A6_RegresionPoisson

Josue Salvador Cano Martinez

2022-11-06

Cargar datos

Base de datos warpbreaks que contiene datos del hilo para identificar cuáles variables predictoras af data<-warpbreaks head(data,10)

##		breaks	wool	tension
##	1	26	Α	L
##	2	30	Α	L
##	3	54	Α	L
##	4	25	Α	L
##	5	70	Α	L
##	6	52	Α	L
##	7	51	Α	L
##	8	26	Α	L
##	9	67	Α	L
##	10	18	Α	M

Análisis de base de datos

Descripción de variables y número de datos. Descripción de los valores que toma y que tipo de variable son

```
ls.str(data)

## breaks : num [1:54] 26 30 54 25 70 52 51 26 67 18 ...

## tension : Factor w/ 3 levels "L","M","H": 1 1 1 1 1 1 1 1 1 2 ...

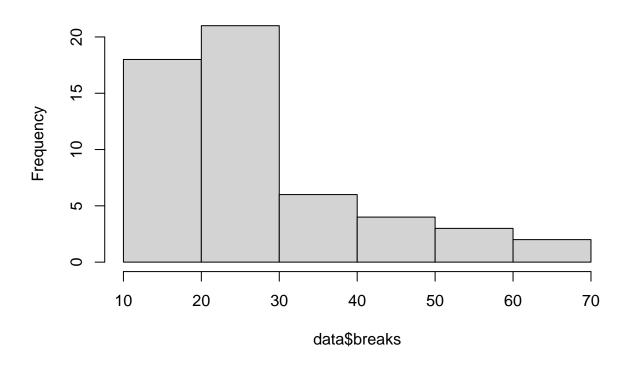
## wool : Factor w/ 2 levels "A","B": 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 ...
```

breaks es la variable respuesta que representa el número de rupturas, mientras que wool (tipo de lana

Análisis del histograma del número de rupturas

hist(data\$breaks)

Histogram of data\$breaks



Se puede observar que la distribución de los datos no sigue una distribución normal.

Media y varianza del número de rupturas

```
# Calcular media
mean(data$breaks)

## [1] 28.14815

# Calcular varianza
var(data$breaks)
```

[1] 174.2041

La media y la varianza son diferentes, se puede apreciar que la varianza es mucho mayor que la media,

Ajuste del modelo de regresión Poisson

```
poisson.model<-glm(breaks ~ wool + tension, data, family = poisson(link = "log"))
summary(poisson.model)
## Call:
## glm(formula = breaks ~ wool + tension, family = poisson(link = "log"),
       data = data)
## Deviance Residuals:
      Min
                1Q
                    Median
                                  3Q
                                          Max
## -3.6871 -1.6503 -0.4269
                                        4.2616
                             1.1902
##
## Coefficients:
              Estimate Std. Error z value Pr(>|z|)
## (Intercept) 3.69196
                          0.04541 81.302 < 2e-16 ***
## woolB
              -0.20599
                          0.05157 -3.994 6.49e-05 ***
## tensionM
              -0.32132
                          0.06027 -5.332 9.73e-08 ***
                          0.06396 -8.107 5.21e-16 ***
## tensionH
              -0.51849
## ---
## Signif. codes: 0 '*** 0.001 '** 0.01 '* 0.05 '.' 0.1 ' 1
## (Dispersion parameter for poisson family taken to be 1)
      Null deviance: 297.37 on 53 degrees of freedom
## Residual deviance: 210.39 on 50 degrees of freedom
## AIC: 493.06
## Number of Fisher Scoring iterations: 4
# Como se puede apreciar, el p-value es menor que 0.05, lo cual permite entender el impacto de las vari
# Debido a que la desviación residual es mayor que los grados de libertad, se puede entender que existe
poisson.model2<-glm(breaks ~ wool + tension, data = data, family = quasipoisson(link = "log"))
summary(poisson.model2)
##
## glm(formula = breaks ~ wool + tension, family = quasipoisson(link = "log"),
##
      data = data)
##
## Deviance Residuals:
                     Median
                                          Max
      Min
                1Q
                                  3Q
## -3.6871 -1.6503 -0.4269
                             1.1902
                                       4.2616
##
## Coefficients:
              Estimate Std. Error t value Pr(>|t|)
## (Intercept) 3.69196
                          0.09374 39.384 < 2e-16 ***
              -0.20599
                          0.10646 -1.935 0.058673 .
## woolB
```

```
## tensionM   -0.32132    0.12441   -2.583    0.012775 *
## tensionH   -0.51849    0.13203   -3.927    0.000264 ***
## ---
## Signif. codes: 0 '***' 0.001 '**' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
##
## (Dispersion parameter for quasipoisson family taken to be 4.261537)
##
## Null deviance: 297.37    on 53    degrees of freedom
## Residual deviance: 210.39    on 50    degrees of freedom
## AIC: NA
##
## Number of Fisher Scoring iterations: 4

# Para tener un error estándar más correcto se hace uso de un modelo quasipoisson.
```

Comparación de modelos

tensionM

tensionH

```
library(arm)
## Warning: package 'arm' was built under R version 4.2.2
## Loading required package: MASS
## Loading required package: Matrix
## Loading required package: lme4
## arm (Version 1.13-1, built: 2022-8-25)
## Working directory is C:/Users/josue/Documents/OneDrive - Instituto Tecnologico y de Estudios Superior
# Coeficientes del primer modelo
coefFirstModel = coef(poisson.model)
# Coeficientes del segundo modelo
coefSecondModel = coef(poisson.model2)
# Errores estándar del primer modelo
errFirstModel = se.coef(poisson.model)
# Errores estándar del segundo modelo
errSecondModel = se.coef(poisson.model2)
# Combinación de valores
twoModels <- cbind(coefFirstModel, errFirstModel, coefSecondModel, errSecondModel, exponent = exp(coefF
twoModels
##
              coefFirstModel errFirstModel coefSecondModel errSecondModel
## (Intercept)
                  3.6919631 0.04541069 3.6919631 0.09374352
## woolB
                  -0.2059884 0.05157117
                                               -0.2059884
                                                              0.10646089
```

-0.3213204 0.12440965 -0.5184885 0.13203462

-0.3213204 0.06026580

-0.5184885 0.06395944

```
## exponent
## (Intercept) 40.1235380
## woolB 0.8138425
## tensionM 0.7251908
## tensionH 0.5954198
```

En el resultado anterior se puede apreciar que los coeficientes son los mismos, pero los errores estándar son diferentes. Teniendo en cuenta esto, la estimación de la lana tiene un valor de '0.2059884 con un exponente de 0.8138425. Lo anterior nos dice que el cambio de tipo de lana A a tipo de lana B da como resultado una disminución de roturas 0.8138425 veces la intersección porque la estimación del coeficiente es negativa, es decir, si se cambia el tipo de lana A a B, el número de roturas caerá un 18% suponiendo que las demás variables permanecen iguales.