

목차

4.7 LightGBM

- 4.7.1 소개
- 4.7.2 하이퍼 파라미터
- 4.7.3 파이선 래퍼 LightGBM/사이킷런 래퍼 XGBoost, LightGBM 하이퍼 파라미터 비교
- 4.7.4 LightGBM 적용 위스콘신 유방암 예측

4.8 분류실습 - 캐글 산탄데르 고객 만족예측

- 4.8.1 데이터 설명
- 4.8.2 목표

4.7.1 소개

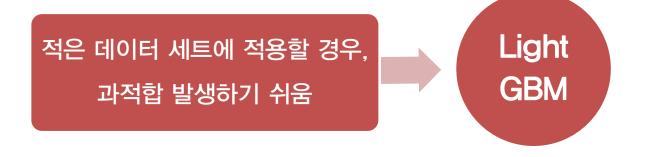
: XGBoost와 함께 부스팅 계열 알고리즘에서 각광 받고 있음.

: from lightgbm import LGBMClassifier



[XGBoost 대비 LightGBM의 장점]

4.7.1 소개



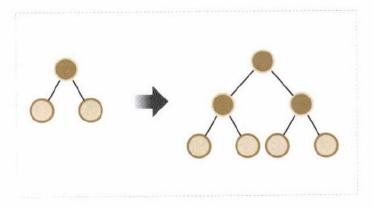
[XGBoost 대비 LightGBM의 단점]

* 적은 데이터 - 10,000개 이하

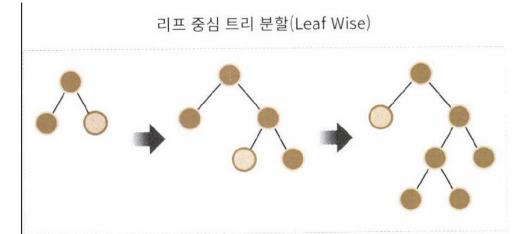
4.7.1 소개

: LightGBM과 일반 GBM 계열의 트리분할 방법의 차이점

균형 트리 분할(Level Wise)



- → 일반 GBM 계열
- 트리의 깊이 최소화
- 오버피팅에 강한구조
- 균형을 맞추기 위한 시간 필요



−⟩ LightGBM

최대손실값을 가지는리프노드를 지속적으로 분할예측오류손실 최소화 가능

4.7.2 하이퍼 파라미터

: LightGBM의 하이퍼 파라미터는 XGBoost와 많은 부분이 유사

: 유의할점 - 리프노드가 계속 분할되며 트리가 깊어지므로, 이에 맞는 하이퍼 파라미터 설정 필요.

(하이퍼 파라미터 튜닝방안)

- 방안1. num_leaves의 개수를 중심으로 min_child_samples, max_depth를 함께 조정하면서 모델의 복잡도를 줄이는 것
 - : num_leaves 개별 트리가 가질 수 있는 최대리프의 개수
 - : min_child_samples min_sample_leaf 인데 이름만 바뀐 것.
 - : max_depth 명시적으로 깊이의 크기를 제한
- 방안2. learning_rate를 작게하면서, n_estimators를 크게 하는 것. (부스팅계열 튜닝에서 가장 기본적인 튜닝방안)

4.7.3 파이선 래퍼 LightGBM/사이킷런 래퍼 XGBoost, LightGBM 하이퍼 파라미터 비교

유형	파이썬 래퍼 LightGBM	사이킷런 래퍼 LightGBM	사이킷런 래퍼 XGBoos
파라미터명	num_iterations	n_estimators	n_estimators
	learning_rate	learning_rate	learning_rate
	max_depth	max_depth	max_depth
	min_data_in_leaf	min_child_samples	N/A
	bagging_fraction	subsample	subsample
	feature_fraction	colsample_bytree	colsample_bytree
	lambda_l2	reg_lambda	reg_lambda
	lambda_l1	reg_alpha	reg_alpha
	early_stopping_round	early_stopping_rounds	early_stopping_rounds
	num_leaves	num_leaves	N/A
	min_sum_hessian_in_leaf	min_child_weight	min_child_weight

- 유형마다 **파라미터명이 다르구나!** 정도만 알아두면 됨.

4.7.4 LightGBM 적용 - 위스콘신 유방암 예측

1. 데이터 전처리

- •Sklearn.datasets 에서 load_breast_cancer 데이터 이용
- •학습용 데이터(80%) 테스트용 데이터(20%)추출

2.LightGBM 모델학습

- •LightGBM 객체 생성 n_estimators는 400으로 설정
- •조기중단 수행가능하도록 early_stopping_rounds, eval_metric, eval_set 설정
- •fit()과 predict() 시행

3. 예측 성능 평가

•get_clf_eval로 오차행렬, 정확도, 정밀도, 재현율, F1스코어, AUC 알아보기

4. 시각화

•plot_importance()를 이용해 피처 중요도 시각화(from lightgbm import plot_importance)

4.7.4 LightGBM 적용 - 위스콘신 유방암 예측



- •Sklearn.datasets 에서 load_breast_cancer 데이터 이용
- •학습용 데이터(80%) 테스트용 데이터(20%)추출

```
#LightGBM의 파이썬 패키지인 lightgbm에서 LGBMClassifier

import pandas as pd
import numpy as np
from sklearn.datasets import load_breast_cancer
from sklearn.model_selection import train_test_split

dataset=load_breast_cancer()
ftr=dataset.data
target=dataset.target
#전체 데이터 중 80%는 학습용 데이터, 20%는 테스트용 데이터 추출
X_train,X_test,y_train,y_test=train_test_split(ftr,target,test_size=0.2,random_state=156)
```

4.7.4 LightGBM 적용 - 위스콘신 유방암 예측

2.LightGBM 모델학습

- •LightGBM 객체 생성 n_estimators는 400으로 설정
- •조기중단 수행가능하도록 early_stopping_rounds, eval_metric, eval_set 설정
- •fit()과 predict() 시행

#앞서 XGBoost와 동일하기 n_estimators는 400설정 |gbm_wrapper=LGBMC|assifier(n_estimators=400)

#LightGBM도 XGBoost와 동일하게중단 수행 가능.

evals=[(X_test,y_test)]

lgbm_wrapper.fit(X_train,y_train,early_stopping_rounds=100,eval_metric='logloss',eval_set=evals,verbose=True)
preds=lgbm_wrapper.predict(X_test)

4.7.4 LightGBM 적용 - 위스콘신 유방암 예측



get_clf_eval(y_test, preds)

In [6]:

•get_clf_eval로 오차행렬, 정확도, 정밀도, 재현율, F1스코어, AUC 알아보기

```
In [4]:

from sklearn.metrics import confusion_matrix, accuracy_score
from sklearn.metrics import precision_score, recall_score
from sklearn.metrics import f1_score, roc_auc_score

def get_clf_eval(y_test , pred):
        confusion = confusion_matrix( y_test, pred)
        accuracy = accuracy_score(y_test , pred)
        precision = precision_score(y_test , pred)
        recall = recall_score(y_test , pred)
        f1 = f1_score(y_test, pred)
        roc_auc = roc_auc_score(y_test, pred)
        print('P\times \text{ vid})
        print(confusion)
        print('As\times \text{ {0: .4f}, } \text{ NBE}: {1: .4f}, \text{ MBE}: {2: .4f}, \text{ The conduction, recall, f1, roc_auc)}
```

```
오차행렬
[[33 4]
[2 75]]
정확도: 0.9474. 정밀도: 0.9494. 재현율: 0.9740.f1스코어: 0.9615. AUC: 0.9330
```

4.7.4 LightGBM 적용 - 위스콘신 유방암 예측

4. 시각화

•plot_importance()를 이용해 피처 중요도 시각화(from lightgbm import plot_importance)

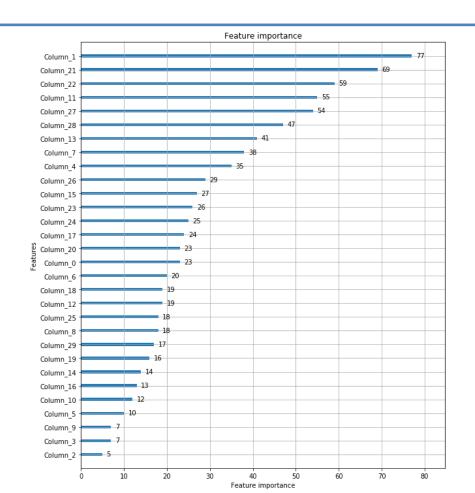
```
#plot_importance()를 이용하여 feature 중요도 시각화
from lightgbm import plot_importance
import matplotlib.pyplot as plt
%matplotlib inline

fig,ax=plt.subplots(figsize=(10,12))
plot_importance(lgbm_wrapper,ax=ax)
```

4.7.4 LightGBM 적용 - 위스콘신 유방암 예측

4. 시각화

•plot_importance()를 이용해 피처 중요도 시각화(from lightgbm import plot_importance)



4.8.1 데이터 설명

피처 370개 **클래스 레이블명** TARGET

(1:불만족, 0: 만족)

모델 성능평가 AUC

4.8.2 목표

: 고객 만족 여부를 XGBoost와 LightGBM을 활용하여 예측하자!

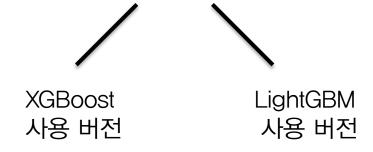
https://www.kaggle.com/c/santander-customer-satisfaction/data

에서 데이터 santander 다운받고 시작하기!

1차설계 - 대략적 flow만 정하기

Step1. 데이터 전처리

Step2.모델 학습과 하이퍼 파라미터 튜닝



Step3. 시각화

2차설계 - 구체적 flow 정하기

Step1. 데이터 전처리

- 1. 데이터 전처리에 필요한 패키지, 모듈 import 하기 (numpy, pandas, matplotlib.pyplot, matplotlib 필요)
- 2. train_scatander.csv 파일 로딩하기(변수명: cust_df)
- 3. data의 정보 파악(.shape , info(), value_counts(), describe()사용) 3-1. shape사용
 - 3-2. info 사용 Null 값 확인을 위하여
 - 3-3. value counts() 사용 클래스레이블의 분포 파악을 위해
 - 3-4. describe() 사용 각 피처의 값 분포확인을 위해 (결측값이 있는 피처 결측값 대체, 필요없는 피처 드롭하기)
- 4. 피처세트와 레이블 세트 분리. (피처 세트 변수명: X_features, 레이블 세트 변수명: y_labels)
- 5. 학습 데이터세트와 테스트 데이터 세트 분리

2차설계 - 구체적 flow 정하기

Step2.모델 학습과 하이퍼 파라미터 튜닝

모델학습

- 1. 필요한모듈 import하기 (XGBClassifier와 roc_auc_score 필요)
- 2. XGBoost 학습 모델 생성(변수명: xgb_clf) (n_estimators는 500으로, random_state는 156으로 설정)
- 3.성능평가지표를 auc로, 조기중단 파라미터는 100, eval_metric은 auc로, eval_set는 학습데이터와 테스트 데이터로 설정하고 학습 수행
- 4. auc 파악(변수명: xgb_roc_score)

2차설계 - 구체적 flow 정하기

Step2.모델 학습과 하이퍼 파라미터 튜닝

하이퍼 파라미터 수행

- 1. 필요한 모듈 import 하기(GridSearchCV) 하이퍼 파라미터 테스트의 수행속도를 향상시키기 위해 n_estimators=100으로 감소
- 2. 파라미터 설정(변수명 params max_depth, min_child_weight, colsample_bytree 지정)
- 3. GridSearchCV 객체 만들기 (수행 속도 향상을 위해cv를 지정하지 않음.) (변수명: gridcv)
- 4. 학습 수행
- 5. 위에서 GridSearchCV로 구한 최적 하이퍼 파라미터를 이용하여 다시 최적화 진행

2차설계 - 구체적 flow 정하기

Step3. 시각화

1. 필요한 모듈 import 하기 (plot_importance, matplotlib)

```
#plot_importance()를 이용하여 feature 중요도 시각화
from lightgbm import plot_importance
import matplotlib.pyplot as plt
%matplotlib inline
```