

| STAT243 Lecture 6 Parallelization

| 1 并行计算概述 (Overview of Parallelization)

🔗 Logic ▾

参考资料:

- [Tutorial on parallel processing using Python's Dask and R's future packages](#)
- [Tutorial on parallelization in various languages, including use of PyTorch and JAX in Python](#)

| 1.1 Context: 并行计算与操作系统

- **Linux 环境为主:**
 - 绝大多数高性能并行计算系统运行于 Linux 或其变体。
 - 这里主要讨论单机并行化 (single-machine parallelization), 在 Mac 与 Windows 上也均可运行, 但底层机制有所不同。
- **提升计算速度的几种途径:**
 1. **改进算法 (better algorithms)**
 - 在科学计算中非常关键, 但本单元不聚焦此方向。
 2. **更高效的算法实现 (efficient implementation)**
 - 如优化代码向量化、减少冗余运算 (Unit 5 讨论)。
 3. **更快的硬件 (faster computers)**
 - CPU 发展趋缓 (摩尔定律放缓), 但 GPU 技术发展迅猛。
 4. **更多计算资源 (more computers/processors)**
 - 利用更多 CPU、GPU 线程或计算节点进行任务分解并行执行 (本单元重点)。

| 1.2 并行化的常见应用场景

- **模型拟合任务**
 - 对数据拟合单一模型 (如随机森林、回归模型)。
 - 对同一数据拟合多种不同模型。
- **交叉验证与集成预测**
 - 在 10 折交叉验证中并行运行多种模型的预测。
 - 使用集成方法 (如 SuperLearner、贝叶斯模型平均) 对每一折的多模型进行组合。
- **分层分析 (Stratified Analysis)**
 - 对大型数据集的不同子组分别进行回归分析。
- **模拟研究 (Simulation Studies)**
 - 例如运行 1000 次重复模拟 (每次需拟合多个模型)。

| 1.3 并行化的可行性

- 需要思考以下问题:
 - 能否并行化?
 - 能否在笔记本或单台机器上运行?

- 是否需要多台机器（集群）以加快速度或扩大内存容量？
- 若不同任务 **相互独立、无需通信**，即可并行化执行。
 - 这种场景称为“**尴尬并行**”（**Embarrassingly Parallel, EP**）计算。

🔗 Logic ▾

之所以叫 "Embarrassingly Parallel", 是因为这种情形 "简单到令人尴尬, 没有什么好研究的"

| 2 Embarrassingly Parallel Problem

| 2.1 尴尬并行（Embarrassingly Parallel, EP）问题

- **定义**
 - 各任务可独立运行、互不依赖，也无需进程间通信。
 - 可将总任务拆分为多个独立子任务并行执行，最后合并结果。
- **典型统计应用**
 - 模拟实验中大量独立重复（replicates）
 - 自助法（Bootstrapping）
 - 分层分析（Stratified Analyses）
 - 随机森林（Random Forests）
 - 交叉验证（Cross-Validation）
- **特征**
 - 同一段代码作用于不同数据子集。
 - 各进程可能需要独立的随机数流（将在 Simulation 单元讨论）。

| 2.2 实现 EP 并行计算的条件

- 需要对多个 **进程（processes）** 拥有控制权。
- 在共享系统（如集群）中，通常需通过队列/调度系统：
 - 申请一定数量的 CPU；
 - 按多进程方式提交作业。

| 2.3 理想加速效果：线性加速（Linear Speedup）

- 若一个任务原本需时间（ T ），并行化后使用（ p ）个 CPU：
 - 理论执行时间 $\approx (T / p)$ （忽略少量通信与管理开销）。
 - 加速比（speedup） $\approx (p)$ ，即所谓 **线性加速（linear speedup）**。
 - 当加速比与 CPU 数量成比例时，说明并行化效率极高。

| 3 计算机体系结构 (Computer Architecture)

- **多处理器趋势**
 - 由于物理极限，单个处理器的速度提升变得困难，芯片行业转向在同一计算机上集成多个处理单元
 - 多处理器 (multi-processor) 和多核心 (multi-core) 架构因此成为主流
- **多核心计算机 (Multi-core computers)**
 - 每个 CPU 通常包含多个核心 (core)
 - 在个人电脑中，多个处理器或多核心共享同一主存 (shared memory)
- **超级计算机与集群 (Supercomputers and clusters)**

- 由大量节点 (nodes) 组成，每个节点拥有独立的 CPU 与内存
- 节点间通过高速网络连接，采用 **分布式内存 (distributed memory)** 结构
- 内存访问原则：访问本地内存远快于跨节点通信

☰ Example ▾

示例：**Perlmutter 超级计算机 (Lawrence Berkeley Lab)**

- 3072 个 CPU-only 节点 + 1792 个 GPU 节点
- 总约 50 万 CPU 核心
- 每节点 512 GB 内存，总计约 2.3 PB

🔗 Logic ▾

在学习中可不区分多核心与多处理器，重点在于是否 **共享内存**

4 常用术语 (Terminology)

术语	含义
cores	单台机器或单节点中的多个处理单元，例如 AMD EPYC 7763 每个 CPU 含 64 核心
nodes	集群中的独立计算机，每个节点有自己的内存
processes	程序的执行实例，可并发运行，理想情况下进程数不超过核心数
workers	实际执行并行任务的进程，与 process 可互换使用
tasks	单个计算单元，每个 process 在某个 core 上执行一个或多个 task
threads	单个进程中的多执行路径，被视为轻量级进程
forking	创建子进程，拥有独立的内存与进程 ID；未修改的对象可能共享父进程内存
scheduler	管理集群任务的调度程序，例如 Slurm
load-balanced	所有核心在计算过程中都被充分利用
sockets	R 中通过 socket 通信实现并行 (如多个 Rscript 进程间的交互)

5 共享内存与分布式内存 (Shared vs Distributed Memory)

类型	结构	特点
共享内存 (Shared Memory)	多核心共享同一内存空间	无需显式消息传递，但新建进程时可能复制对象
分布式内存 (Distributed Memory)	各节点独立内存，通过网络连接	依赖消息传递 (Message Passing) 机制如 MPI

5.1 共享内存 (Shared Memory)

- 所有核心访问相同内存，无需显式通信
- 使用线程 (threading) 时可让多个线程访问同一对象而不复制，否则创建新进程时仍会复制对象
- Python 与 R 通常能自动防止不同线程写入同一内存位置

🔗 Logic ▾

本单元将主要介绍两种共享内存并行方式

- 线程化线性代数 (Threaded Linear Algebra)
- 多核心功能 (Multicore Functionality)

5.1.1 Threading

- Threads 是单进程内的多执行路径
- 在系统监控工具 (如 Linux/macOS 的 `top`) 中, threaded code 可能使用超过 100% CPU, 代表多核并行

⚠ Remark ▾

与 超线程 (Hyperthreading) 不同: 超线程让一个核心在操作系统层面表现为两个逻辑核心

5.2 分布式内存 (Distributed Memory)

- 节点间通信需通过消息传递实现
- 标准协议为 MPI (Message Passing Interface), 常见实现包括 openMPI
- Python 与 R 的一些包在底层使用 MPI

🔗 Logic ▾

本课程聚焦使用 Dask 进行分布式并行 (非 MPI 实现)

6 GPU 加速 (GPUs)

- GPU (图形处理单元) 最初用于图像渲染, 具有大量简单计算单元, 可进行 大规模并行计算 (massively parallel computation)
- GPGPU (General-Purpose GPU Computing) 将 GPU 用于通用计算
- 使用方式:
 - 多数研究者不直接编写 GPU 程序, 而使用能自动利用 GPU 的软件, 例如 TensorFlow, PyTorch, JAX
 - GPU 执行的函数是在 GPU kernel 中执行的, CPU 负责总体流程, 将计算密集部分交由 GPU
 - GPU 与 CPU 主存独立, 应避免频繁数据传输
 - 启动 kernel 有额外开销, 应避免过多微小任务
- GPU 与 TPU 等协处理单元常被称为 co-processors, 用于辅助 CPU 计算

7 其他并行处理方式 (Other Parallel Approaches)

7.1 Spark 与 Hadoop

- 在 分布式内存环境 中实现计算
- 使用 MapReduce 框架 进行数据处理 (详见 Unit 7)

7.2 云计算 (Cloud Computing)

- 云服务提供商: AWS (EC2)、Google Cloud (GCP)、Microsoft Azure

- 采用 **按需付费 (pay-as-you-go)** 模式，租用虚拟机 (VM)
- 用户可选择操作系统 (Linux/Windows)、核心数量、内存配置
- 虚拟机可像物理机一样安装应用、加载数据、远程登录
- 可组合多台虚拟机形成 **虚拟集群 (virtual cluster)**，在云端运行数据库或 Spark 等平台

| 8 并行化策略 (Parallelization Strategies)

| 8.1 影响并行化效率的主要因素

在评估一种并行计算方案是否有效时，需要考虑以下因素：

- **内存使用量**：不同进程所占用的总内存量是否超出机器容量
- **通信需求量**：进程之间需要交换多少数据
- **通信延迟 (latency)**：在进程之间传递数据或启动子进程时的延时
- **同步等待**：某些进程是否需要等待其他进程完成后才能继续执行

| 8.2 并行计算的基本原则与建议

| 8.2.1 单节点 vs 多节点

- 若能在单个节点上使用共享内存完成计算，通常比在多个节点上运行更快
- 即使多节点拥有更多核心，通信开销仍可能使速度下降
- 如果任务需要处理大量数据或占用高内存，单机拥有足够内存的情况下会比使用 Spark/Hadoop 等框架更快
- 但如果单节点内存不足，则必须采用分布式内存架构

⚠ Remark: 总结 ▾

单节点内存足够就用单节点，否则用多节点

| 8.2.2 选择并行化的层次或维度

- 若存在嵌套循环，一般只在一个层次上进行并行化
- 可以考虑是否已经使用了线程化线性代数 (threaded linear algebra)，以避免多层并行导致过度开销
- 通常情况下，应并行化**外层循环**
- 目标是确保计算任务之间 **负载均衡 (load-balanced)**，同时 **减少通信**

| 8.2.3 平衡通信开销与核心利用率

- 若任务数量较少且执行时间不均，部分核心会空闲，导致负载不均衡
- 若任务数量过多且每个任务耗时极短，频繁启动与停止任务的开销会降低效率
- 因此需要在任务粒度和通信成本之间找到平衡

| 8.2.4 静态调度 (Prescheduling) vs 动态调度 (Dynamic Scheduling)

- **静态调度 (Prescheduling)**
任务在开始时就预先分配给各个进程

- 适用于任务数量多且耗时相似的情况
- 优点：减少通信开销
- 示例：6 个任务与 3 个 worker
 - worker1 → 任务 1 和 4
 - worker2 → 任务 2 和 5
 - worker3 → 任务 3 和 6
- **动态调度 (Dynamic Scheduling)**
任务按执行进度动态分配
 - 适用于任务数量少或耗时差异较大的情况
 - 优点：提高负载均衡性
 - 示例：
 - 初始时：worker1 任务 1, worker2 任务 2, worker3 任务 3
 - 当某个 worker 率先完成后，再分配下一个任务 (如任务 4)

R 中的任务调度控制:

- R 的部分并行函数允许手动指定是否预分配任务
- **future 包**中的 `future_lapply()` 可通过以下参数控制调度方式
 - `future.scheduling`
 - `future.chunk.size`
- **parallel 包**中的 `mclapply()` 提供参数
 - `mc.preschedule`
用于指定是否启用预调度

9 基本概念

- **Dask 概览**
 - Dask 是 Python 中用于并行计算的框架，与 R 的 **future** 包功能类似，可在单台或多台机器上实现任务并行化
 - 其重要特性在于支持 **分布式数据集 (distributed datasets)**：
 - 数据可被拆分为多个块 (chunks/shards)，并行执行计算

Logic ▾

分布式数据将在 Unit 7 中进一步介绍

- **其他并行框架**
除 Dask 外，Python 中还有许多并行化工具，例如
 - `ipyparallel`
 - `ray`
 - `multiprocessing`
 - `pp`

10 核心思想 (Key Idea)

Dask 与 R 的 **future** 包、Python 的 **ray** 包共享一个核心理念：
将“**并行化的定义**”与“**并行化的执行方式与资源**”解耦 (**abstraction**)

目标包括：

- **分离 what 与 how/where**
 - 在代码中定义要并行化的部分 (what)
 - 而具体如何与在哪里执行 (how/where) 由系统配置决定

- **可移植性**
 - 同一段代码可在不同计算资源上运行，无需修改代码本身

Logic ▾

代码运行所依赖的计算资源称为 **后端 (backend)**

11 并行后端 (Parallel Backends)

通过 **scheduler (调度器)** 控制并行化的执行方式，例如是否跨机器运行、每台机器使用的核心数等

示例：使用多个 Python 进程并行化计算



Python

```
1 import dask
2 dask.config.set(scheduler='processes', num_workers=4)
```

11.1 调度器类型对比表

类型	描述	支持多节点 multi-node	是否复制对象
synchronous	串行执行 (非并行)	否	否
threads	当前 Python 会话内的多线程	否	否
processes	多个后台 Python 进程	否	是
distributed	跨多节点的 Python 会话	是	是

11.2 关于 GIL 与线程调度

- Python 有 **全局解释器锁 (GIL)**，阻止纯 Python 代码的并行执行
- 因此 **threads** 调度器只适用于 **底层由 C/C++/Cython 实现** 的运算，如
 - **numpy** 数组计算
 - **pandas** DataFrame 操作
- 纯 Python 循环或逻辑不会真正并行化

11.3 使用 distributed 调度器的优势

- 可在单机使用 (如笔记本电脑)
- 相较于 **multiprocessing** 的优点包括：
 - 提供 **可视化监控仪表盘 (diagnostic dashboard)**
 - 更高效的内存复制与对象管理
- 进行 **并行 map 操作** 时必须使用 distributed 调度器

12 变量与 worker 的访问 (Variables and Workers)

12.1 隐式使用 delayed 装饰器

Dask 会自动识别并复制代码中所需的 **包与全局变量** 到 worker 进程中，无需手动导入或传递

示例：

```
Python
1 import dask
2 dask.config.set(scheduler='processes', num_workers=4, chunksize=1)
3
4 import numpy as np
5 n = 10
6
7 @dask.delayed
8 def myfun(idx):
9     return np.random.normal(size=n)
10
11 tasks = []
12 p = 8
13 for i in range(p):
14     tasks.append(myfun(i)) # 延迟创建任务 (lazy task)
15
16 results = dask.compute(tasks) # 并行执行所有任务
```

说明：

- `@dask.delayed` 装饰器将函数转为惰性 (lazy) 任务
- 这些任务会被添加到 Dask 的调度图中 (使用了 **Dynamic Scheduling**)，由调度器自动分配到不同进程执行
- 变量 `n` 和包 `numpy` 自动可用，无需显式传入

12.2 显式使用 delayed 装饰器

无需事先为函数添加 `@delayed` 装饰器，也可以直接调用：

```
Python
1 tasks.append(dask.delayed(myfun)(i))
```

这种写法的好处是 `myfun()` 可以根据具体场景决定要不要惰性执行：

- 若无需使用 Dask，只调用 `myfun(i)` 即可正常运行
- 若使用 Dask，可通过 `dask.delayed()` 将函数变为可并行的惰性任务

⚠ Remark: Exporting Variables ▾

- 在其他语言或并行框架中，通常需**显式地将对象复制到 worker 节点**，这一过程称为 **变量导出 (exporting)**
- 而 Dask 会自动完成此步骤，使用户无需关心底层数据传输与依赖管理

13 场景 1：单模型拟合 (One Model Fit)

具体情境：需要对数据拟合一个统计或机器学习模型，例如随机森林或回归模型

一般情境：并行化单个任务的执行

13.1 场景 1A：模型本身支持并行化

- 一些算法或库本身支持多核并行，只需通过参数启用

- 例如 scikit-learn 中的 `RandomForestClassifier` 可以通过 `n_jobs` 参数控制使用的核心数量



Python

```
1 import sklearn.ensemble
2 help(sklearn.ensemble.RandomForestClassifier)
```

⚠ Remark ▾

可以在查看模型文档时，寻找以下关键词: `threads` , `processes` , `cores` , `cpus` , `jobs` 等

| 13.2 场景 1B：并行化线性代数 (Parallelized Linear Algebra)

| 13.2.1 BLAS 与 LAPACK 简介

- **BLAS (Basic Linear Algebra Subprograms)**
用于基础线性代数运算的底层库 (Fortran/C 实现)
- **LAPACK (Linear Algebra PACKage)**
构建在 BLAS 之上，提供更复杂的矩阵分解算法

| 13.2.2 常见的高性能 BLAS 实现

名称	特点	许可
Intel MKL	免费教育许可，高度优化	免费 (教育用途)
OpenBLAS	开源，跨平台	免费
Apple Accelerate / vecLib	macOS 自带，优化良好	免费

| 13.2.3 BLAS 的多线程支持

- 这些 BLAS 实现除了单核性能高，还能在线性代数计算中自动多线程
- 前提是：
 - 程序正确链接到多线程 BLAS
 - 控制通用线程数的环境变量 `OMP_NUM_THREADS` 未被设置成 1

⚠ Remark ▾

- macOS 使用 `VECLIB_MAXIMUM_THREADS` 而不是 `OMP_NUM_THREADS`
- 若使用的是 Intel MKL, 则需要设置 `MKL_NUM_THREADS`

| 13.2.4 Python 中的多线程线性代数

- NumPy 与 SciPy 在底层调用 BLAS/LAPACK
- 使用优化版本 (MKL 或 OpenBLAS) 能显著提高性能
- BLAS 线程化配置取决于 Python 与 NumPy 的安装方式

| 13.2.5 示例代码



Python

```
1 import numpy as np
2 import time
```

```

3
4 x = np.random.normal(size=(6000, 6000))
5
6 start_time = time.time()
7 x = np.dot(x.T, x)
8 U = np.linalg.cholesky(x)
9 elapsed_time = time.time() - start_time
10 print("Elapsed Time (8 threads):", elapsed_time)

```

若将 `OMP_NUM_THREADS` 设置为 1 再运行，可比较单线程与多线程性能差异，实验结果如下：

设置	OMP_NUM_THREADS 值	实测时间
单线程	1	17.6 s
多线程（显式 8）	8	4.7 s
默认（未设置）	None	8.8 s

⚠ Remark ▾

小规模矩阵计算可能因线程启动与调度开销反而变慢

13.3 场景 1C：GPU 加速线性代数 (GPUs and Linear Algebra)

- 大规模矩阵运算是 GPU 的理想应用场景
- PyTorch、TensorFlow、JAX 等框架可在 CPU 与 GPU 上自动切换执行
- 内部通过不同的 **kernel (计算核)** 实现相同操作的 CPU/GPU 版本

13.3.1 示例：PyTorch GPU 加速矩阵乘法

```

Python
1 import torch
2
3 start = torch.cuda.Event(enable_timing=True)
4 end = torch.cuda.Event(enable_timing=True)
5
6 gpu = torch.device("cuda:0")
7 n = 10000
8 x = torch.randn(n, n, device=gpu)
9 y = torch.randn(n, n, device=gpu)
10
11 # GPU 计时
12 start.record()
13 z = torch.matmul(x, y)
14 end.record()
15 torch.cuda.synchronize()
16 print(start.elapsed_time(end)) # 约 120 ms
17
18 # CPU 对比
19 cpu = torch.device("cpu")
20 x = torch.randn(n, n, device=cpu)
21 y = torch.randn(n, n, device=cpu)
22
23 start.record()
24 z = torch.matmul(x, y)

```

```
25 end.record()
26 torch.cuda.synchronize()
27 print(start.elapsed_time(end)) # 约 18 秒
```

GPU 计算约 0.1–0.2 秒，CPU 计算约 18 秒，速度提升约 **100 倍以上**

更严谨的对比应考虑：

- GPU 默认使用 **4 字节浮点数 (float32)**
- CPU 线程数、内存带宽及浮点精度设定

13.4 场景 1D：向量化计算的并行化 (Parallelized Vectorized Calculations)

- 框架如 PyTorch、TensorFlow、JAX 可自动在 CPU 或 GPU 上并行化向量化操作
- 在 Unit 5 中，我们使用 JAX 对大型一维数组执行了向量化计算
- 若 GPU 可用，JAX 会自动将计算调度到 GPU

13.4.1 示例：JAX 向量化 GPU 加速

```
Python
1 import time
2 import jax
3 import jax.numpy as jnp
4
5 def myfun_jnp(x):
6     y = jnp.exp(x) + 3 * jnp.sin(x)
7     return y
8
9 n = 500_000_000
10 key = jax.random.key(1)
11 x_jax = jax.random.normal(key, (n,)) # 默认 32-bit 浮点数
12 print(x_jax.platform())
13
14 # GPU 计算
15 t0 = time.time()
16 z_jax1 = myfun_jnp(x_jax).block_until_ready()
17 t_gpu = round(time.time() - t0, 3)
18
19 # CPU 计算
20 cpu_device = jax.devices('cpu')[0]
21 with jax.default_device(cpu_device):
22     key = jax.random.key(1)
23     x_jax = jax.random.normal(key, (n,))
24     print(x_jax.platform())
25     t0 = time.time()
26     z_jax2 = myfun_jnp(x_jax).block_until_ready()
27     t_cpu = round(time.time() - t0, 3)
28
29 print(f"GPU time: {t_gpu}\nCPU time: {t_cpu}")
```

运行结果：

```
1 GPU time: 0.015
2 CPU time: 4.709
```

- GPU 明显更快，即使 JAX 在 CPU 上自动使用多线程

- 若强制让 JAX 使用 CPU，可尝试：

```
Python
1 jax.config.update('jax_platform_name', 'cpu')
```

但在某些环境下可能无效

14 场景 2：三个预测模型并行运行 (Three Prediction Methods on One Dataset)

具体情境：需要对同一数据拟合三种不同的统计或机器学习模型

一般情境：并行化少量任务

14.1 可选方案

- **方案 1：单核对应单模型**
若有三核，可将每个模型分配给一个核心并行运行
- **方案 2：结合场景 1 的思路**
若可用核心更多，可同时并行多个模型的内部运算
在集群环境下，可分配 **一个节点对应一个模型**，并在节点内部进行并行化

14.2 示例：使用 Dask 的 processes 调度器

```
Python
1 import dask
2 import time
3 import numpy as np
4
5 def gen_and_mean(func, n, par1, par2):
6     return np.mean(func(par1, par2, size=n))
7
8 dask.config.set(scheduler='processes', num_workers=3, chunksize=1)
9
10 n = 250_000_000
11 tasks = [
12     dask.delayed(gen_and_mean)(np.random.normal, n, 0, 1),
13     dask.delayed(gen_and_mean)(np.random.gamma, n, 1, 1),
14     dask.delayed(gen_and_mean)(np.random.uniform, n, 0, 1)
15 ]
16
17 t0 = time.time()
18 results = dask.compute(tasks)
19 print(time.time() - t0)
```

示例结果：约 16.03 秒

单线程顺序运行同样的任务约需 13.83 秒

思考

为什么没有达到理想的三倍加速？

可能原因包括：

- 数据分块与通信开销
- CPU 资源竞争或内存带宽瓶颈
- 各任务耗时略有差异，造成负载不均

14.3 延迟计算与同步机制 (Lazy Evaluation, Synchronicity, and Blocking)

- **延迟计算 (lazy evaluation)**
 - `dask.delayed()` 创建的对象并不会立即执行
 - 它只是计算任务的“图结构 (computational graph)”表示
- **同步计算 (synchronous execution)**
 - `dask.compute()` 会等待所有任务完成后才返回结果
 - 主进程在此期间被阻塞 (blocking call)
- **异步计算 (asynchronous execution)**
 - 若主进程在 worker 执行时即可继续运行，即称为非阻塞 (non-blocking)
- **关于 chunksize 参数**
 - 设置 `chunksize=1` 使每个 worker 立即启动一个任务
 - 若不设置，Dask 会将任务分组以减少任务启动的开销
 - 但在任务数量少的情况下，默认分组可能妨碍并行化效率

14.4 延迟计算与计算图的作用

- 延迟计算与 **依赖图 (computational graph)** 高度相关
- 当一个任务依赖另一个任务的结果时，Dask 会根据依赖关系自动确定执行顺序
- 整个任务流在运行前被优化为一个有向无环图 (DAG)，确保执行顺序正确且资源利用高效

15 场景 3：10 折交叉验证 (10-fold Cross-Validation) 与有限核心数

具体情境：在 10 折交叉验证中运行预测模型

一般情境：使用并行 map 进行任务分配

15.1 思路

- 每个折 (fold) 是一个独立的模型拟合任务
- 可通过 **parallel map** 同时在多个核心上运行
- 使用 **distributed scheduler**，即使在单机上也能实现并行

15.2 示例：Dask 并行交叉验证



Python

```
1 import numpy as np
2 import pandas as pd
3 from sklearn.ensemble import RandomForestRegressor
4 from sklearn.model_selection import KFold
5
6 def cv_fit(fold_idx):
7     train_idx = folds != fold_idx
8     test_idx = folds == fold_idx
9     X_train = X.iloc[train_idx]
10    X_test = X.iloc[test_idx]
11    Y_train = Y[train_idx]
```

```

12     model = RandomForestRegressor()
13     model.fit(X_train, Y_train)
14     predictions = model.predict(X_test)
15     return predictions
16
17 np.random.seed(1)
18 n, p = 1000, 50
19 X = pd.DataFrame(np.random.normal(size=(n, p)), columns=[f"X{i}" for i in range(1, p+1)])
20 Y = X["X1"] + np.sqrt(np.abs(X["X2"] * X["X3"])) + X["X2"] - X["X3"] +
    np.random.normal(size=n)
21
22 n_folds = 10
23 seq = np.arange(n_folds)
24 folds = np.random.permutation(np.repeat(seq, 100))

```



Python

```

1 from dask.distributed import Client, LocalCluster
2 n_cores = 2
3 cluster = LocalCluster(n_workers=n_cores)
4 c = Client(cluster)
5
6 tasks = c.map(cv_fit, range(n_folds))
7 results = c.gather(tasks)

```

⚠ Remark ▾

- 若核心数少于任务数 (如 10 折但仅 4 核), 则部分核心需轮流执行任务
- 后续场景将介绍可提升效率的动态任务分配策略

| 16 场景 4: 不同预测方法的并行化 (Parallelizing Over Prediction Methods)

情境: 不同预测模型或任务的执行时间差异较大

目标: 通过合理任务分配策略提升整体效率

| 16.1 动态分配 (Dynamic Allocation)

- 动态分配逐个启动任务, 而非预先分组
- 适用于任务执行时间差异较大的情形
- 可减少“部分核心提前完成而空闲”的情况

| 16.1.1 示例: 慢任务与快任务混合运行



Python

```

1 import numpy as np
2 import scipy.special
3 import time
4 from dask.distributed import Client, LocalCluster
5
6 n_cores = 4
7 cluster = LocalCluster(n_workers=n_cores)
8 c = Client(cluster)
9

```

```

10 # 4 个慢任务, 12 个快任务
11 n = np.repeat([5*10**7, 10**6, 10**6, 10**6], 4)
12
13 def fun(i):
14     print(f"Working on {i}.")
15     out = np.mean(scipy.special.gammaln(np.exp(np.random.normal(size=n[i]))))
16     print(f"Finishing {i}.")
17     return out
18
19 t0 = time.time()
20 tasks = c.map(fun, range(len(n)))
21 results = c.gather(tasks)
22 print(time.time() - t0)
23 cluster.close()

```

运行结果约 4.6 秒, 明显提升

- 动态分配依赖调度器实时管理任务, 可实现良好的负载均衡
- 若任务数量少, 仍可能出现多个慢任务被分配到同一核心的情况

16.2 静态分配 (Static Allocation)

- 默认情况下, `processes` 调度器按批次分配任务 (默认 `chunksize=6`)
- 若执行时间差异大, 可能造成不均衡

⚠ Remark ▾

难以研究 Dask 是如何将任务分配到 chunk 中的 (通过重复运行发现似乎存在一些随机性)



Python

```

1 import dask, time
2 dask.config.set(scheduler='processes', num_workers=4)
3
4 tasks = [dask.delayed(fun)(i) for i in range(len(n))]
5 t0 = time.time()
6 results = dask.compute(tasks)
7 print(time.time() - t0)

```

示例结果约 5.45 秒

16.3 强制动态分配 (Force Dynamic Allocation)

- 通过设置 `chunksize=1` 可强制动态分配
- 适合任务耗时差异较大时使用



Python

```

1 dask.config.set(scheduler='processes', num_workers=4, chunksize=1)
2
3 tasks = [dask.delayed(fun)(i) for i in range(len(n))]
4 t0 = time.time()
5 results = dask.compute(tasks)
6 print(time.time() - t0)

```

示例结果约 5.55 秒 (与默认设置相近, 但动态分配可在部分情况下更快)

16.4 选择策略：静态 vs 动态分配

情况	推荐策略	原因
任务耗时差异大	动态分配 (Dynamic)	避免某些核心空闲
任务数量多且耗时相近	静态分配 (Static)	减少调度开销 (~1ms/任务)
使用单机 + processes 调度器	默认静态, 可通过 <code>chunksize=1</code> 切换为动态	
使用 distributed 调度器	默认动态, 若需静态需自行分批提交任务	

补充：在 R 的 `future` 包中, 静态分配是默认行为


17 场景 5：多方法的 10 折交叉验证 (10-fold CV Across Multiple Methods)

具体情境：你正在运行一个集成预测方法 (如 SuperLearner 或 Bayesian model averaging), 在 10 折交叉验证中包含多个统计或机器学习模型

一般情境：需要并行化嵌套任务 (nested tasks) 或大量任务, 最好能跨多台机器运行


17.1 场景 5A：嵌套并行化 (Nested Parallelization)

- 当任务具有双层循环结构 (如“折 × 方法”) 时, 可以通过“扁平化循环 (flattening the loops)”来简化并行化
- 例如原始代码使用双层循环：

 Python


```
1 for fold in range(n):
2     for method in range(M):
3         ### code here
```

- 可以将其展开为单层循环：

 Python

```
1 for idx in range(n*M):
2     fold = idx // M
3     method = idx % M
4     ### code here
```

- 或在使用 Dask 时, 直接在嵌套循环中创建延迟任务列表：

 Python

```
1 for fold in range(n):
2     for method in range(M):
3         tasks.append(dask.delayed(myfun)(fold, method))
```

- 在 R 中, `future` 包提供了更直接的接口来处理嵌套循环的并行化

17.2 场景 5B：跨多节点的并行化 (Parallelizing Across Multiple Nodes)

- 若你能访问由多台机器组成的集群 (如 Linux 集群), Dask 可在多个节点上启动 worker 并进行任务调度
- 适用于:
 - 嵌套任务数量庞大
 - 或单层任务数量极多的情况

17.2.1 示例：使用 SSHCluster 启动多节点并行

```
Python
1 from dask.distributed import Client, SSHCluster
2
3 # 第一个主机为 scheduler
4 cluster = SSHCluster([
5     "gandalf.berkeley.edu",
6     "radagast.berkeley.edu",
7     "radagast.berkeley.edu",
8     "arwen.berkeley.edu",
9     "arwen.berkeley.edu"
10 ])
11 c = Client(cluster)
```

17.2.2 在 SLURM 集群中的用法

```
Python
1 import subprocess
2 machines = subprocess.check_output("srun hostname", shell=True,
3                                     universal_newlines=True).strip().split('\n')
4 machines = [machines[0]] + machines
```

17.2.3 示例任务

```
Python
1 def fun(i, n=10**6):
2     return np.mean(np.random.normal(size=n))
3
4 n_tasks = 120
5 tasks = c.map(fun, range(n_tasks))
6 results = c.gather(tasks)
```

17.2.4 检查使用的节点

```
Python
1 import subprocess
2 c.gather(c.map(lambda x: subprocess.check_output("hostname", shell=True),
3            range(4)))
4 cluster.close()
```

18 场景 6：大规模数据的分层分析 (Stratified Analysis on a Large Dataset)

具体情境： 你在一个极大的数据集上执行分层分析 (stratified analysis), 希望避免不必要的数据复制

一般情境： 在并行计算中, 尽量减少数据副本以节省内存与时间

18.1 数据复制的问题

- 在单节点上使用多进程时，每个进程通常都会复制一份原始数据
- 原因：不同进程拥有独立的内存空间，无法直接共享主进程中的对象
- 数据复制会导致：
 - 巨大的内存占用
 - 不必要的计算延迟

18.2 示例：使用 `processes` 调度器 (每任务复制一次)



Python

```
1 import dask, os, time, numpy as np
2
3 def do_analysis(i, x):
4     print(f"Object id: {id(x)}, process id: {os.getpid()}")
5     return np.mean(x)
6
7 n_cores = 4
8 x = np.random.normal(size=5*10**7)
9
10 dask.config.set(scheduler='processes', num_workers=n_cores, chunksize=1)
11
12 tasks = [dask.delayed(do_analysis)(i, x) for i in range(8)]
13 t0 = time.time()
14 results = dask.compute(tasks)
15 print(time.time() - t0)
```

输出显示每个进程都生成了不同的对象 ID，意味着数据被多次复制
示例结果：约 8.66 秒

18.3 使用 `threads` 调度器避免复制

- 在线程模式下，所有 worker 共享同一内存对象 (无复制)
- 速度大幅提升



Python

```
1 dask.config.set(scheduler='threads', num_workers=n_cores)
2 tasks = [dask.delayed(do_analysis)(i, x) for i in range(8)]
3 t0 = time.time()
4 results = dask.compute(tasks)
5 print(time.time() - t0)
```

输出显示所有线程使用相同的对象 ID
示例结果：约 0.11 秒

⚠ Remark ▾

注意：在多线程模式下，不应修改共享数据，否则可能引发竞争条件 (race condition)

18.3.1 使用 `distributed` 调度器实现“每 worker 一份副本”



Python

```
1 from dask.distributed import Client, LocalCluster
2 cluster = LocalCluster(n_workers=n_cores)
3 c = Client(cluster)
4
5 x = dask.delayed(x) # 延迟传递数据, 确保每个 worker 仅复制一次
6 tasks = [dask.delayed(do_analysis)(i, x) for i in range(8)]
7 t0 = time.time()
8 results = dask.compute(tasks)
9 print(time.time() - t0)
10 cluster.close()
```

输出约 1.4 秒, 性能优于多进程模式

但 Dask 会给出警告, 提示传输的数据量较大 (381 MiB), 建议使用 `scatter()` 等方式优化

19 场景 7: 模拟研究与并行随机数生成 (Simulation Study with Parallel RNG)

具体情境: 运行 $n=1000$ 次模拟, 每次包含两个模型拟合

一般情境: 在并行环境中安全地生成随机数, 避免不同进程使用相同的随机序列

19.1 问题背景

- 计算机生成的是**伪随机数 (pseudo-random numbers)**, 由确定性算法产生
- 若多个进程使用相同的随机数种子 (seed), 可能产生重叠序列
- 为保证模拟的独立性, 需为每个任务分配**唯一且不重叠的随机序列**

19.2 方法一: 使用 PCG64 生成器的 jumped() 方法



Python

```
1 bitGen = np.random.PCG64(1)
2 rng = np.random.Generator(bitGen)
3 rng.random(size=3)
```

- 可通过 `jumped()` 前进生成器状态:



Python

```
1 bitGen = np.random.PCG64(1)
2 bitGen = bitGen.jumped(1)
3 rng = np.random.Generator(bitGen)
4 rng.normal(size=3)
```

- 两次连续跳跃等价于 `jumped(2)`:



Python

```
1 bitGen = np.random.PCG64(1)
2 bitGen = bitGen.jumped(1)
3 bitGen = bitGen.jumped(1)
4 rng = np.random.Generator(bitGen)
5 rng.normal(size=3)
```

19.3 方法二：使用 Mersenne Twister (MT19937)



Python

```
1 bitGen = np.random.MT19937(1)
2 bitGen = bitGen.jumped(1)
3 rng = np.random.Generator(bitGen)
4 rng.normal(size=3)
```

19.4 并行随机数生成策略

为每个任务分配不同的子序列：



Python

```
1 def myrandomfun(i):
2     bitGen = np.random.PCG64(1)
3     bitGen = bitGen.jumped(i)
4     rng = np.random.Generator(bitGen)
5     # 任务内部生成随机数
```

或使用 `SeedSequence.spawn()` 自动创建独立 RNG：



Python

```
1 n_tasks = 10
2 sg = np.random.SeedSequence(1)
3 rngs = [np.random.Generator(np.random.PCG64(s)) for s in sg.spawn(n_tasks)]
4
5 def myrandomfun(rng):
6     z = rng.normal(size=5)
```

- 这样每个任务使用独立的随机数子流
- 在 R 中，可使用 `rlecuyer` 包实现同样功能，基于 **L'Ecuyer 算法**，其随机数周期极长并安全分割为子序列