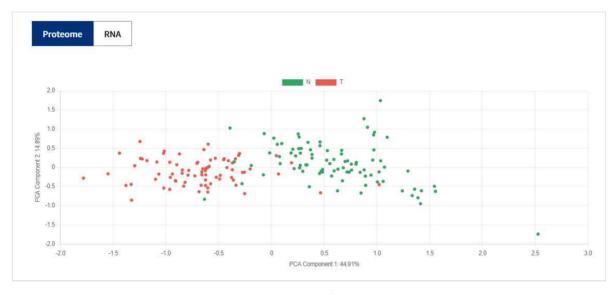
단일 데이터 시각화 가이드 - PCA

- . 시각화 가능한 오믹스 데이터 : RNA, Proteome
- . PCA는 2개 이상의 선택한 유전자 세트를 기준으로 고차원의 데이터를 저치원으로 환원시키는 기법입니다.
- . 단일 데이터분석의 PCA plot은 주성분을 2개만 사용하여 2차원 평면(X축, Y축)에 시각화합니다.
- . 2가지 오믹스 데이터(RNA, Proteome) 중 1가지를 선택하여 시각화 할 수 있습니다.
- . PCA plot은 업로드한 [유전자 세트 필터링] 박스를 통해 RNA 또는 Proteome 데이터의 모든 유전자를 선택하여 시각화를 할 수 있습니다.
- . 업로드한 데이터에 대해 Tumor, Normal 샘플을 그룹화하여 시각화합니다.



< PCA >