Curso de introducción a Ciencia de Datos

Jose Luis Cumbrera July 2019

1 Introducción.

Este curso está orientado para personas con conocimiento en phyton y un nulo conocimiento en ciencia de datos, ya que se partirá desde cero. Para nuestro código en phyton se utilizará un software conocido como Anaconda Navigator, el cual es una distribución de phyton. Dentro de Anaconda usaremos un sistema basado en notebooks llamado Jupiter Notebook.

2 Anaconda Navigator.

- 1. Entar en la pagina oficial de la distribución anaconda Anaconda.
- 2. Seleccionar la distribucion 3.7, ya que la 2.7 está desactualizada y su soporte está anunciado que será retirado en unos años, por lo que no es muy recomendable.
- 3. Descargar la distribución pertinente para nuestro SO, ya sea Windows, Linux o macOS.
- 4. Una vez descargado e instalado ya tenemos la interfaz gráfica de la distribución.
- 5. Desde esa interfaz podemos seleccionar Jupiter Notebook, esta es la única herramienta que usaremos ahora, las demás podran ser útiles más adelante.

3 Jupiter Notebook.

- Jupiter es un notebook que cuenta con celdas, cada celda se compilaejecuta individualmente y mientras no se ejecuten las otras los resultados no cambiarán.
- Jupiter cuenta con 2 tipos de celdas:
 - Code: El contenido de las celda se ejecuta como código phyton.

- Markdown: EL contenido de la celda se basa en Latex, sirve para escribir apuntes, titulos, descripciones...
- $\bullet\,$ Para ejecutar una celda: ctrl + intro.

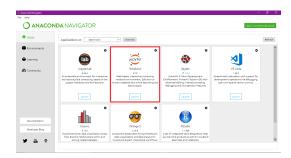


Figure 1: Jupiter Notebook en la distribución Anaconda.

4 Anaconda Prompt.

Comandos principales:

- Actualizar conda a la versión mas avanzada: conda update conda.
- Intalar cierto paquete phyton: pip install PACKAGE.