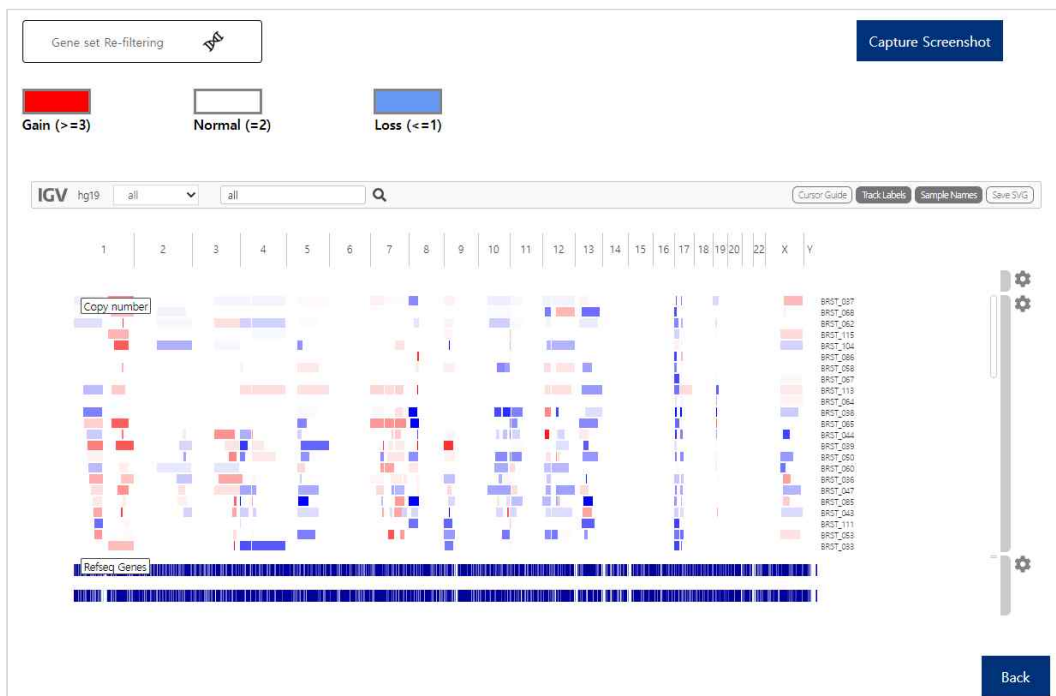


단일 데이터 시각화 가이드 - Copy Number Variation(CNV)

- . 시각화 가능한 오믹스 데이터 : CNV
- . CNV는 복제 수 변이 정보를 Zoom-in/out 가능한 유전체 뷰어에서 시각화합니다.
 - 마우스 스크롤 UP/DOWN을 통해 확대 가능
- . CNV plot을 통해 전체 복제 수 변이 데이터를 시각적으로 파악할 수 있습니다.



< CNV 시각화 화면>

- . 단일 데이터 시각화는 오직 하나의 오믹스 데이터를 시각화하기 때문에 임상정보 필터 기능이 없습니다.
- . [유전자 세트 필터링]을 통해 원하는 유전자를 선택할 수 있습니다.
- . IGV(Integrated Genome Viewer)에서 염색체와 위치(base-pair) 범위를 검색하면 해당 범위를 확대하여 시각화합니다.
 - 예시) IGV의 첫 번째 상자에서 드롭 다운 기능을 통해 원하는 위치의 염색체로 이동 가능
 - IGV의 두 번째 상자에서 [chr번호]:[위치 범위]를 통해 해당 위치로 이동 가능 (chr10:87800-87971)
- . Copy Number 시각화를 지원합니다.
 - X축 : 염색체 및 위치 (확대 시, base 단위로 볼 수 있음)
 - Y축 : 샘플 이름

- 붉은색 : Copy number gain ($CN \geq 3$)
- 흰색 : Copy number normal ($CN = 2$)
- 푸른색 : Copy number loss ($CN \leq 1$)

. RefSeq Genes 트랙을 지원합니다. (확대 시, 상세 보기 가능)

. 그 외 옵션 기능

- Cursor Guide : 마우스 커서 위치 강조
- Track labels : 트랙 레이블 보이게 설정
- Sample names : 샘플 이름 보이게 설정
- Save SVG : SVG 형식 다운로드