

Inhaltsverzeichnis

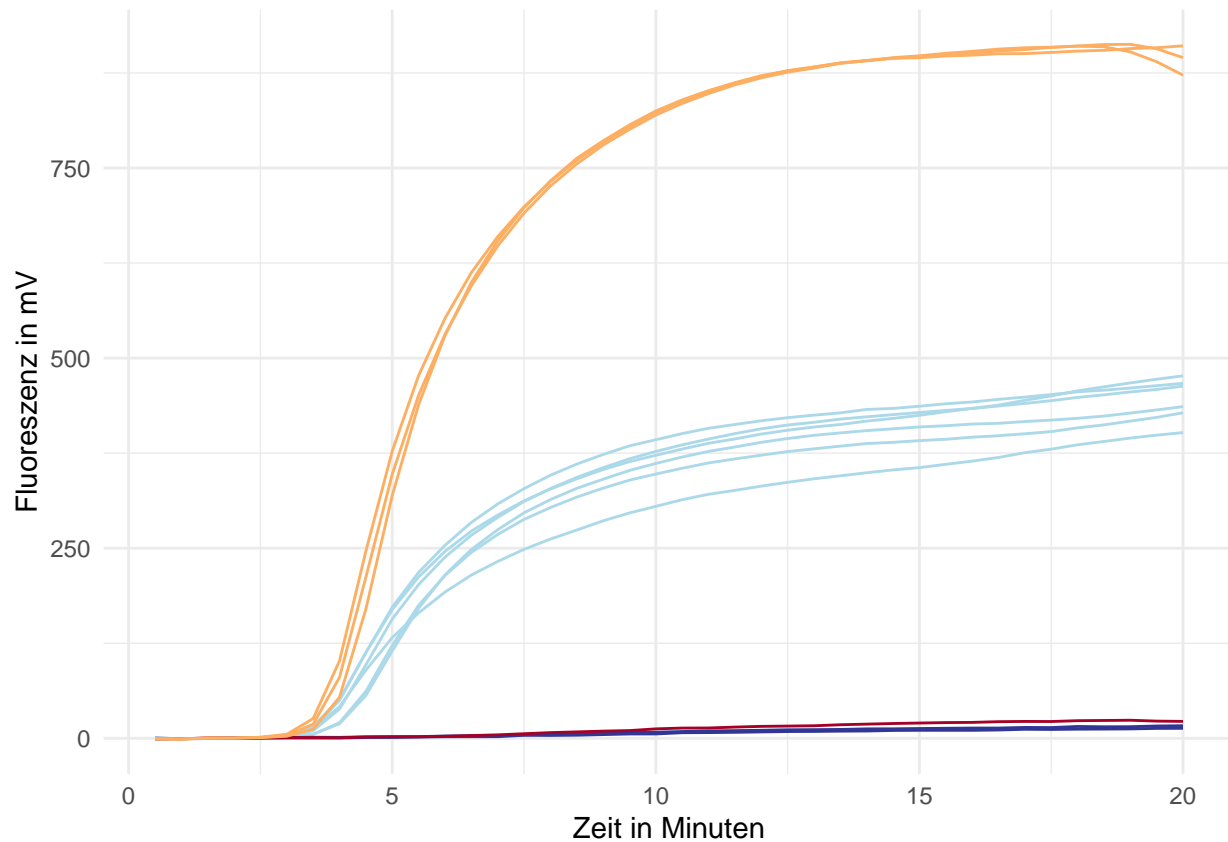


Abbildung 1: **Sensitivitätsanalyse der Influenza B PCR:** **A:** Amplifikationsgraphen der Influenza B PCR bei verschiedenen Konzentrationen (n=7). **B:** Linearer Zusammenhang der Ct-Werte mit angefügter Geradengleichung, Korrelationskoeffizienten und p-Wert. Das graue Band zeigt das 95 %-ige Konfidenzintervall der linearen Funktion. Gezeigt sind nur Ct-Werte, welche einer positiven Amplifikation zugehörig sind. **C:** Probit-Analyse der Amplifikationsdaten. Die schwarz, durchgezogene Linie zeigt, die Probit-Regression der PCR. Die schwarzen gestreiften Linien beschreiben das oberer und untere 95 %-ige Konfidenzintervall der Probit-Regression. Die rot gestreifte Linie zeigt die ermittelte Sensitivitätsgrenze, bei welcher 95 % der Amplifikationen positiv sind.

```
## # A tibble: 6 x 4
##   group variable statistic      p
##   <chr>  <chr>      <dbl>    <dbl>
## 1 10^2   weight      0.913 0.00479
## 2 10^3   weight      0.871 0.000306
## 3 10^7   weight      0.828 0.0000280
## 4 nk    weight      0.773 0.00000192
## 5 test  weight      0.842 0.0000566
## 6 testnk weight      0.958 0.143

## [1] group      weight      test      testnk      is.outlier is.extreme
## <0 Zeilen> (oder row.names mit Länge 0)
```

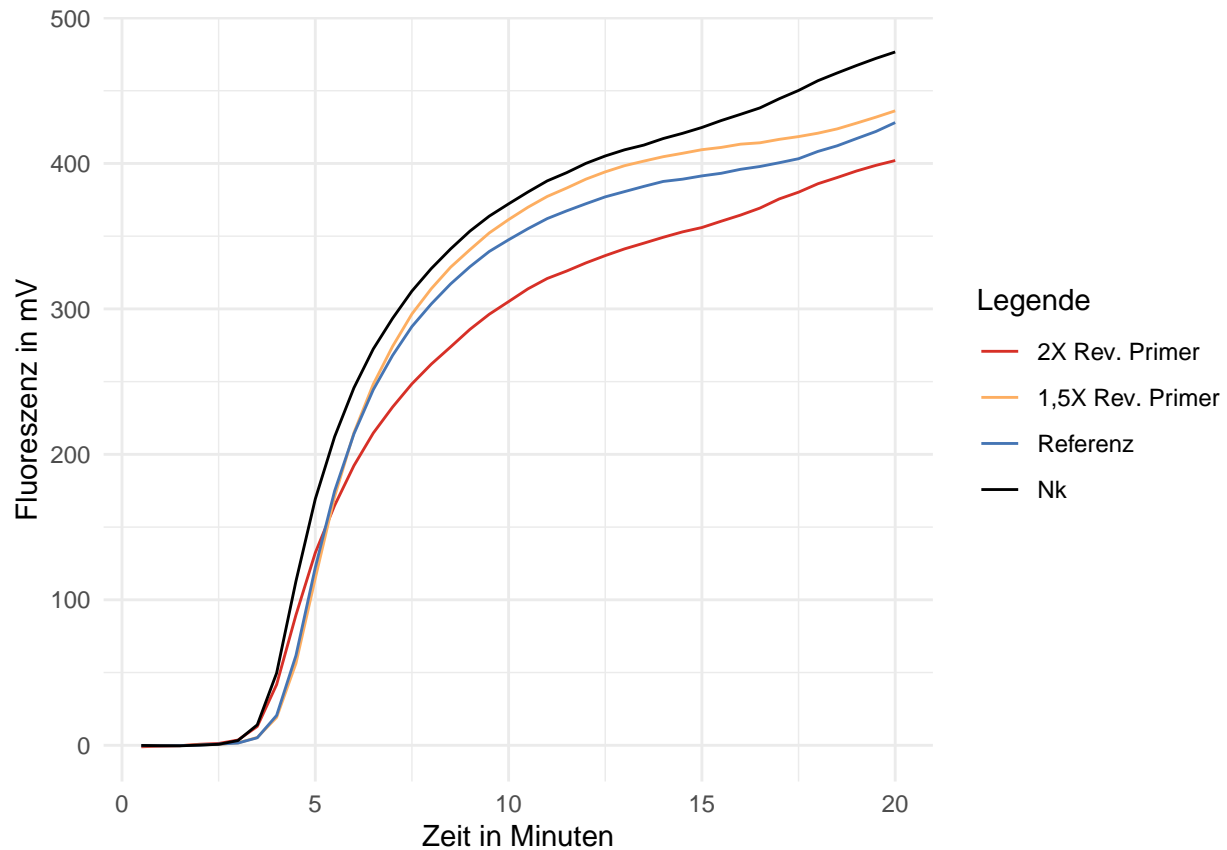


Abbildung 2: **Sensitivitätsanalyse der Influenza B PCR: A:** Amplifikationsgraphen der Influenza B PCR bei verschiedenen Konzentrationen (n=7). **B:** Linearer Zusammenhang der Ct-Werte mit angefügter Geradengleichung, Korrelationskoeffizienten und p-Wert. Das graue Band zeigt das 95 %ige Konfidenzintervall der linearen Funktion. Gezeigt sind nur Ct-Werte, welche einer positiven Amplifikation zugehörig sind. **C:** Probit-Analyse der Amplifikationsdaten. Die schwarz, durchgezogene Linie zeigt, die Probit-Regression der PCR. Die schwarzen gestreiften Linien beschreiben das oberer und untere 95 %-ige Konfidenzintervall der Probit-Regression. Die rot gestreifte Linie zeigt die ermittelte Sensitivitätsgrenze, bei welcher 95 % der Amplifikationen positiv sind.

```
## # A tibble: 1 x 4
##   df1   df2 statistic      p
##   <int> <int>     <dbl> <dbl>
## 1     5   234     29.3 4.43e-23

## # A tibble: 15 x 10
##   .y.   group1 group2   n1   n2 statistic    df      p    p.adj p.adj.si~1
##   <chr> <chr> <chr> <int> <int>     <dbl> <dbl>    <dbl>    <dbl> <chr>
## 1 weight 10^2  10^3    40   40    -3.02  62.3 4    e- 3 1.5 e- 2 *
## 2 weight 10^2  10^7    40   40    -8.26  48.8 7.83e-11 7.05e-10 ****
## 3 weight 10^2  nk      40   40     6.23  46.4 1.25e- 7 7.5 e- 7 ****
## 4 weight 10^2  test    40   40     0.687 49.3 4.95e- 1 4.95e- 1 ns
## 5 weight 10^2  testnk   40   40    26.8  39.0 9.06e-27 1.27e-25 ****
## 6 weight 10^3  10^7    40   40    -5.61  65.2 4.37e- 7 2.19e- 6 ****
## 7 weight 10^3  nk      40   40     7.13  41.5 1.03e- 8 7.21e- 8 ****
## 8 weight 10^3  test    40   40     2.49  66.2 1.5 e- 2 4.6 e- 2 *
## 9 weight 10^3  testnk   40   40    18.9  39.0 2.87e-21 3.73e-20 ****
## 10 weight 10^7  nk      40   40    11.0  40.0 1.04e-13 1.14e-12 ****
## 11 weight 10^7  test    40   40     6.79  78.0 1.96e- 9 1.57e- 8 ****
## 12 weight 10^7  testnk   40   40    18.4  39.0 8.22e-21 9.86e-20 ****
## 13 weight nk    test    40   40    -1.65  40.0 1.07e- 1 2.14e- 1 ns
## 14 weight nk    testnk   40   40    65.6  39.2 1    e-41 1.5 e-40 ****
## 15 weight test  testnk   40   40     9.12  39.0 3.27e-11 3.27e-10 ****
## # ... with abbreviated variable name 1: p.adj.signif

## # A tibble: 3 x 4
##   group variable statistic      p
##   <chr> <chr>     <dbl> <dbl>
## 1 3M   weight      0.841 0.132
## 2 4M   weight      0.836 0.155
## 3 oM   weight      0.978 0.921

## # A tibble: 1 x 7
##   group weight X      X.1    X.2 is.outlier is.extreme
##   <chr> <dbl> <lgl> <chr> <dbl> <lgl>    <lgl>
## 1 4M    3.65 NA    ""    NA TRUE    FALSE

## # A tibble: 1 x 4
##   df1   df2 statistic      p
##   <int> <int>     <dbl> <dbl>
## 1     2   13     1.78 0.207

## Coefficient covariances computed by hccm()

## ANOVA Table (type II tests)
##
##   Effect DFn DFd      F      p p<.05    ges
```

```
## 1 group 2 13 10.561 0.002 * 0.619
```

```
## # A tibble: 3 x 9
```

```
## term group1 group2 null.value estimate conf.low conf.high p.adj p.adj.sig~1
```

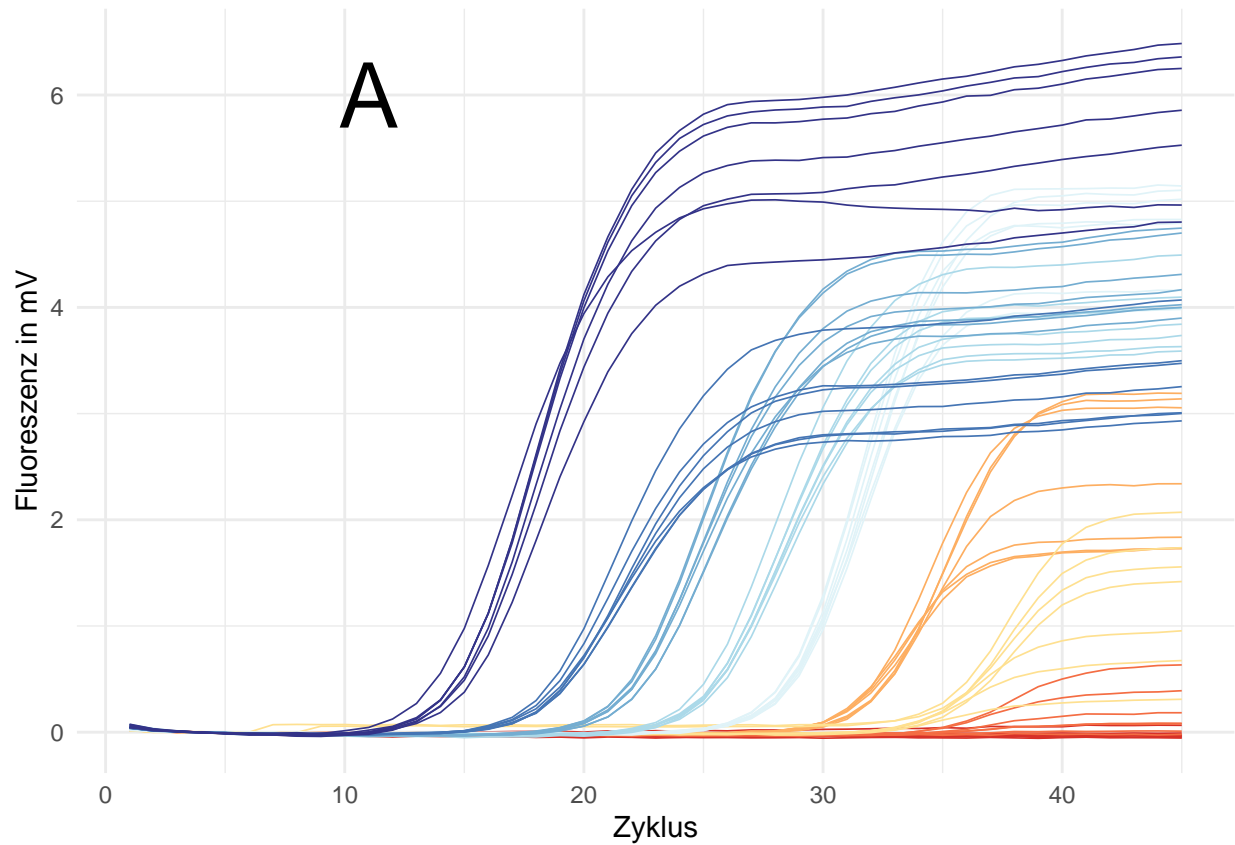
```
## * <chr> <chr> <chr> <dbl> <dbl> <dbl> <dbl> <dbl> <chr>
```

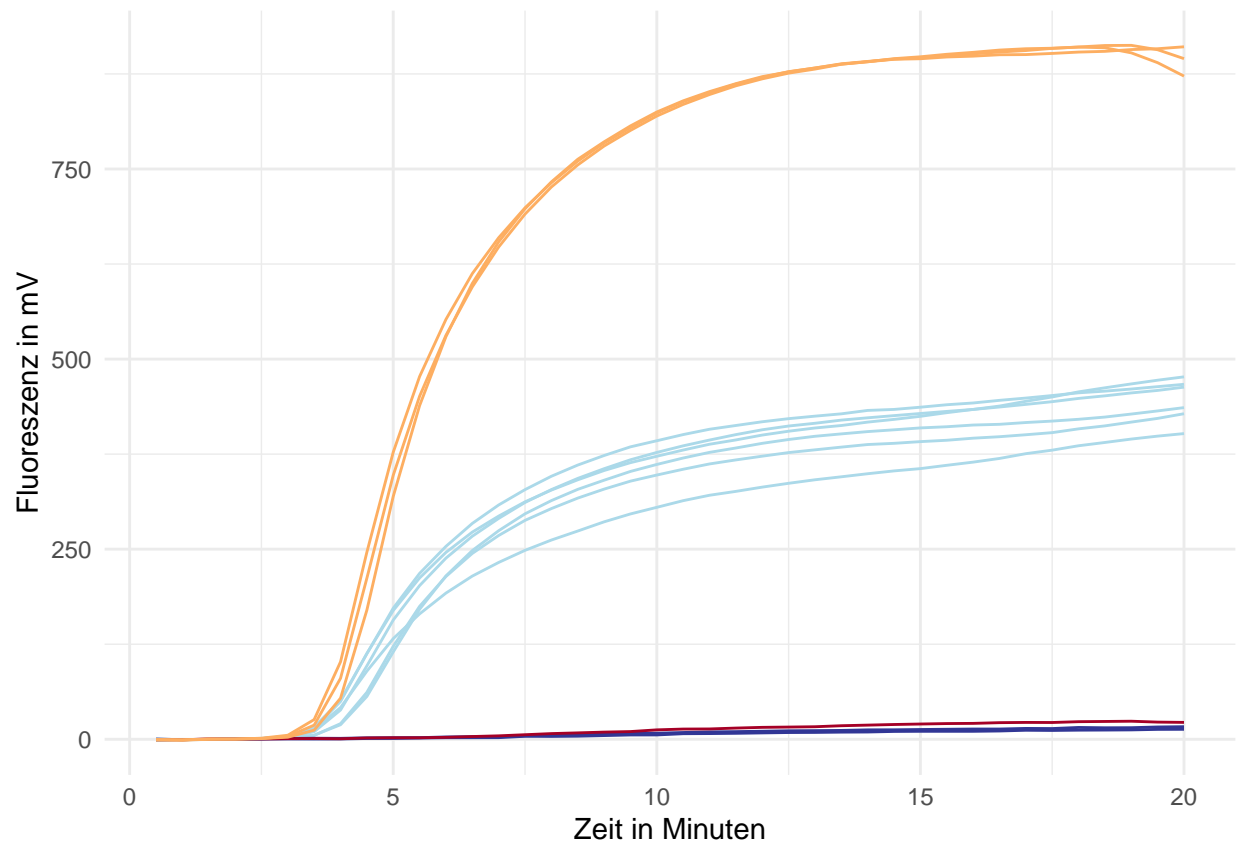
```
## 1 group 3M 4M 0 -0.349 -1.02 0.323 0.384 ns
```

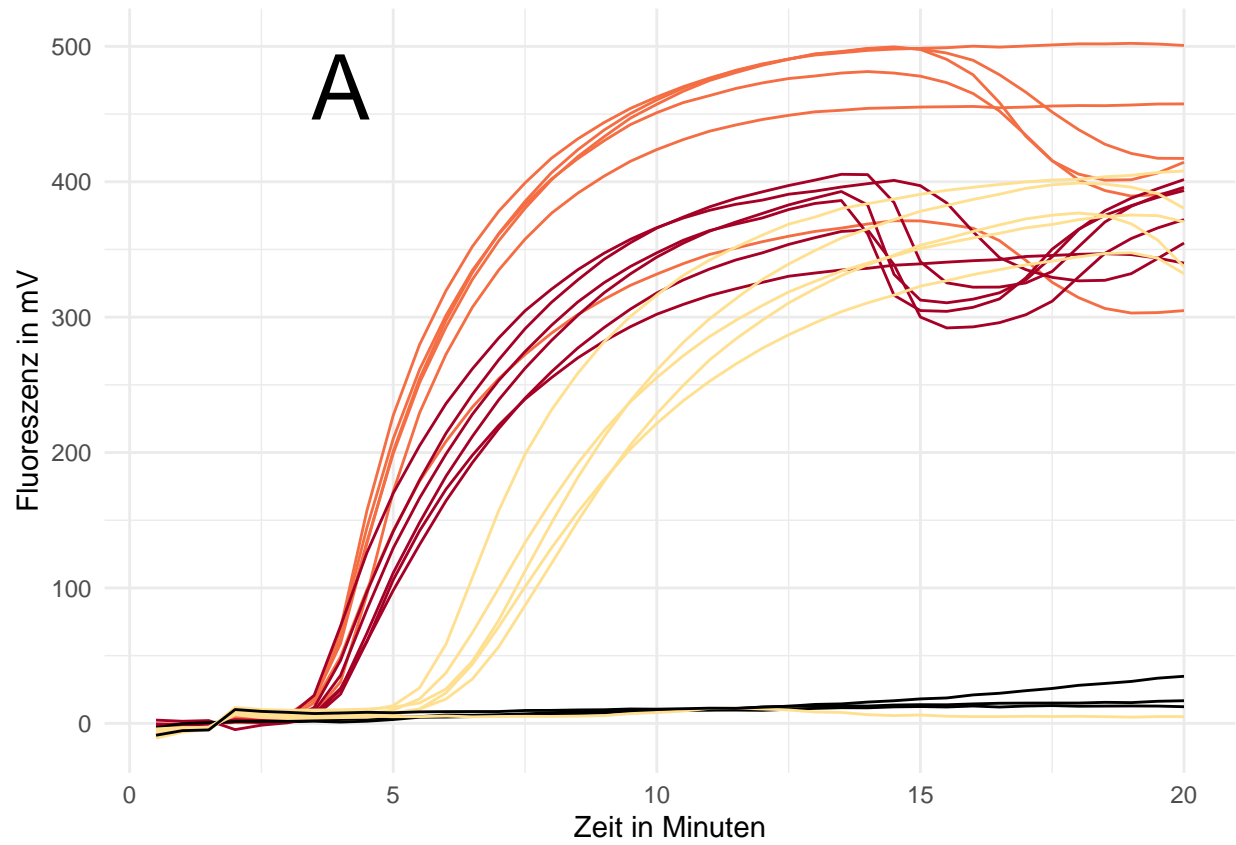
```
## 2 group 3M oM 0 0.836 0.164 1.51 0.0152 *
```

```
## 3 group 4M oM 0 1.19 0.483 1.89 0.00174 **
```

```
## # ... with abbreviated variable name 1: p.adj.signif
```







Warning: Removed 120 rows containing missing values (`geom_line()`).

