

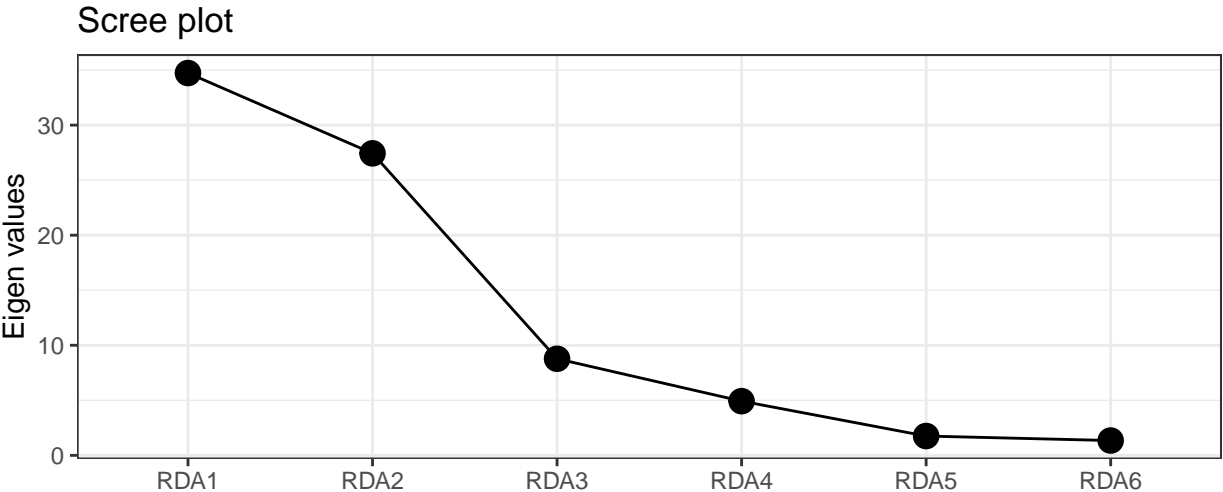
geno_pop ~ bio1 + bio12 + bio15 + bio3 + bio4 + SHM

r.squared 0.3
adj.r.squared 0.25

	Df	Variance	F	Pr(>F)
Model	6	78.973	5.546	0.001
RDA1	1	34.733	14.636	0.001
RDA2	1	27.437	11.561	0.001
RDA3	1	8.775	3.697	0.015
RDA4	1	4.925	2.075	0.161
RDA5	1	1.755	0.74	0.952
RDA6	1	1.348	0.568	0.935

	bio1	bio12	bio15	bio3	bio4	SHM
VIF	1.97	3.66	6.05	1.49	1.52	6.37

	RDA1	RDA2	RDA3	RDA4	RDA5	RDA6
Eigenvalue	34.73	27.44	8.77	4.92	1.76	1.35
Proportion Explained	0.44	0.35	0.11	0.06	0.02	0.02
Cumulative Proportion	0.44	0.79	0.9	0.96	0.98	1



geno_pop ~ bio1 + bio12 + bio15 + bio3 + bio4 + SHM + Condition(PC1 + PC2 + PC3)

r.squared 0.08

adj.r.squared 0.05

	Df	Variance	F	Pr(>F)
Model	6	21.787	2.698	0.001
RDA1	1	9.807	7.286	0.001
RDA2	1	5.484	4.074	0.001
RDA3	1	2.091	1.553	0.258
RDA4	1	1.923	1.429	0.258
RDA5	1	1.393	1.035	0.724
RDA6	1	1.089	0.809	0.841

	PC1	PC2	PC3	bio1	bio12	bio15	bio3	bio4	SHM
VIF	2.09	2.03	1.64	2.23	3.9	8.74	2.57	2.08	6.87

	RDA1	RDA2	RDA3	RDA4	RDA5	RDA6
Eigenvalue	9.81	5.48	2.09	1.92	1.39	1.09
Proportion Explained	0.45	0.25	0.1	0.09	0.06	0.05
Cumulative Proportion	0.45	0.7	0.8	0.89	0.95	1

