



USAC
TRICENTENARIA
Universidad de San Carlos de Guatemala

Manual de usuario

Juan José Gerardi Hernandez
Carné: 201900532

Descripción del Programa

Se realizó un programa donde se lee un documento .xml el cual posee un listado de organismos los cuales traen sus posiciones en x y en y

Formato del archivo “.xml”:

```
1  <?xml version="1.0" ?>
2  <datosMarte>
3    <listaOrganismos>
4      <organismo>
5        <codigo>0A</codigo>
6        <nombre>A</nombre>
7      </organismo>
8      <organismo>
9        <codigo>0B</codigo>
10       <nombre>B</nombre>
11     </organismo>
12     <organismo>
13       <codigo>0C</codigo>
14       <nombre>C</nombre>
15     </organismo>
16     <organismo>
17       <codigo>0D</codigo>
18       <nombre>D</nombre>
19     </organismo>
20   </listaOrganismos>
21   <listadoMuestras>
22     <muestra>
23       <codigo>muestra_1</codigo>
24       <descripcion>muestra_1</descripcion>
25       <filas>30</filas>
26       <columnas>30</columnas>
27       <listadoCeldasVivas>
28         <celdaViva>
29           <fila>25</fila>
30           <columna>22</columna>
31           <codigoOrganismo>0A</codigoOrganismo>
32         </celdaViva>
33         <celdaViva>
34           <fila>1</fila>
35           <columna>1</columna>
36           <codigoOrganismo>0A</codigoOrganismo>
37         </celdaViva>
38         <celdaViva>
39           <fila>26</fila>
40           <columna>29</columna>
41           <codigoOrganismo>0B</codigoOrganismo>
42         </celdaViva>
43         <celdaViva>
44           <fila>8</fila>
45           <columna>15</columna>
46           <codigoOrganismo>0D</codigoOrganismo>
47         </celdaViva>
48         <celdaViva>
49           <fila>6</fila>
50           <columna>6</columna>
51           <codigoOrganismo>0C</codigoOrganismo>
52         </celdaViva>
53         <celdaViva>
54           <fila>24</fila>
55           <columna>3</columna>
56           <codigoOrganismo>0A</codigoOrganismo>
57         </celdaViva>
58         <celdaViva>
59           <fila>30</fila>
60           <columna>30</columna>
61           <codigoOrganismo>0C</codigoOrganismo>
62         </celdaViva>
63         <celdaViva>
64           <fila>10</fila>
65           <columna>15</columna>
66           <codigoOrganismo>0B</codigoOrganismo>
67         </celdaViva>
68         <celdaViva>
69           <fila>25</fila>
70           <columna>29</columna>
71           <codigoOrganismo>0B</codigoOrganismo>
72         </celdaViva>
73         <celdaViva>
74           <fila>13</fila>
75           <columna>16</columna>
76           <codigoOrganismo>0D</codigoOrganismo>
77         </celdaViva>
78         <celdaViva>
79           <fila>19</fila>
80           <columna>18</columna>
81           <codigoOrganismo>0C</codigoOrganismo>
82         </celdaViva>
83         <celdaViva>
84           <fila>20</fila>
85           <columna>21</columna>
86           <codigoOrganismo>0D</codigoOrganismo>
87         </celdaViva>
88         <celdaViva>
89           <fila>2</fila>
90           <columna>22</columna>
91           <codigoOrganismo>0A</codigoOrganismo>
92         </celdaViva>
93         <celdaViva>
94           <fila>19</fila>
95           <columna>5</columna>
96           <codigoOrganismo>0C</codigoOrganismo>
97         </celdaViva>
98         <celdaViva>
99           <fila>26</fila>
100          <columna>23</columna>
101          <codigoOrganismo>0D</codigoOrganismo>
102        </listadoCeldasVivas>
103      </muestra>
104    </listadoMuestras>
105  </datosMarte>
```

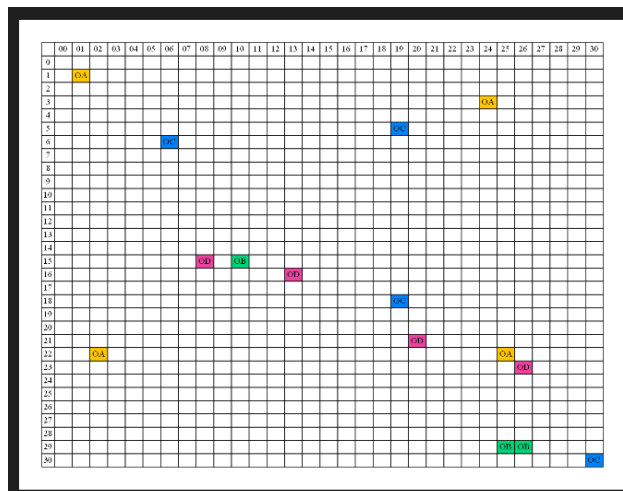
MENÚ: enlista las opciones del programa

```
<----->
1. ingresar documento
2. Ver muestras
3. Ingresar organismo
4. Analisis muestra
5. Salir
<----->
Ingrese opcion:
```

INGRESAR DOCUMENTO: se ingresa el nombre del documento el cual debe ir en formato xml

```
○ Ingrese Documento -> DatosMarte.xml
```

VER MUESTRAS: proporciona una imagen donde se muestran los organismos en la tabla la cual es de mxn



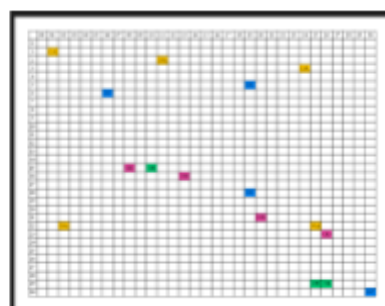
INGRESAR ORGANISMOS: Se ingresa un nuevo organismo proporcionando las coordenadas en la tabla y da la opción que se pueda visualizar los organismos agregados

```
-----
1: ingresar organismo
2: imprimir grafica
3: menu principal
-----
Ingrese opcion: 
```

1 →

```
x -> 11
y -> 2
Codig -> OA
```

2 →



ANÁLISIS MUESTRAS: Analiza las muestras para ver si los organismos sobreviven o mueren al interactuar con otros.

```
X -> 1  
Y -> 2  
Prospera
```

	00	01	02	03	04
0					
1		QA			
2		QA			
3		QA			
4					
5					
6					

SALIR: Finaliza el programa