#### Аннотация

Задача идентификации авторов для рукописных текстов является актуальной задачей в области компьютерного зрения, заключающейся в определении количества авторов набора рукописных документов и их кластеризации по писателям. Данная работа посвящена решению данной задачи в постановке оффлайн кластеризации путём использования различных архитектур свёрточных нейронных сетей, функций потерь, методов уменьшения размерности и алгоритмов кластеризации.

# Содержание

1	Введение			4
	1.1	Актуа	льность	. 4
	1.2	Поста	новка задачи	. 4
	1.3	Обзор	существующих методов	. 5
2	Разработанные решения			7
	2.1	Препроцессинг и агрегирование		
		2.1.1	Детекторы углов	. 7
		2.1.2	Агрегирование локальных фрагментов: VLAD	. 9
	2.2	Обуче	ение энкодера	. 10
		2.2.1	Auto-encoder	. 10
		2.2.2	Сиамская нейронная сеть	. 11
		2.2.3	Обучение на задаче классификации	. 12
	2.3	Синте	тический датасет	. 14
	2.4	2.4 Уменьшение размерности		. 14
	2.5	Кластеризация		. 16
		2.5.1	Алгоритмы кластеризации	. 17
		2.5.2	Определение количество кластеров	. 19
3	Результаты проведения экспериментов			
	3.1 Метрики		ики качества	. 21
		3.1.1	Rand Index	21
		3.1.2	Adjusted Rand Index	. 22
		3.1.3	Silhouette Score	. 22
	3.2	Экспе	рименты	. 22
4	Заключение			23

#### 1 Введение

### 1.1 Актуальность

Идентификация авторов рукописных текстов является актуальной задачей в области компьютерного зрения. Среди сфер использования данной технологии можно выделить анализ исторических рукописных документов и обработку рукописных текстов в судебной практике, для которых нужно определить авторов написания. Более того, для улучшения качества работы генеративных нейронных сетей требуется разметка датасета по писателям. Так как датасеты для обучения могут быть большими, а определение авторов текстов в ручном режиме может быть дорогим, решение поставленной задачи поможет разметить образцы в автоматическом режиме.

#### 1.2 Постановка задачи

Постановка данной задачи имеет несколько формулировок. Например, существующие работы по данной теме выделяют онлайн и оффлайн методы распознавания авторов. Онлайн метод подразумевает обработку рукописного текста, который представлен в виде временных фрагментов штрихов, из которых извлекается уникальная информация о писателе. В свою очередь, оффлайн метод проводит анализ изображения уже написанного рукописного текста.

Задачу идентификации авторов можно решать в постановке как задачи классификации, так и задачи кластеризации. В случае задачи классификации каждый автор представляется из себя отдельный класс, который модель предсказывает, имея на вход рукописный текст. В случае задачи кластеризации, не зная заранее множество авторов и их количество, рукописные фрагменты разбиваются на кластера, каждый из которых написал один человек. Стоит отметить, что если задача решена в постановке кластеризации, то она решена в постановке классификации, так как в случае успешной кластеризации, можно сопоставить полученные кластера уже известным классам. Обратное не верно, так как нам может быть не известно количество авторов данного датасета.

Данная дипломная работа будет изучать вопрос идентификации авторов в формулировке *оффлайн кластеризации*. Имея на входе документы с рукописным текстом, нужно определить количество писателей и кластеризовать тексты по авторам. Документы могут из себя представлять как полноценные тексты на бумаге, так и отдельно написанные от руки слова или предложения. Обученной модели на стадии inference могут подаваться тексты

писателей, которых она не видела во время обучения.

## 1.3 Обзор существующих методов

Исследования в области идентификации авторов рукописных текстов проводились в течении многих лет, и улучшали постепенно результаты, предлагая различные методы и идеи извлечения и обработки признаков рукописного текста. Хочется отметить, что большинство работ решают поставленную задачу в формулировке оффлайн классификации.

Представлено несколько способов извлечения фрагментов из рукописного текста для дальнейшего извлечения признаков. Один из самых простых способов заключается в нарезания рукописного текста на слова или просто на фрагменты определенной ширины [источник]. В некоторых работах из рукописного текста извлекаются самые информативные элементы почерка, которые обнаруживаются различными алгоритмами обнаружения углов (corner-detectors), например, HARRIS и FAST [источник]. После прохождения через свёрточную нейронную сеть, полученные эмбеддинги потом агрегируются различными способами. Например находится среднее арифметическое векторов [источник] или используется алгоритм агрегации VLAD [источник].

Для выявления признаков из полученного изображения современные работы в основном делают выбор на свёрточных нейронных сетях. Используются различные архитектуры, включая ResNet-18 [источник], ResNet-50 [источник], VGG [источник]. Данные модели показали хорошие результаты в классификационной постановке задачи, где их применяли в качестве энкодеров. Также эти модели широко используются в различных задачах области компьютерного зрения.

Работы на данную тему предлагают различные варианты обучения энкодера. Для решения задачи в классификационной формулировке энкодер обучают в паре с полносвязной нейронной сетью, используя функцию потерь CrossEntropy [источник]. Также есть работы, применяющие идеи Metric Learning и применяющие сиамские архитектуры обучения энкодеров [источник].

Для данной задачи большой проблемой является тот факт, что данных для обучения существует не так много. В целях значительного увеличения датасета и, в последствии, улучшения качества обучения, существует идея синтетической генерации датасета рукописных текстов, используя шрифты, похожие на рукописный текст, и применяя аугментацию [источник]. Также была применена техника Transfer learning на примере нейронной сети ResNet-50, которая была предобучена на датасете ImageNet [источник].

В области распознавания лиц применяется техника обучения Metric Learning, которая помогает получить более репрезентативные эмбеддинги. Так, используя функцию потерь ArcFace удалось достичь значительного улучшения результата в задачи классификации фотографий лиц людей [источник]. Не исключено, что применение данного метода может дать хорошие результаты и для рукописных текстов.

### 2 Разработанные решения

Исходя из вышеописанных работ, можно составить общую архитектуру решения поставленной задачи. Рукописные тексты сначала проходят через стадию предобработки, во время которой улучшается качество самого рукописного текста, а также происходит его разбивка на фрагменты, либо путем нарезания на слова/части одинаковой ширины, либо путем применения алгоритма нахождения углов для получения максимально репрезентативных элементов почерка. Далее, эти фрагменты поступают в энкодер, который представляет из себя сверточную нейронную сеть, в результате чего получаются эмбеддинги. После этого, эмбеддинги при необходимости агрегируются в глобальный эмбеддинг фрагмента текста, если ранее был применён согпет-detector/разбивка на фрагменты. Наконец, применяется алгоритм уменьшения размерности эмбеддингов для улучшения качества кластеризации и применяется выбранный алгоритм кластеризации.

# 2.1 Препроцессинг и агрегирование

На вход энкодеру не подается целое изображение документа рукописного текста, так как в нем может содержаться лишняя информация, и энкодеру может быть сложно извлечь репрезентативные признаки из него.

Одним из самых простых решений этой проблемы является нарезание текста на фрагменты одинаковой ширины. Если учитывать, что высота одной строки текста одинакова, то при обучении сети не придется менять размер фрагментов или применять паддинг, чтобы их объединить в батч, тем самым сохраняя все информацию, содержащуюся во фрагменте, и не допуская смещения модели во время ее обучения.

#### 2.1.1 Детекторы углов

Однако даже в уже нарезанном фрагменте может содержаться лишняя информация, так как прямые линии, содержащиеся в почерке, и пустые элементы на бумаге не содержат много информации, по которой можно различить автора. В связи с этим можно энкодеру подавать только фрагменты, содержащие самую важную информацию, например, углы и пересечения. Найти подобные участки могут помочь так называемые детекторы углов. Существует множество алгоритмов в данной области. Самыми классическими являются Нагтіз [источник] и FAST [источник].

#### **Harris Corner Detector**

Главная идея детектора Харриса заключается в том, что при сдвиге какого-то окна с угла в любом направлении сильно изменится контент самого окна. Чтобы это формализовать, введем обозначения. Пусть I – исходное изображение, W – какое то окно,  $\Delta x$  и  $\Delta y$  – направление смещения окна. Тогда E – разница при смещении окна – вычисляется по этой формуле:

$$E = \sum_{(x,y)\in W} (I(x,y) - I(x + \Delta x, y + \Delta y))^2$$

При разложении в ряд Тейлора, вышеописанная сумма может быть представлена в матричной форме:

$$E \approx \left(\Delta x \ \Delta y\right) M \begin{pmatrix} \Delta x \\ \Delta y \end{pmatrix}$$

где M – матрица следующего вида:

$$M = \begin{pmatrix} \sum_{(x,y)\in W} I_x^2 & \sum_{(x,y)\in W} I_x I_y \\ \sum_{(x,y)\in W} I_x I_y & \sum_{(x,y)\in W} I_y^2 \end{pmatrix}$$

Таким образом, значение изменения контента напрямую зависит от матрицы M, и нам достаточно работать именно с ней. Чтобы определить с помощью матрицы M, если ли действительно угол в окне, применяется следующий индикатор:

$$R = \det(M) - k \operatorname{tr}(M)^2$$

Последнюю формулу можно переписать с помощью собственных значений матрицы M:

$$R = \lambda_1 \cdot \lambda_2 - k (\lambda_1 + \lambda_2)^2$$

Обычно k берут из отрезка [0.04;0.06]. Если значения R положительные и достаточно большие, то мы нашли угол.

#### **FAST Corner Detector**

Данный метод берет более алгоритмический подход к нахождению углов, чем метод Харриса. Для фиксированной точки берется окружность радиуса 3, которая состоит из 16ти пикселей, пронумерованных по часовой стрелке начиная с 12ти часов. Если какая-то непрерывная последовательность N точек ярче/темнее зафиксированного центра окружности на какуюто величину, то мы можем сказать, что нашли угол.

При этом может быть вычислительно дорого проверять данное условие для каждого пикселя. Поэтому перед этим проверяют немного оптимизированное условие, путем того, что смотрят на 1й, 5й, 9й и 13й пиксели. Как минимум три из них должны быть ярче или темнее зафиксированного центра. Если это не так, то нет смысла проверять все пиксели.

Данный метод показал хорошую точность и результаты скорости работы по сравнению с Harris Corner Detector.

# 2.1.2 Агрегирование локальных фрагментов: VLAD

После того, как энкодер обработал куски рукописного текста, на выходе мы имеем множество локальных эмбеддингов. Существует несколько способов получения глобального вектора, содержащего репрезентативные признаки текста.

Одним из алгоритмов является VLAD: Vector of Locally Aggregated Descriptors [источник]. Данный алгоритм позволяет получить из локальных дескрипторов общий глобальный вектор фиксированного размера, который содержит достаточно информации для идентификации изображения. Сначала формируется словарь визуальных слов  $C=\{c_1,\ldots,c_k\}$  фиксированного размера k с помощью алгоритма кластеризации K-Means, где  $k\in\mathbb{R}$  — гиперпараметр. Затем каждому локальному дескриптору  $x_i$  сопоставляется ближайшее визуальное слово. Наконец, глобальный эмбеддинг  $v\in\mathbb{R}^{k\times d}$  вычисляется по данной формуле:

$$v_{i,j} = \sum_{x ext{ ближайшие к } c_i} (x_j - c_{i,j}) = \sum_{i=1}^N a_k(x_i) \cdot (x_i - c_{i,j})$$

где d – размерность пространства локальных эмбеддингов.

Однако, недостатком такого метода является его недифференцируемость. Его нельзя сделать частью модели, которая будет обучаться на картинках рукописных текстах. Таким образом, во время обучения мы не можем обучить именно глобальные эмбеддинги, и мы должно будем полагаться на алгоритм VLAD, чтобы он дал глобальные вектора, обладающие нужными нам геометрическими свойствами кластеризуемости.

Для решения проблемы существует обновленная версия данного алгоритма, называемая NetVLAD [источник]. Она представляет из себя слой, который сопоставим с любой свёрточной нейронной сетью, полученный путем замены недифференцируемой операции соотношения локальных дескрипторов визуальным словам на мягкое присваивание сразу нескольким кластерам:

$$a_k(x_i) = \frac{e^{-\alpha||x_i - c_k||^2}}{\sum_{k'} e^{-\alpha||x_i - c_k'||^2}}$$

где  $\alpha$  – гиперпараметр,  $a_k(x_i) \in (0,1)$ , наибольший вес. При  $\alpha \to +\infty$ , NetVLAD стремится вести себя аналогично оригинальному алгоритму VLAD.

С его помощью мы сможем обучать агрегирование локальных эмбеддингов таким образом, чтобы глобальный вектор обладал нужными для нас свойствами, которые помогут нам кластеризовать по авторам более точно. Таких свойств мы уже будет добиваться на этапе обучения энкодера.

# 2.2 Обучение энкодера

Мы поняли как подать свёрточной нейронной сети изображение, чтобы на выходе получить вектор. Но теперь нужно обучить энкодер выдавать именно репрезентативные и кластеризуемые эмбеддинги. Для этого существует несколько способов, которые будут описаны далее.

#### 2.2.1 Auto-encoder

Во время выполнения данной работы мы хотели добиться минимального использования меток авторов во время обучения модели. Использование архитектуры автоэнкодера является одним из самых простых способов получения данного результата. Автоэнкодер представляет из себя комбинацию двух свёрточных нейронных сетей, одна из которых называется энкодером, а вторая декодером. Данная архитектура обучается на задаче восстановления изображения, которое подается в начале модели. Предполагается, что после обучения энкодер научится "сжимать" подаваемое на вход изображение в промежуточное состояние, представленное в виде вектора определенной размерности, таком образом, чтобы имеющийся декодер умел уже восстанавливать исходное изображение. Соответственно, промежуточное состояние содержит достаточно информации для восстановления изображения, и, в силу гладкости нейронной сети как обычной математической функции, можно построить гипотезу, что эмбеддинги одинаковых почерков должны находится близко друг к другу.

### 2.2.2 Сиамская нейронная сеть

Другая идея обучения энкодера исходит из того факта, что мы хотим получить именно кластеризуемые эмбеддинги. Это значит, что эмбеддинги текстов одного автора должны находиться на максимально близком расстоянии, а эмбеддинги различных авторов — на далеком, чтобы потом алгоритм кластеризации смог отделить "облака" векторов. Существует множество методов обучения нейронных сетей, которые непосредственно закладывают вышеописанное свойство в процесс обучения. Одним из таким методов является архитектура сиамской нейронной сети (SNN). Она представляет из себя пару идентичных нейронных сетей, веса которых непосредственно связаны. Во время обучения подаются пары изображений как от одного автора, так и от разных авторов. Сеть обучается таким образом, чтобы определенная заранее метрика между векторами текстов от одного автора была минимальна, а между векторами от разных авторов — как минимум равнялась какому-то гиперпараметру  $\alpha$ .

Если говорить формально, определим функцию потерь для данной сети следующим образом. Пусть  $x_i, x_j$  — изображения почерка, которые подаются SNN на вход,  $c_k$  — множество изображений от автора с номером  $k, \alpha$  — числовой гиперпараметр. Функцией отсечения назовем:

$$\operatorname{ReLU}(y,\alpha) = \begin{cases} y, & 0 \le y < \alpha \\ \alpha, & y \ge \alpha \end{cases}$$

Она будет использоваться в формуле функции потерь. Мы не хотим наказывать нейронную сеть во время обучения за то, что эмбеддинги находятся слишком далеко. Поэтому если расстояние между ними будет больше  $\alpha$ , то мы будем отсекать его по заранее заданному гиперпараметру.

Определим целевую функцию:

$$Target = \begin{cases} 0, & x_i, x_j \in c_k \\ \alpha, & x_i \in c_k \text{ and } x_j \in c_q \end{cases}$$

Если изображения принадлежат одному автору (находятся в одном множестве  $c_k$ ), то расстояние между ними должно быть равно нулю. Иначе, если они от разных авторов, то расстояние должно быть как минимум  $\alpha$ .

Наконец, определим функцию потерь:

$$Loss(Target, emb_1, emb_2) = ||ReLU(||emb_1 - emb_2||, \alpha) - Target||$$

Как мы видим, перед тем как сравнивать расстояние между эмбеддингами и значение target, мы производим отсечку, чтобы не наказывать сеть за слишком далекие друг от друга эмбеддинги.

#### 2.2.3 Обучение на задаче классификации

Альтернативной идеей обучения энкодера является обучение его на задаче классификации, с последующим отсечением классификатора. Стандартной архитектурой при обучении на задаче классификации является связка свёрточной и полносвязной нейронных сетей. Можно простроить гипотезу, что эмбеддинги, которые выдает энкодер во время обучения, обладают геометрическими свойствами, которые позволяют классификатору понять к какому автору рукописный текст действительно относится.

Функция потерь в данной ситуации играет огромную роль, так как именно от нее зависит каким образом полученные эмбеддинги будут расположены в пространстве. Обычно при обучении классификатора применяют стандартную функцию SoftMax:

$$L_{\text{SM}} = -\log \frac{e^{W_{y_i}^T x_i + b_{y_i}}}{\sum_{j=1}^{N} e^{W_j^T x_i + b_j}},$$

где  $x_i \in \mathbb{R}^d$  – эмбеддинг i-го изображения от автора с номером  $y_i, d$  – размерность пространства эмбеддингов, W и b задают линейное преобразование. Однако, данная функция потерь никак не способствует близости эмбеддингов от одного автора и дальности эмбеддингов из разных классов, и при большом количестве авторов пространство векторов будет плохо кластеризуемо [источник].

Поэтому в области распознавания лиц используют другую функцию потерь для задачи классификации [источник].

$$L_{\text{ArcFace}} = -\log \frac{e^{s\cos(\theta_{y_i} + m)}}{e^{s\cos(\theta_{y_i} + m)} + \sum_{j=1, j \neq y_i}^{N} e^{s\cos(\theta_j)}}$$

При обучении с функцией потерь ArcFace эмбеддинги распространяются по гиперсфере радиуса s, и меняется именно угловое расстояние между ними. При этом обеспечивается интервал с геодезическим расстоянием m между эмбеддингами разных классов. Это свойство может дать хорошо кластеризуемые вектора.

Более того, хорошие результаты в области распознавания изображений продемонстрировал Triplet Loss [источник] [источник]. Данная функция потерь помогает обучить хорошие эмбеддинги таким образом, чтобы они были также легко отделяемыми. Для этого во время обучения выделяют три изображения: Anchor – якорь, Positive – положительное изображение, которое находится в одном классе с якорем, Negative – негативное изображение из другого класса. Цель Triplet Loss заключается в том, что два примера из одного класса находились как можно ближе друг к другу, а из разных классов – как можно дальше. Функция потерь определяется следующим образом:

$$L_{\text{Triplet}} = \max(m(a, p) - m(a, n) + \text{margin}, 0)$$

где m — модель, которая выдает эмбеддинги, a — anchor изображение, p — positive изображение, n — negative изображение, margin  $\in \mathbb{R}$  — гиперпараметр, чтобы кластера слишком сильно не схлопывались в точку.

Однако данная постановка определения лосса требует на вход тройку изображений с определенными свойствами. Существует несколько техник, которые позволяют из датасета при обучении получить нужные тройки [источник].

#### Offline triplet mining

Оффлайновый выбор троек подразумевает под собой довольно простой механизм: перед каждой эпохой получать эмбеддинги изображений, потом выделять нужные тройки и прогонять через лосс. Под нужными тройками подразумеваются такие тройки, в которых негативное изображение находится ближе к якорю, чем положительное. Однако такой метод не эффективен с точки зрения вычислений.

#### **Online triplet mining**

В онлайн методе мы выбираем тройки из батчей во время обучения. Тройку изображений (a,b,c) будем называть валидной, если a и b принадлежат одному классу, а c другому. Тогда остается найти валидные тройки, посчитать и агрегировать лосс по ним. Это можно сделать, используя разные стратегии. Например, можно выбрать все валидные тройки и просто взять среднее от Triplet Loss по ним. Или же среди них выбрать самый худший случай, в котором негативное изображение ближе всего находится к якорю, чем положительное, и посчитать лосс только от него.

#### 2.3 Синтетический датасет

Существует множество датасетов, содержащих рукописные тексты. Самыми популярными из них являются датасеты CVL [источник] и IAM [источник]. В общей сложности они содержат рукописные тексты от порядка 1000 авторов. Тем не менее, такого количества данных может быть недостаточно для получения хороших результатов обучения крупных свёрточных нейронных сетей из-за проблемы переобучения.

Есть несколько способов решения этой проблемы. Один из них заключается в аугментации тренировочных данных. Говоря конкретнее, можно изменять текстуру бумаги, силу нажатия и другие параметры почерка, который подается в нейронную сеть для обучения. Таким образом можно уменьшить вероятность переобучения сети.

Но данный способ не решает проблему количества авторов, также как и разнообразности самих почерков. Поэтому существует другой вариант, который подразумевает генерацию самого датасета [источник]. Можно отобрать порядка 10000 шрифтов, которые похожи на рукописный текст, применить к ним аугментацию, например, симулировать написание ручкой или чернилами, добавить различных текстур бумаги и освещения, и сгенерировать изображения из 10000 случайных слов английского языка для каждого почерка. Тем самым, мы получим порядка 100 миллионов изображений рукописного текста, что значительно превышает размер натурального датасета.

Данный подход имеет свои преимущества и недостатки. С одной стороны, мы имеем огромное количество данных и классов, что может улучшить качество модели при обучении. С другой стороны, человеческий почерк по своей природе представляет из себя более сложную структуру, так как человек пишет одну и ту же букву в слове немного по разному, в то время как в шрифтах каждая буква будет абсолютно одинаковой. Это может негативно сказаться на качестве обучения.

## 2.4 Уменьшение размерности

В архитектуре ResNet, которая используется в качестве бэкбоуна практически во всех моделях обучения в данной работе, выходной слой выдает эмбеддинг размерности 512. Проблема заключается в том, что вектора большой размерности довольно плохо поддаются кластеризации. Главной причиной такого явления является феномен *проклятия размерности*. Его можно интерпретировать разными способами. Одна из формулировок является следующей: пусть n векторов из пространства  $\mathbb{R}^d$  взяты из некоторого фиксированного распределения. Тогда разница между минимальным и максимальным расстоянием от какой-то фикси-

рованной точки Q до данных точек практически не сравнима с минимальным расстоянием при стремлении размерности пространства к бесконечности [источник]. Строго говоря:

$$\lim_{d \to +\infty} \mathbb{E}\left(\frac{\operatorname{dist}_{\max}(d) - \operatorname{dist}_{\min}(d)}{\operatorname{dist}_{\min}(d)}\right) = 0$$

Многие алгоритмы кластеризации используют метрики, которые, в следствии вышеописанного феномена, являются довольно слабыми в многомерных пространствах. В связи с этим есть необходимость в уменьшении размерности пространства эмбеддингов.

Задача уменьшения размерности заключается в том, чтобы построить преобразование, которое переводит пространство векторов в пространство наименьшей размерности, при этом добиваясь наименьших потерь информации и свойств самого пространства. Определение потерь может быть индивидуально для каждого алгоритма.

Для этого существует несколько подходов. Одним из них является классический метод главных компонент, также известный как PCA [источник]. Путем сингулярного разложения матрицы данных, определения главных компонент и проецирования данных на гиперплоскость ортогонально некоторым собственным векторам можно добиться уменьшения размерности с минимальными потерями ковариации. Однако в следствие линейности данного метода, он не всегда дает хорошего результата при значительном уменьшении размерности.

Другим известным алгоритмом является t-SNE. Представляя из себя нелинейный алгоритм уменьшения размерности, он себя хорошо показывает в задаче визуализации многомерных данных. Однако из-за своего устройства он не способен сохранять расстояния между эмбеддингами и также может создавать искусственные кластера. Это хорошо демонстрируют эксперименты его применения на двух облаках точек, взятые из двух независимых гауссовских распределений [источник].

UMAP является более универсальным алгоритмом уменьшения размерности перед применением алгоритма кластеризации [источник]. Он способен выдавать многообразие меньшей размерности с определенной топологической структурой, если выполняется три условия теоремы [источник]:

- 1. Данные равномерно распределены на многообразии Римана
- 2. Метрика Римана локально константна
- 3. Многообразие локально связно

Данные условия практически всегда выполняются для реальных данных, и, в связи с этим, данный алгоритм хорошо подходит для уменьшения размерности. Также он предоставляет широкий набор параметров, который позволит улучшить качество кластеризации на данных меньшей размерности. Более того, алгоритму можно подать данные с метками, на которых алгоритм может обучиться и выдать более кластеризуемые эмбеддинги [источник].

## 2.5 Кластеризация

Кластеризация является важной частью данной работы. Получив на входе набор эмбеддингов, которые нам дала нейронная сеть и алгоритм уменьшения размерностей, нам нужно теперь выделить кластера рукописных текстов, которые написал один автор.

Существует огромное количество различных алгоритмов, решающих эту задачу. Каждый из алгоритмов по-своему уникален, имеет собственные параметры, учитывает природу данных также по-разному.

Более того, довольно важно учитывать саму природу данных, которые мы пытаемся кластеризовать. Принимая в расчет архитектуры, которые были описаны ранее в данной работе, можно прийти к выводу, что как минимум природа эмбеддингов различается в метрике, которая минимизировалась для эмбеддингов от одного автора. Как можно вспомнить, например, модель SNN минимизировала евклидово расстояние между двумя векторами, представляющие рукописные тексты от одного писателя. В то же время, модель, обученная на задаче классификации с функцией потерь ArcFace, будет выдавать эмбеддинги, которые расположены на *n*-мерной гиперсфере и которые обладают свойством кластеризуемости относительно косинусной метрики.

Из вышесказанного следует, что, выбирая алгоритм, важно учитывать специфику данных. На них очень сильно влияет как архитектура нейронной сети, так и выбранный алгоритм уменьшения размерности.

Хочется отметить два самых главных параметра, которые будут выбираться по-разному в зависимости от выбранной архитектуры модели. Первым является количество кластеров, которое некоторые алгоритмы кластеризации требуют указать заранее. Однако далеко не всегда мы знаем их количество. Более того, в данной работе определение количества авторов является одной из поставленных задач. Тем не менее, существует несколько методик получения количества кластеров, которые будут описаны позже. Вторым важным параметром является непосредственно метрика. Некоторые алгоритмы считают эмбеддинги близкими друг к другу именно благодаря метрике, что является логичным утверждением. Она также

будет варьироваться в зависимости от выбранной модели.

## 2.5.1 Алгоритмы кластеризации

Рассмотрим существующие популярные алгоритмы кластеризации.

#### K-Means

Метод К-Средних является одним из классических алгоритмов кластеризации. Основная задача данного алгоритма заключается в минимизации так называемой *инерции*, что также называется *критерием суммы квадратов внутри кластера*:

$$\sum_{k=0}^{n} \min_{\mu_j \in C} (||x_i - \mu_j||^2)$$

Данный подход имеет как преимущества, так и недостатки. Из преимуществ можно выделить широкий положительный опыт его использования на различных типах данных, а также масштабируемость данного метода. Он показывает хорошую производительность на большом количестве данных, существует версия MiniBatchKMeans, которая позволяет порциями подавать данные для кластеризации.

Однако, так называемая инерция не является оптимальной метрикой. Как минимум, оно требует нормированности пространства эмбеддингов, так как "растянутые" кластера будут являться контрпримером работы данного алгоритма. Также, алгоритм требует на вход количество кластеров, что для нас является неизвестной величиной, и, возможно, могут появиться трудности с ее определением. Более того, предполагается, что кластера по своей геометрической структуре является выпуклыми множествами относительно зафиксированной метрики. Но при как при обучении наших эмбеддингов, так и при уменьшении размерности, мы это напрямую никак не можем гарантировать, и метод таким образом может показать плохой результат. Также алгоритм плохо себя показывает на векторах высокой размерности, что обусловлено вышеупомянутым феноменом проклятия размерностии.

#### Иерархическая кластеризация

Алгоритмы иерархической кластеризации представляют из себя семейство методов, которые объединяет общая идея кластеризации множества векторов путём последовательного слияния и разделения. В начале алгоритма каждый объект находится в собственном

кластере. Далее алгоритм находит два самых близких друг к другу кластера и сливает их во едино. Повторяется данный процесс до тех пор, пока не нашлось требуемое количество кластеров.

Данный алгоритм обладает тремя важными параметрами. Первым и вторым, по аналогии с алгоритмом K-Means, являются количество кластеров и метрика соответственно. Третьим параметром подается способ определения расстояния между кластерами. Существует несколько методов для данной задачи. Пусть U, V – кластера точек, D(U, V) – расстояние между кластерами. Тогда существуют как минимум такие методы [источник]:

1. Метод одиночной связи

$$D(U,V) = \min(\rho(u,v))$$

2. Метод полной связи

$$D(U, V) = \max(\rho(u, v))$$

3. Метод средней связи

$$D(U,V) = \frac{1}{|U| \cdot |V|} \sum_{u \in U} \sum_{v \in V} \rho(u,v)$$

4. Метод Уорда

$$D(U, V) = \frac{|U| \cdot |V|}{|U| + |V|} \rho^2 \left( \sum_{u \in U} \frac{u}{|U|}, \sum_{v \in V} \frac{v}{|V|} \right)$$

У данного алгоритма также есть свои преимущества и недостатки. Хочется отметить, что они прежде всего зависят именно от метода определения расстояния между кластерами. В зависимости от него мы можем построить контрпримеры множеств, которые алгоритм довольно плохо кластеризует. Например, в большинстве случаев данный метод плохо отделяет растянутые кластера. Также, если ему дать равномерно распределенное множество точек, то в некоторых случаях он попробует разделить это пространство на данное ему количество кластеров, хотя оно не кластеризуемо. Тем не менее, в отличие от K-Means алгоритм иерархической кластеризации основывается на меньшем количестве предположений о природе данных, и, таким образом, может показать лучше результат.

#### MeanShift

Алгоритм MeanShift, или *сдвига среднего значения* является алгоритмом анализа пространства признаков, который также может использоваться как алгоритм кластеризации пространства эмбеддингов. Является итеративным алгоритмом нахождения местоположения максимумов плотности вероятности, которые в последствии могут оказаться нужными нам кластерами.

Сдвиг среднего значения shift(x) вычисляется по следующей формуле:

$$m(x) = \frac{\sum_{x_i \in N_i(x)} K(x_i - x) x_i}{\sum_{x_i \in N_i(x)} K(x_i - x)}$$

$$shift(x) = m(x) - x$$

Имея какое-то начальное значение  $x_0$ , оно итеративно сдвигается по следующей формуле:

$$x_n \leftarrow x_{n-1} + shift(x_{n-1})$$

Преимуществом данного алгоритма является тот факт, что на вход ему не надо подавать количество кластеров – это число само появляется во время работы алгоритма.

# 2.5.2 Определение количество кластеров

Следующим большим вопросом является определение количества кластеров до запуска самого алгоритма кластеризации. Существует два основных подхода к решению данной проблемы. Первый и самый простой — выбрать алгоритм кластеризации, который не требует на вход количество кластеров. Примером такого алгоритма являются Meanshift, DBSCAN и другие.

При этом мы хотим использовать и иные алгоритмы кластеризации. Для этого мы будем выполнять поиск по сетке по потенциальным значениям количества кластеров и смотреть на метрики, которые будут говорить о том, насколько хорошо кластеризовалось множество эмбеддингов. Существует несколько метрик, которые помогут нам оценить результат кластеризации.

#### Silhouette Score

Данная метрика определяется следующим образом. Сначала определим ее для одного сэмпла. Пусть  $s_1$  — среднее расстояние от конкретного сэмпла до всех остальных точек в том же самом кластере,  $s_2$  — среднее расстояние от текущего сэмпла до всех остальных точек в следующем ближайшем кластере. Тогда Silhouette Score для конкретного сэмпла вычисляется по формуле:

$$Silhouette(x_0) = \frac{s_2 - s_1}{\max(s_1, s_2)}$$

Метрика для всех точек вычисляется как средняя от метрики для каждой точки:

$$Silhouette(X) = \frac{1}{|X|} \sum_{x \in X} Silhouette(x)$$

Silhouette Score принимает значения из [-1;1], где число ближе к 1 является индикатором хорошей кластеризации, -1 – неверной кластеризации, а 0 – пересекающихся кластеров. Соответственно, при определении количества кластеров мы построим график зависимости данной метрики от количества кластеров, и будем искать такое значение аргумента, при котором Silhouette Score выдает максимальное значение.

Недостатком такой метрики отмечают плохую показательность для невыпуклых кластеров, что непосредственно исходит из определения самого метода.

#### Calinski-Harabasz Score

Индекс Calinski—Harabasz является альтернативной метрикой для определения количества кластеров с помощью вышеописанного метода. Он определяется как отношение дисперсий между кластерами и внутри кластеров. Более формально, пусть  $C_i$  — кластера, определенные каким-то алгоритмом,  $c_i$  — центр кластера  $C_i$ , c — центр всего множества эмбеддингов, n — количество кластеров. Тогда W — матрица дисперсий внутри кластеров — определяется следующим образом.

$$W = \sum_{k=1}^{n} \sum_{x \in C_k} (x - c_k)(x - c_k)^T$$

О – межгрупповая дисперсионная матрица, определяемая по следующей формуле:

$$O = \sum_{k=1}^{n} |C_k| (c_k - c)(c_k - c)^T$$

Наконец, индекс определяется так:

$$CHScore(X) = \frac{tr(O)}{tr(W)} \times \frac{|X| - n}{n - 1}$$

Данная метрика ведет себя похожим образом, как и Silhouette Score. Чем больше ее значение тем лучше была произведена кластеризация. Среди недостатков можно выделить тот же факт, что она лучше себя показывается именно на выпуклых кластерах.

#### 3 Результаты проведения экспериментов

#### 3.1 Метрики качества

В рамках данной работы мы будем использовать несколько метрик для оценки качества кластеризации. Во-первых, нам нужно оценивать правильность определения количества авторов. Для этого мы просто будем вычислять разницу предсказанного количества и реального количества на тестовой выборке. Далее, чтобы оценить качество самой кластеризации, воспользуемся следующими метриками:

#### 3.1.1 Rand Index

Является метрикой похожести двух результатов кластеризации [источник]. Определяется следующим образом. Пусть

- 1.  $n_1$  количество пар элементов, которые попали в один и тот же кластер в двух разбиениях.
- 2.  $n_2$  количество пар элементов, которые попали в разные кластера в двух разбиениях.

Тогда Rand Index определяется по следующей формуле:

$$RI = \frac{n_1 + n_2}{C_n^2}$$

В каком то смысле, он является метрикой точности (accuracy), так как считает долю пар элементов, которые успешно попали либо в один кластер, либо в разные кластера. Соответственно, мы ей можем подать кластеризацию, которую нам дала наша модель, и истинную кластеризацию, которую мы знаем так как знаем метки авторов.

Стоит отметить, что Rand Index плохо себя ведет, если предсказать слишком большое количество кластеров. Это можно заметить, построив следующий пример. Пусть у нас есть  $n \cdot k$  элементов. В первом варианте кластеризации у нас будет n кластеров по k точек. Во втором варианте кластеризации у нас каждая точка будет находится в собственном кластере. Тогда посчитаем Rand Index:

$$RI = \frac{0 + \frac{n(n-1)}{2}k^2}{\frac{(nk)(nk-1)}{2}} = \frac{nk - k}{nk - 1}$$

3афиксируем k. Тогда

$$\lim_{n \to +\infty} RI(n) = 1$$

Таким образом, если модель просто будет выдавать слишком много кластеров, данная метрика будет только расти. Данный феномен мы увидим уже в самих результатах. Таким образом, Rand Index является не совсем показательным.

### 3.1.2 Adjusted Rand Index

Данная метрика является улучшенной версией Rand Index, которая сравнивает текущую кластеризацию со случайной [источник]. Помимо RI на данных двух вариантах кластеризации, мы еще считаем ожидаемый RI для случайной раскраски:

$$ERI = \frac{\sum C_{n_i}^2 * \sum C_{n_j}^2}{C_N^2}$$

где  $n_i$  – количество элементов в кластере i, N – количество элементов. Наконец, получаем формулу для ARI:

$$ARI = \frac{RI - ERI}{1 - ERI}$$

Данная метрика уже будет показывать довольно низкие значения для вышеописанного контр-примера метрики RI.

#### 3.1.3 Silhouette Score

Мы также можем использовать Silhouette Score как метрику качества кластеризации. Благодаря определению, нам не требуется подавать Target разбиение.

# 3.2 Эксперименты

# 4 Заключение