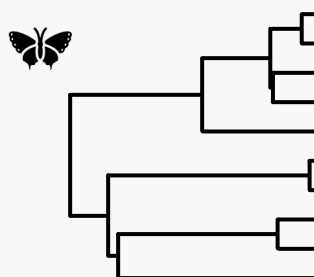
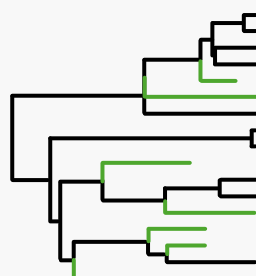


## Inférence des taux de diversification méthode BDD



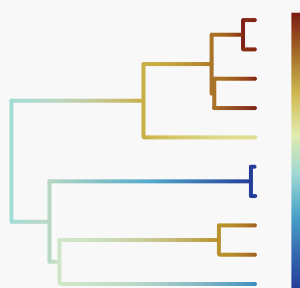
Arbre phylogénétique reconstruit

Augmentation de données  
(lignées éteintes et non échantillonnées)



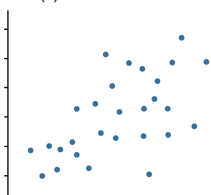
Arbre phylogénétique augmenté ( $\times 250$ )

Estimation des taux  
de diversification



Taux moyens de  
spéciation ( $\lambda$ )

Taux moyens de  
spéciation ( $\lambda$ )

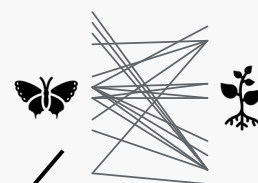


Test du lien potentiel  
entre les deux

Score d'Ehrlich  
et Raven

## Inférence des interactions passées méthode ELEFANT

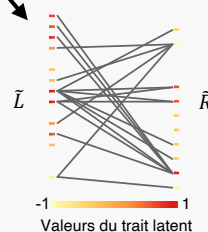
Réseau d'interactions actuel



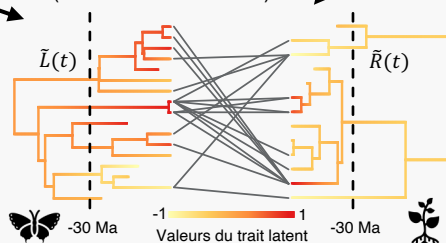
Matrice d'interactions

	Familles de plantes			
Espèces d'insectes	0	1	0	0
	1	1	0	0
	0	0	0	1
	0	1	1	0

Décomposition en  
valeurs singulières



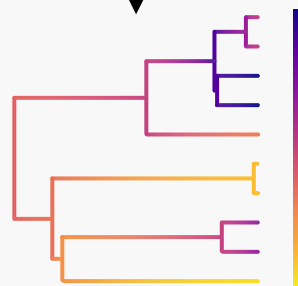
Reconstruction ancestrale  
des valeurs des traits latents  
(mouvement brownien)



Estimation du réseau  
ancestral à partir des  
traits latents ancestraux



Calcul du score  
d'Ehrlich et Raven



Score d'Ehrlich  
et Raven