## Exercise 2 (R)

Analyse the esoph dataset. Can you derive some useful statements from it? Use data() to see all available datasets.

```
In [1]:

1  #Zuerst muss das esoph dataset geladen werden
2  data("esoph")

3  #Jetzt muss ich wissen was für einen Datentyp das Dataset hat
5  class(esoph)
```

'data.frame'

```
In [2]:

1 #Das esoph-Dataset ist ein data.frame. Ich kann dann die Größe/Dimension ermitteln.
2 dim(esoph) #Das esoph-Dataset hat 88 Zeilen und 5 Spalten
```

88 5

```
In [3]:

1 #Jetzt werden die Namen der Spalten angezeigt
2 colnames(esoph) #[1] "agegp" "alcgp" "tobgp" "ncases" "ncontrols"
```

'agegp' 'alcgp' 'tobgp' 'ncases' 'ncontrols'

Um mehr Informationen über die Daten zu haben, kann man auch die Funktion: str(esoph). Das Ergebnis zeigt, dass die zwei letzten Spalten numerische Werte haben, während die 3 ersten Spalten Strings enthalten.

```
In [14]:

1    str(esoph)

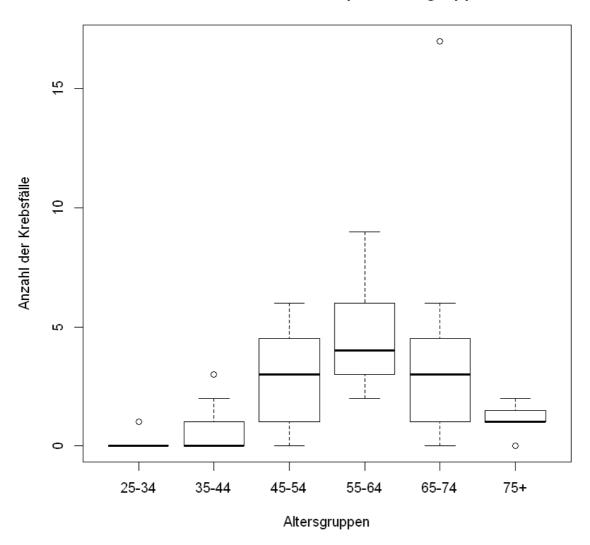
'data.frame': 88 obs. of 5 variables:
    $ agegp : Ord.factor w/ 6 levels "25-34"<"35-44"<...: 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1
...
    $ alcgp : Ord.factor w/ 4 levels "0-39g/day"<"40-79"<...: 1 1 1 1 2 2 2 2
3 3 ...
    $ tobgp : Ord.factor w/ 4 levels "0-9g/day"<"10-19"<...: 1 2 3 4 1 2 3 4
1 2 ...
    $ ncases : num    0 0 0 0 0 0 0 0 0 ...
    $ ncontrols: num    40 10 6 5 27 7 4 7 2 1 ...</pre>
```

Ich kann die Anzahl der Krebsfälle pro Altersgruppe als Chart angeizen. Das Ergebnis zeigt, dass die meisten

In [11]: ▶

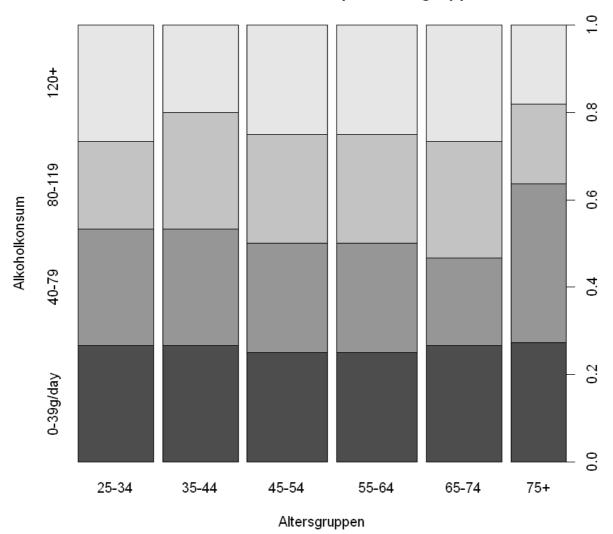
```
#Jetzt haben wir die Namen der Spalten und ich kann als Chart anzeigen wie viele
#Krebsfälle es pro Altersgruppe gibt.
plot(esoph$agegp, esoph$ncases, main="Anzahl der Krebsfälle pro Altersgruppe",
xlab="Altersgruppen", ylab="Anzahl der Krebsfälle")
```

## Anzahl der Krebsfälle pro Altersgruppe



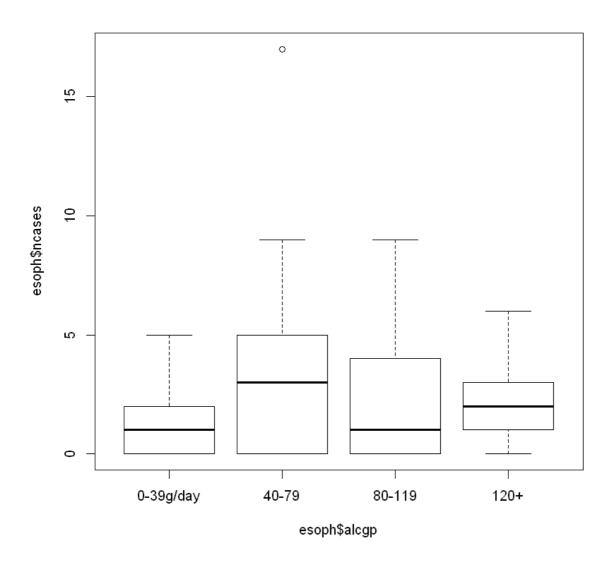
In [10]: ▶

## Anzahl der Krebsfälle pro Altersgruppe

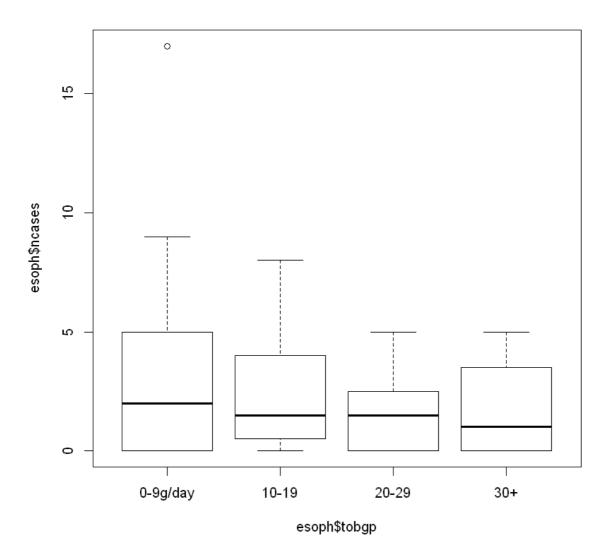


In [6]: 
▶

#Ich kann dann die Anzahl der Krebsfällen im Verhähltnis zu dem Alkoholkonsum boxplot(esoph\$ncases ~ esoph\$alcgp)



boxplot(esoph\$ncases ~ esoph\$tobgp)



In [13]: ▶

```
1 summary(esoph)
```

agegp 25-34:15 35-44:15 45-54:16 55-64:16	alcgp 0-39g/day:23 40-79 :23 80-119 :21 120+ :21	tobgp 0-9g/day:24 10-19 :24 20-29 :20 30+ :20	ncases Min. : 0.000 1st Qu.: 0.000 Median : 1.000 Mean : 2.273	ncontrols Min. : 1.00 1st Qu.: 3.00 Median : 6.00 Mean :11.08
65-74:15 75+ :11			3rd Qu.: 4.000 Max. :17.000	3rd Qu.:14.00 Max. :60.00
4				•

Das Package Hmisc bringt die Funktion "describe()", die ein bisschen mehr Informationen liefert, als "summary()"

In [24]:

```
1 library(Hmisc)
 2
 3 describe(esoph)
esoph
 5 Variables 88 Observations
agegp
     n missing distinct
     88 0 6
Value 25-34 35-44 45-54 55-64 65-74 75+
Frequency 15 15 16 16 15
Proportion 0.170 0.170 0.182 0.182 0.170 0.125
alcgp
     n missing distinct
     88 0 4
Value 0-39g/day 40-79 80-119 120+
Frequency 23 23 21 21
Proportion 0.261 0.261 0.239 0.239
tobgp
     n missing distinct
     88 0 4
Value 0-9g/day 10-19 20-29
Frequency 24 24 20
Proportion 0.273 0.273 0.227
                                    30+
                                   20
                            0.227 0.227
----
ncases
   n missing distinct Info Mean Gmd .05 .10
     88 0 10 0.954 2.273 2.707 0.0
                                                            0.0
    .25 .50 .75 .90 .95
0.0 1.0 4.0 5.3 6.0
Value 0 1 2 3 4 5 6 8 9 17 Frequency 29 16 11 9 8 6 5 1 2 1
Proportion 0.330 0.182 0.125 0.102 0.091 0.068 0.057 0.011 0.023 0.011
____
ncontrols
     n missing distinct Info Mean Gmd .05 .10 88 0 30 0.994 11.08 12.23 1.0 1.0
     88
        .50 .75 .90 .95
6.0 14.0 29.1 40.0
    .25
    3.0
lowest: 1 2 3 4 5, highest: 40 46 48 49 60
```