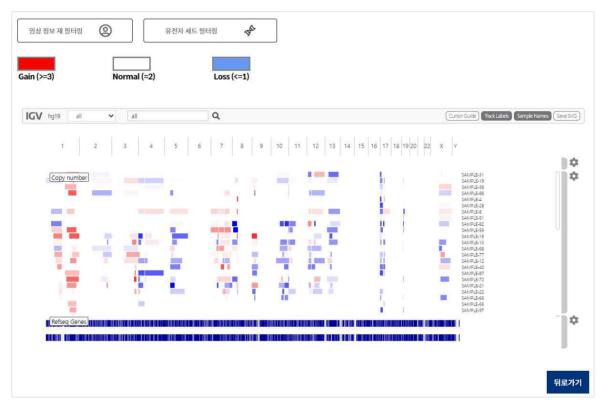
다중 데이터 시각화 가이드 - Copy Number Variation(CNV)

- . 시각화 가능한 오믹스 데이터 : Clinical Information, CNV
- . CNV plot은 복제 수 변이(Copy Number Variation) 데이터를 Zoom-in, Zoom-out 가능한 유전체 뷰어 에서 시각화합니다.
- . CNV plot을 통해 전체 복제 수 변이 데이터를 시각적으로 파악할 수 있습니다.



< CNV >

- . [임상 정보 재 필터링]을 통해 원하는 샘플 조건으로 필터링할 수 있습니다.
- . [유전자 세트 필터링]을 통해 원하는 유전자에 대한 CNV Plot을 그릴 수 있습니다.
- . IGV(Integrated Genome Viewer)에서 염색체와 위치(base-pair) 범위를 검색하면 해당 범위를 확대하여 시각화합니다.
- . Copy number 창
 - X축: 염색체 및 위치(*확대 시, base 단위로 볼 수 있음)
 - Y축: 샘플 이름
 - 붉은색: Copy number gain (CN ≥ 3)

- 흰색: Copy number normal (CN = 2)

- 푸른색 : Copy number loss (CN \leq 1)

. RefSeq Genes 트랙 (*확대 시, 상세 보기 가능)

. 옵션 기능들

- Cursor Gudie: 마우스 커서 위치 강조

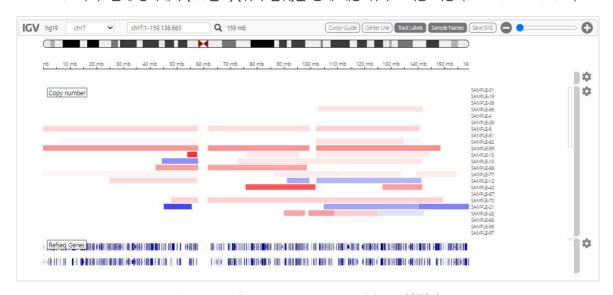
- Track labels : 트랙 레이블 보이게 설정

- Sample names : 샘플 이름 보이게 설정

- Save SVG : SVG 형식 다운로드

. IGV(Integrated Genome Viewer)에서 염색체와 위치(base-pair) 범위를 검색하면 해당 범위를 확대하여 시각화합니다.

예시) IGV의 첫 번째 상자에서 드롭 다운 기능을 통해 원하는 위치의 염색체로 이동 가능 IGV의 두 번째 상자에서 [chr번호]:[위치 범위]를 통해 해당 위치로 이동 가능 (chr10:87800-87971)



〈 CNV, Chromosome - Position 설정 〉

- X축: 염색체 밴드 (Ideogram) 및 염기서열

- Y축: 샘플 이름

- 마우스로 화면을 왼쪽, 오른쪽으로 드래그하여 이동 가능