

Inhaltsverzeichnis

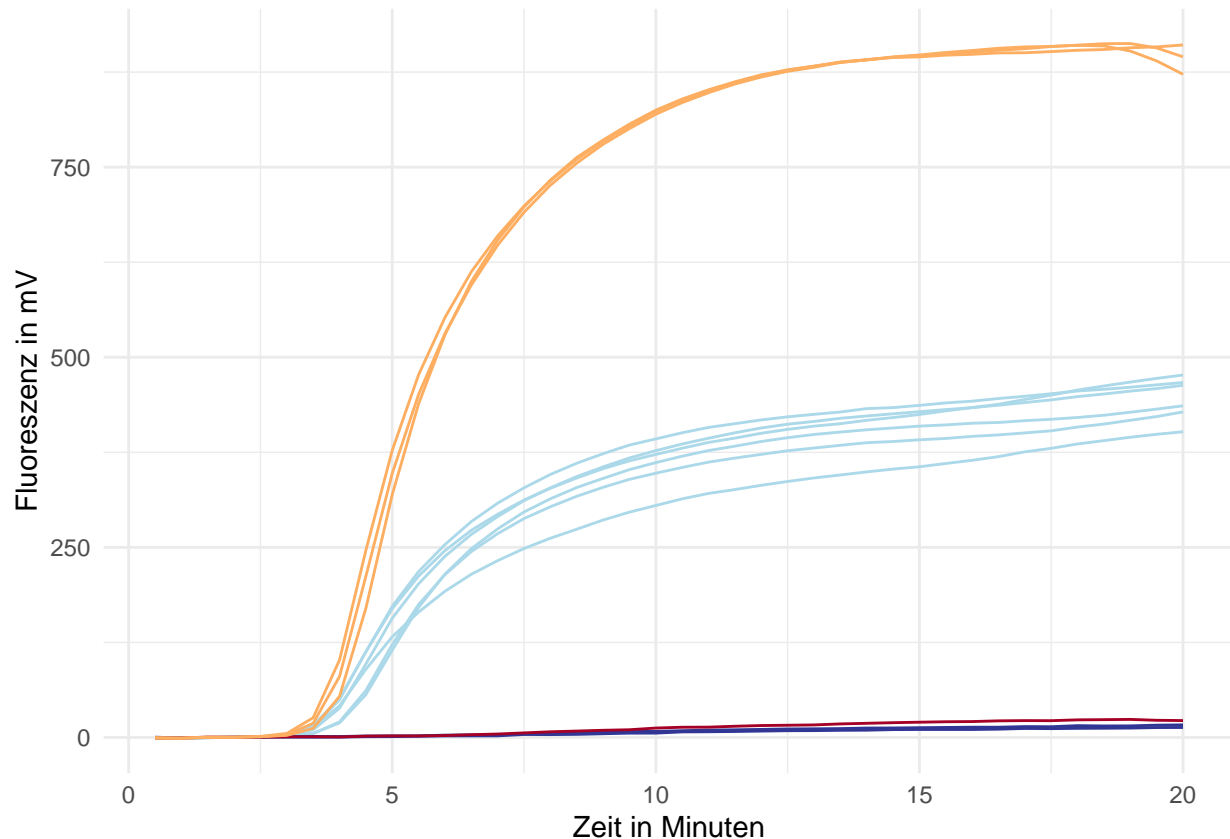


Abbildung 1: **Sensitivitätsanalyse der Influenza B PCR: A:** Amplifikationsgraphen der Influenza B PCR bei verschiedenen Konzentrationen (n=7). **B:** Linearer Zusammenhang der Ct-Werte mit angefügter Geradengleichung, Korrelationskoeffizienten und p-Wert. Das graue Band zeigt das 95 %ige Konfidenzintervall der linearen Funktion. Gezeigt sind nur Ct-Werte, welche einer positiven Amplifikation zugehörig sind. **C:** Probit-Analyse der Amplifikationsdaten. Die schwarz, durchgezogene Linie zeigt, die Probit-Regression der PCR. Die schwarzen gestreiften Linien beschreiben das oberer und untere 95 %-ige Konfidenzintervall der Probit-Regression. Die rot gestreifte Linie zeigt die ermittelte Sensitivitätsgrenze, bei welcher 95 % der Amplifikationen positiv sind.

```
## # A tibble: 3 x 4
##   group variable statistic      p
##   <int> <chr>      <dbl> <dbl>
## 1    38 weight      0.984 0.926
## 2    40 weight      0.911 0.440
## 3    42 weight      0.852 0.165

## [1] group      weight      X          X.1        X.2        is.outlier is.extreme
## <0 Zeilen> (oder row.names mit Länge 0)

## # A tibble: 1 x 4
##   df1 df2 statistic      p
##   <int> <int>      <dbl> <dbl>
```

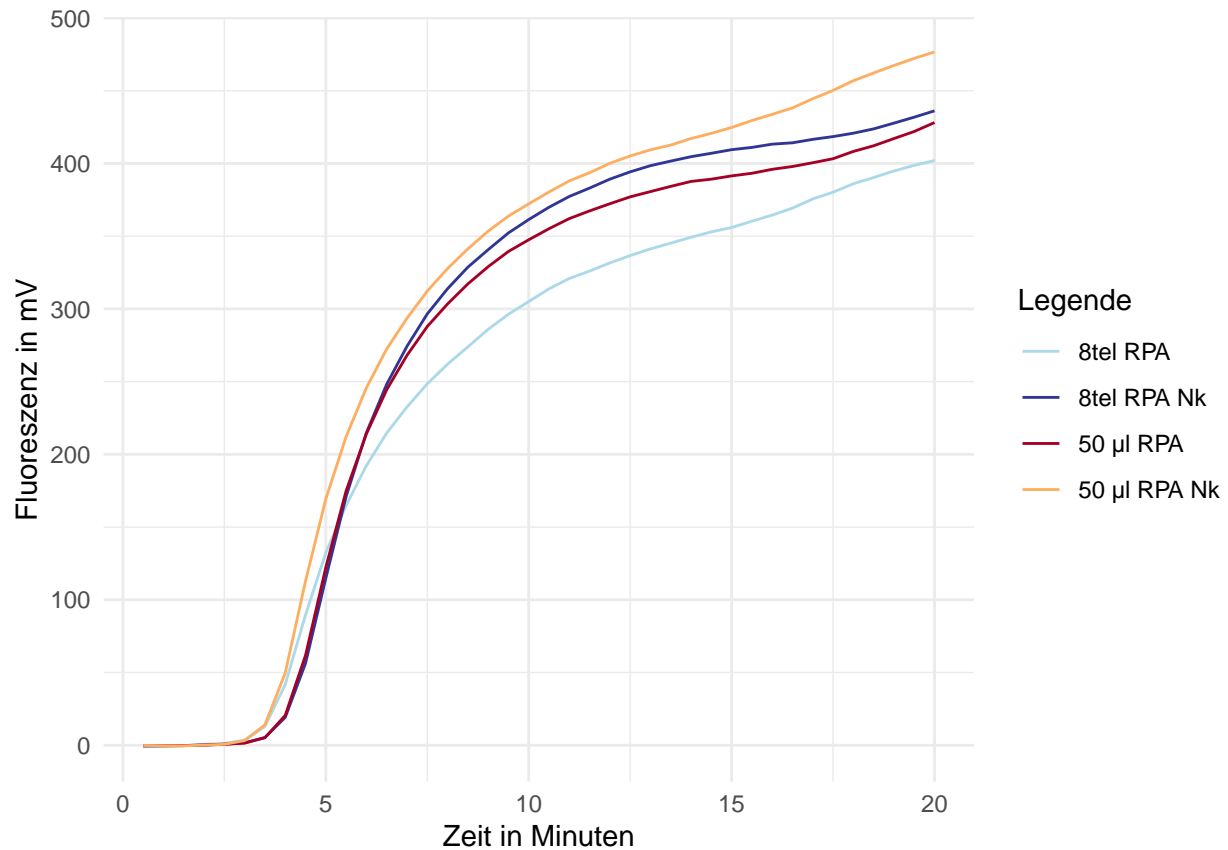


Abbildung 2: **Sensitivitätsanalyse der Influenza B PCR: A:** Amplifikationsgraphen der Influenza B PCR bei verschiedenen Konzentrationen (n=7). **B:** Linearer Zusammenhang der Ct-Werte mit angefügter Geradengleichung, Korrelationskoeffizienten und p-Wert. Das graue Band zeigt das 95 %ige Konfidenzintervall der linearen Funktion. Gezeigt sind nur Ct-Werte, welche einer positiven Amplifikation zugehörig sind. **C:** Probit-Analyse der Amplifikationsdaten. Die schwarz, durchgezogene Linie zeigt, die Probit-Regression der PCR. Die schwarzen gestreiften Linien beschreiben das oberer und untere 95 %-ige Konfidenzintervall der Probit-Regression. Die rot gestreifte Linie zeigt die ermittelte Sensitivitätsgrenze, bei welcher 95 % der Amplifikationen positiv sind.

```
## 1      2      13      2.77 0.0992

## # A tibble: 3 x 10
##   .y.    group1 group2    n1    n2 statistic    df          p    p.adj p.adj~1
##   <chr> <chr>  <chr>  <int> <int>    <dbl> <dbl>    <dbl>    <dbl> <chr>
## 1 weight 38     40         5     6     19.6    6.38 0.000000612  1.22e-6 ****
## 2 weight 38     42         5     6     26.2    7.50 0.0000000119 3.57e-8 ****
## 3 weight 40     42         6     6     -0.547   8.75 0.598          5.98e-1 ns
## # ... with abbreviated variable name 1: p.adj.signif

## # A tibble: 3 x 4
##   group variable statistic    p
##   <int> <chr>         <dbl> <dbl>
## 1    38 weight         0.984 0.926
## 2    40 weight         0.911 0.440
## 3    42 weight         0.852 0.165

## [1] group      weight      X          X.1          X.2          is.outlier is.extreme
## <0 Zeilen> (oder row.names mit Länge 0)

## # A tibble: 1 x 4
##   df1 df2 statistic    p
##   <int> <int>    <dbl> <dbl>
## 1      2      13      2.77 0.0992

## # A tibble: 1 x 7
##   .y.      n statistic  DFn  DFd          p method
## * <chr> <int>    <dbl> <dbl> <dbl>    <dbl> <chr>
## 1 weight    17     425.    2  8.41 0.0000000036 Welch ANOVA

## # A tibble: 3 x 8
##   .y.    group1 group2 estimate conf.low conf.high    p.adj p.adj.signif
## * <chr> <chr>  <chr>    <dbl>    <dbl>    <dbl>    <dbl> <chr>
## 1 weight 38     40      -1.69    -1.95    -1.43 0.00000134 ****
## 2 weight 38     42      -1.63    -1.82    -1.45 0.00000003 ****
## 3 weight 40     42       0.0529   -0.219    0.324 0.85      ns
```