por el método del codo es 3.



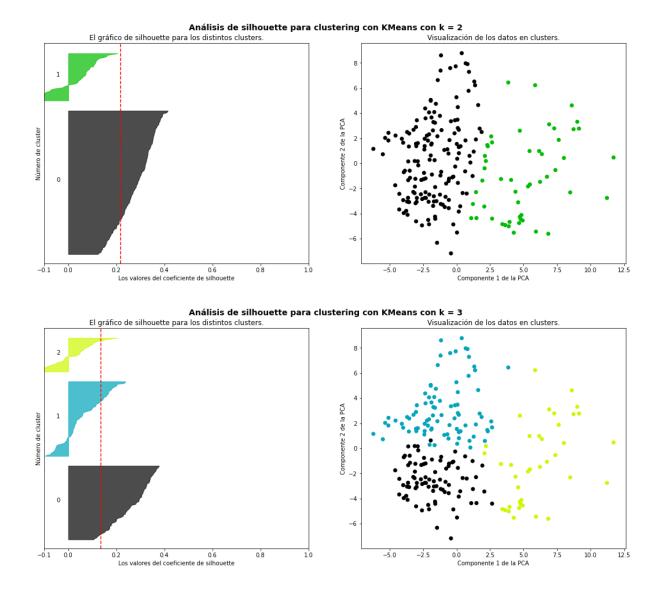


No obstante, no parece muy clara la distinción entre clusters, especialmente en la frontera de los Clusters 1 y 2. Por ello, vamos a buscar el número óptimo de clusters usando otro método.

Para ello vamos a utilizar la métrica de silhoutte la cual consiste en medir cómo de similar es un objeto de un cluster con sus vecinos pertenecientes al mismo y la diferencia con objetos de otros clusters, este ofrece valores comprendidos entre -1 y 1, donde un valor alto indica que un objeto se relaciona de forma adecuada con sus vecinos y se diferencia claramente de elementos de otros clusters. Con esta métrica los resultados obtenidos son:

Para k=2 La media de silhouette es : 0.2178194633782484 Para k=3 La media de silhouette es : 0.13471787253074766 Para k=4 La media de silhouette es : 0.13649098052831896 Para k=5 La media de silhouette es : 0.12229111527357212 Para k=6 La media de silhouette es : 0.13686609352797682 Para k=7 La media de silhouette es : 0.10803864268778789 Para k=8 La media de silhouette es : 0.11879259314239257 Para k=9 La media de silhouette es : 0.1165921836401728 Para k=10 La media de silhouette es : 0.11484793099580967

Como la media más alta de los valores es 0.2178... para k = 2, el número recomendado de clusters es 2.



Viendo la gráfica para ambos números de clusters (k = 2 y k = 3), podemos ver que para k = 2 sí hay una distinción algo más marcada entre los miembros de uno y otro conjunto.

Conclusión de los resultados

Con los resultados obtenidos, podemos asegurar que de cada 100 cilindros que clasifiquemos como un metal, 96 serán siempre metal. Esto garantiza el menor número posible de falsos positivos y la mayor seguridad para la atracción.

Por otro lado, para hacer una mejor interpretación de los clusters, se requeriría de trabajo adicional. Una vez visto que bajo nuestro criterio el número más óptimo de conjuntos es de 2 (lo cual coincide con el número de categorías para nuestro problema de clasificación), Podríamos añadir el cluster como variable en el conjunto de datos para ver si los 2 conjuntos obtenidos se corresponden con la categoría de metal y roca o hacer otros estudios.