

RAPPORT PROJET D'ETUDE

(KHALID OURO-ADOYI)

Master 1 IA

PLAN DU RAPPORT

- -Contexte
- Identification des facteurs de désabonnement.
- -Explorer la corrélation entre les variables.
- Construction de modèle de prédiction
- -Evaluation de la performance du modèle
- -Construction d'application churn_app

PROJET D'ETUDE

CONTEXTE

Analyse d'un Jeu de Données sur le Désabonnement des clients d'une entreprise de télécommunication en Iran.

Date de Collecte des Données : 4 août 2020

Source des Données : Les données sont collectées aléatoirement à partir de la base de données d'une entreprise de télécommunications en Iran sur une période de 12 mois.

Objectif:

L'objectif de ce projet est d'analyser un ensemble de données concernant le désabonnement des clients d'une entreprise de télécommunications en Iran. Les données sont collectées pour mieux comprendre les raisons potentielles du désabonnement et prédire si un client se désabonnera ou non.

Caractéristiques du Jeu de Données :

Nature: Multi variable (plusieurs attributs pour chaque observation).

Type d'Attribut : Entier (valeurs numériques).

Taille du Jeu de Données :

- Nombre d'Observations : 3150 (chaque ligne représente un client).

- Nombre de Variables : 14 (attributs).

Liste des Variables :

1. ID du client anonyme.

2. Échecs d'appel : Nombre d'échecs d'appel.

3. Plaintes: Binaire (0: pas de plainte, 1: plainte).

4. Durée de l'abonnement : Nombre total de mois d'abonnement.

- 5. Montant des frais : Attribut ordinal (0 : montant le plus bas, 9 : montant le plus élevé).
- 6. Secondes d'utilisation : Nombre total de secondes d'appel.
- 7. Fréquence d'utilisation : Nombre total d'appels.
- 8. Fréquence des SMS: Nombre total de messages texte.
- 9. Numéros appelés distincts : Nombre total d'appels téléphoniques distincts.
- 10. Groupe d'âge: Attribut ordinal (1: plus jeune, 5: plus âgé).
- 11. Plan tarifaire: Binaire (1 : Pay as you go, 2 : contractuel).
- 12. Statut: Binaire (1: actif, 2: non actif).
- 13. Désabonnement : Binaire (1 : désabonnement, 0 : non désabonnement) Étiquette de classe.
- 14. Valeur du client : Valeur calculée du client.

Informations Supplémentaires : Les données représentent des informations agrégées sur une période de 9 mois, à l'exception de l'attribut "Désabonnement" qui représente l'état des clients à la fin des 12 mois.

Méthodologie du travail :

- Identifier les facteurs qui influencent le désabonnement des clients.
- Construire un modèle de classification pour prédire si un client se désabonne.
- Évaluer la performance du modèle en utilisant des métriques appropriées (précision, rappel, F1-score, etc.).
- Explorer la corrélation entre les variables pour mieux comprendre les relations entre elles.
 - Prédire la valeur du client en utilisant des méthodes de régression.

Ce projet vise à fournir des informations et des prédictions utiles à l'entreprise de télécommunications pour mieux comprendre et gérer les taux de désabonnement de ses clients.

```
Double-cliquez (ou appuyez sur Entrée) pour modifier

# Importation de librairies
import numpy as np
import pandas as pd
import matplotlib.pyplot as plt
import seaborn as sns
from numpy.lib.function_base import median
#Pour rendre le graphique interactif, on importe les élements de la librairie ipywidgets
import ipywidgets as widgets
from ipywidgets as widgets
from ipywidgets import interact, interactive, fixed, interact_manual

# Les differents algorithmes nécessaires :
from sklearn.linear_model import togisticRepression # regression logistic
from sklearn.neural_network import MLPClassifier
from sklearn.neural_network import MLPClassifier
# Réseau de neurone artificielle
# support vector machine : le classificateur pour trouver
# le meilleur hyperplan de la variable cible

# chercher les meilleurs hyper-paramètres pour nos algorithmes
# Qui stock plusierus métriques comme la precision du modele, le F1 score
# Selection de variables predictrices importante : reduire la dimentionalité
# de notre jeux de donnée tout en preservant la performance des algorithlmes
```

Ce code met en place un environnement de machine learning en utilisant Python, en important diverses bibliothèques et en configurant des algorithmes de classification. Détaillons :

1. Importation de bibliothèques :

- import numpy as np : Une bibliothèque pour effectuer des opérations mathématiques et de manipulation sur des tableaux de données.
- import pandas as pd : Une bibliothèque pour la manipulation et l'analyse de données tabulaires.
- -import matplotlib.pyplot as plt : Une bibliothèque pour créer des graphiques et visualiser les données.
- import seaborn as sns : Une bibliothèque pour la visualisation de données basée sur matplotlib, facilitant la création de graphiques esthétiques.
- ipywidgets : Une bibliothèque pour créer des éléments d'interface utilisateur interactifs.
- interact, interactive, fixed, interact_manual : Fonctions de pywidgets pour créer des interfaces interactives.

2. Algorithmes de classification :

- LogisticRegression : Un algorithme de régression logistique, utilisé pour résoudre des problèmes de classification.
- RandomForestClassifier : Un algorithme de forêt aléatoire, qui construit plusieurs arbres de décision pour améliorer les performances de classification.

- MLPClassifier : Un classificateur basé sur un réseau de neurones artificiels, capable de gérer des problèmes de classification complexes.
- SVC (Support Vector Classifier) : Un classificateur basé sur les machines à vecteurs de support, utilisé pour trouver le meilleur hyperplan pour séparer les classes.

3. Recherche d'hyper-paramètres:

- GridSearchCV : Une technique de recherche d'hyper-paramètres qui essaie différentes combinaisons de paramètres pour obtenir les meilleures performances d'algorithmes.

4. Autres fonctionnalités :

- classification_report : Une fonction pour générer un rapport de classification avec différentes métriques telles que la précision, le rappel et le F1-score.
- RFE (Recursive Feature Elimination) : Une technique de sélection de caractéristiques qui élimine les variables moins importantes pour réduire la dimensionnalité des données tout en conservant les performances de l'algorithme.

En utilisant ces bibliothèques et algorithmes, vous pouvez construire des modèles de machine learning, effectuer des analyses et des prédictions sur des ensembles de données. Les widgets interactifs d'ipywidgets permettent de manipuler et d'observer les résultats de manière interactive dans un environnement Jupyter Notebook.

```
#Importation de données

data = pd.read_csv('/content/Customer Churn.csv')

data
```

Ce code concerne l'importation de données à partir d'un fichier CSV et leur stockage dans un objet appelé data à l'aide de la bibliothèque pandas. Voici une explication détaillée :

1. Importation de données :

- pd.read_csv('/content/Customer Churn.csv') : Cette ligne de code utilise la fonction read_csv de la bibliothèque pandas pour lire les données d'un fichier CSV. Le chemin /content/Customer Churn.csv est l'emplacement du fichier CSV que vous souhaitez lire.

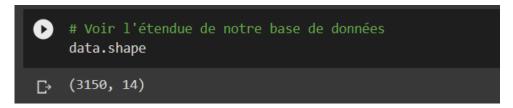
2. Stockage des données :

- Une fois que les données sont lues à partir du fichier CSV, elles sont stockées dans un objet appelé data. Cet objet est une structure de données appelée DataFrame, spécifique à la bibliothèque pandas. Un DataFrame est une manière organisée et tabulaire de stocker des données, semblable à une feuille de calcul.

	Call Failure	Complains	Subscription Length	Charge Amount	Seconds of Use	Frequency of use	Frequency of SMS	Distinct Called Numbers	Age Group	Tariff Plan	Status	Age	Customer Value	Churn
0			38		4370								197.640	0
1			39		318							25	46.035	0
2					2453		359						1536.520	0
3			38		4198	66							240.020	0
4					2393								145.805	0
3145					6697								721.980	0
3146					9237		80					55	261.210	0
3147													280.320	0
3148					4695	46	222					30	1077.640	0
3149													100.680	1
3150 rows x 14 columns														

<u>ANALYSE EXPLORATOIRE DE NOS DONNEES</u>: elle permet de mieux comprendre les données et de comprendre le type de prétraitement de données à effectuer.

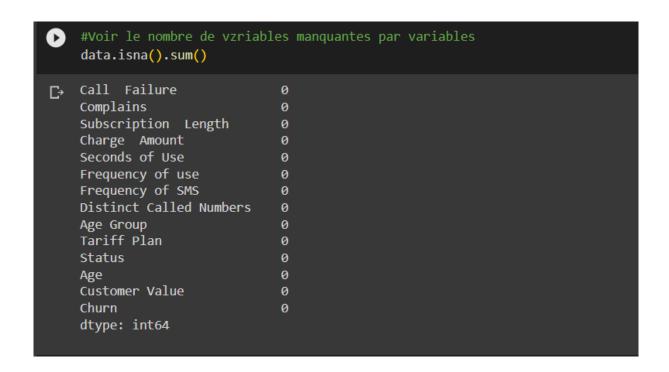
data.shape : Cette ligne de code renvoie les dimensions (nombre de lignes et de colonnes) de votre DataFrame data. Cela peut vous donner une idée du nombre de points de données et du nombre de caractéristiques (colonnes) dans votre ensemble de données.



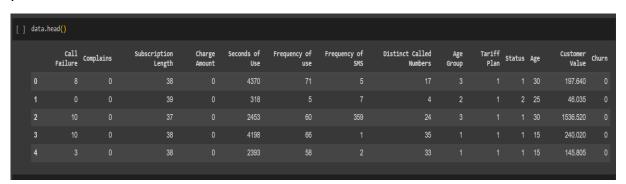
data.info() : Cette méthode affiche des informations sur le DataFrame data, notamment le nombre total d'entrées non nulles par colonne et le type de données de chaque colonne. Cela peut vous aider à comprendre quelles colonnes contiennent des données manquantes et quelles colonnes sont de quel type.

```
data.info()
<class 'pandas.core.frame.DataFrame'>
RangeIndex: 3150 entries, 0 to 3149
Data columns (total 14 columns):
     Column
                                   Non-Null Count Dtype
 0 Call Failure
                                  3150 non-null int64
                                   3150 non-null int64
 1 Complains
1 Complains 3150 non-null int64
2 Subscription Length 3150 non-null int64
3 Charge Amount 3150 non-null int64
4 Seconds of Use 3150 non-null int64
5 Frequency of use 3150 non-null int64
6 Frequency of SMS 3150 non-null int64
 7 Distinct Called Numbers 3150 non-null int64
                                  3150 non-null int64
 8 Age Group
    Tariff Plan
 9
                                  3150 non-null int64
 10 Status
                                   3150 non-null
                                                      int64
 11 Age
                                   3150 non-null int64
 12 Customer Value
                                   3150 non-null float64
 13 Churn
                                   3150 non-null int64
dtypes: float64(1), int64(13)
memory usage: 344.7 KB
```

data.isna().sum(): Cette ligne de code calcule la somme des valeurs manquantes (NaN) pour chaque colonne dans le DataFrame data. Cela peut vous aider à identifier les colonnes avec des données manquantes.



data.head() : Cette méthode affiche les premières lignes du DataFrame data, par défaut les 5 premières lignes. Cela vous permet de jeter un coup d'œil rapide aux premières observations de votre ensemble de données.



data.nunique() : Cette méthode renvoie le nombre de valeurs uniques dans chaque colonne du DataFrame data. Cela peut vous aider à comprendre la variabilité et la diversité des données dans chaque colonne.

```
#Pour voir le nombre de valeur unique par colonne : elle nous donne le nombre #de valeurs dictinctes au niveau de chaque colonne data.nunique()

Call Failure 37
Complains 2
Subscription Length 45
Charge Amount 11
Seconds of Use 1756
Frequency of use 242
Frequency of SMS 405
Distinct Called Numbers 92
Age Group 5
Tariff Plan 2
Status 2
Age 5
Customer Value 2654
Churn 2
dtype: int64
```

STATISTIQUE DESCRIPTIVE

Calcul des moyennes pour les colonnes spécifiées

#Calcul de mediane

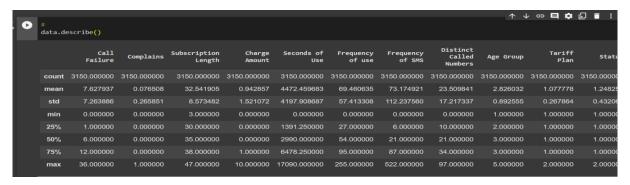
```
#Calcul de mediane
columns_to_calculate_median= ['Seconds of Use','Frequency of use','Frequency of median_values = data[columns_to_calculate_median].median()

print("Medianes:\n", median_values)

Medianes:
Seconds of Use 2990.00
Frequency of use 54.00
Frequency of SMS 21.00
Age 30.00
Customer Value 228.48
dtype: float64
```

Calcul des quantiles pour certaines colonnes :

RESUMES STATISTIQUES



VISUALISATIONS

#Variables catégorielles : celles ayant moins de 5 modalités

to list() pour convertir les noms de colonnes en une liste

```
[ ] #Variables catégorielles : celles ayant moins de 5 modalités
    #NB: to_list() pour convertir les noms de colonnes en une liste
    categorical_columns = data.nunique()[data.nunique()<6].keys().to_list()
    categorical_columns

['Complains', 'Age Group', 'Tariff Plan', 'Status', 'Age', 'Churn']</pre>
```

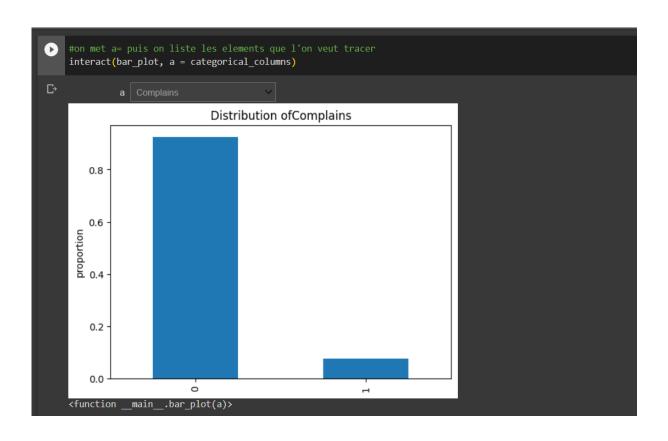
```
#Presenter les variables sous forme de colonne :
for column in categorical_columns:
    print(column)

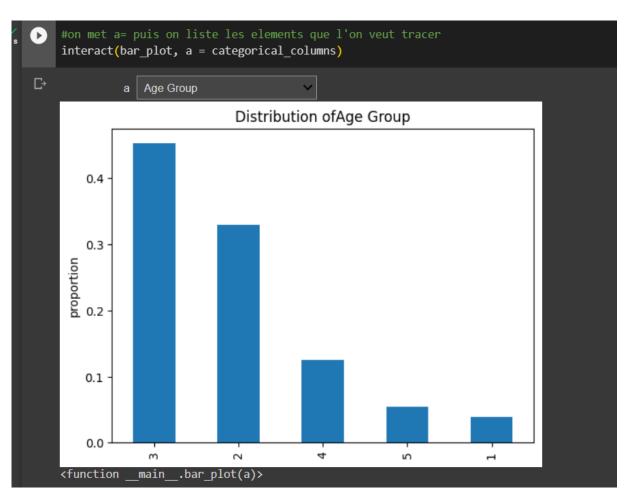
Complains
Age Group
Tariff Plan
Status
Age
Churn
```

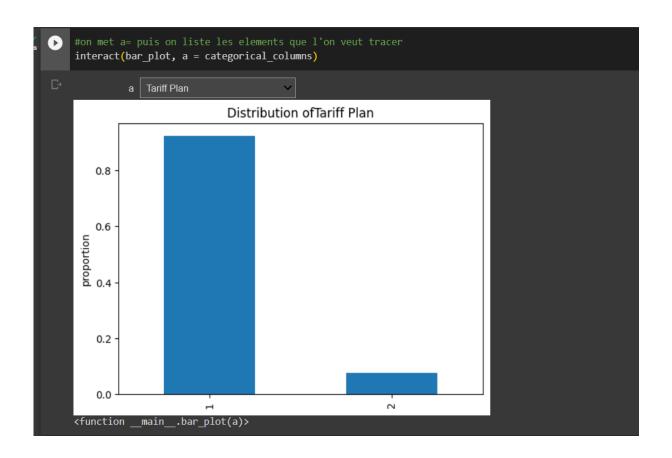
Utiliser la fonction interact pour créer nos graphes en barres interactifs

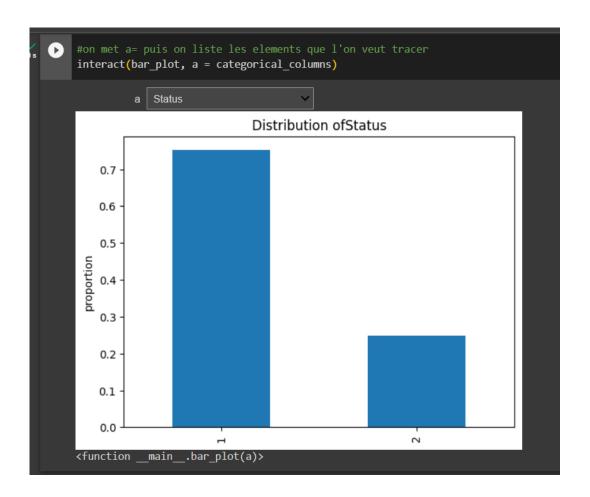
```
# Pour réaliser des graphiques
import seaborn as sns
import matplotlib.pyplot as plt
# Pour inclure les graphes à notre notebook et ne pas
les avoirs separées
%matplotlib inline

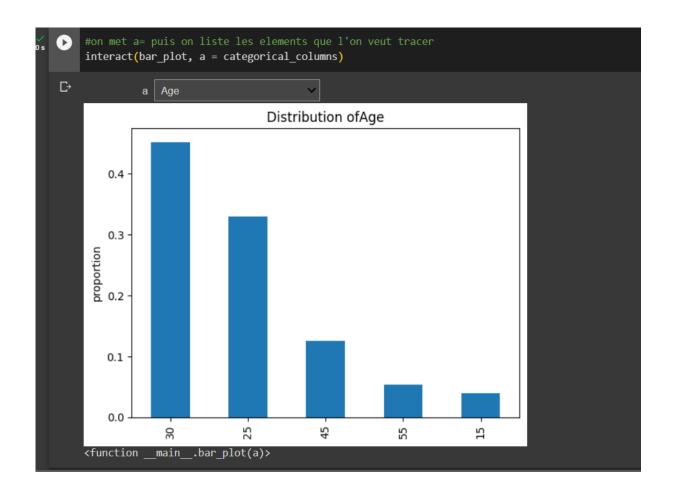
#Pour rendre le graphique interactif, on importe les
élements de la librairie ipywidgets
import ipywidgets as widgets
from ipywidgets import interact, interactive, fixed,
interact_manual
```

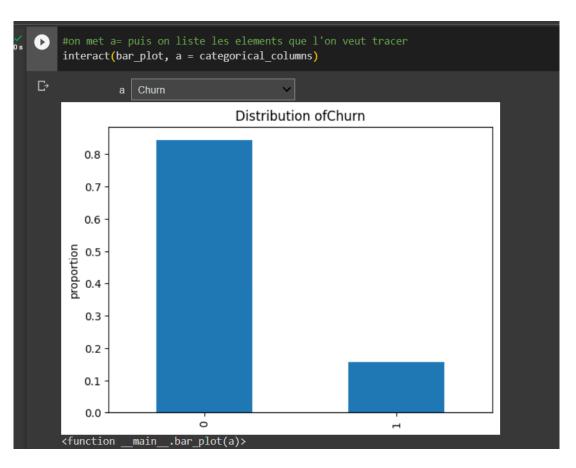












<u>Remarque</u>: La distribution de la variable churn montre que le pourcentage de clients fidèles est supérieur à celui de clients non fidèles (plus de 85% contre moins de 15%).

Aussi on remarque qu'au niveau de notre target (churn) il ya un problème de déséquilibre de classe qu'il faut résoudre car cela peut affecter négativement notre modèle.

ANALYSE UNIVARIEE DE VARIABLES QUANTITATIVES

```
#Variables quantitatives
numerical_columns = ['Frequency of use','Frequency of SMS','Customer Value','Seconds of Use']

# Création d'une fonction de construction d'histogramme de manière interactive
def hist_plot (b):
    sns.distplot(data[b], kde=False)
    plt.title('Histogram of'+str(b))
    return plt.show()

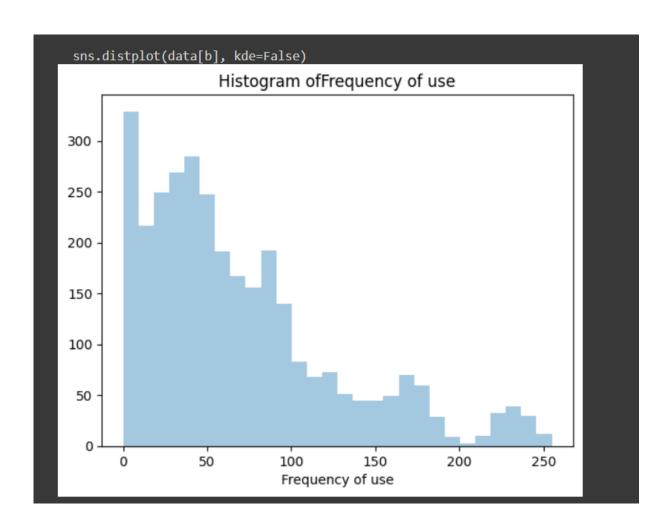
#Avant d'afficher l'histogramme, il faut convertir le type de la variable 'Totalcharges' en float
#data['Customer Value'] = data['Customer Value'].replace(' ',np.nan).astype(float)
```

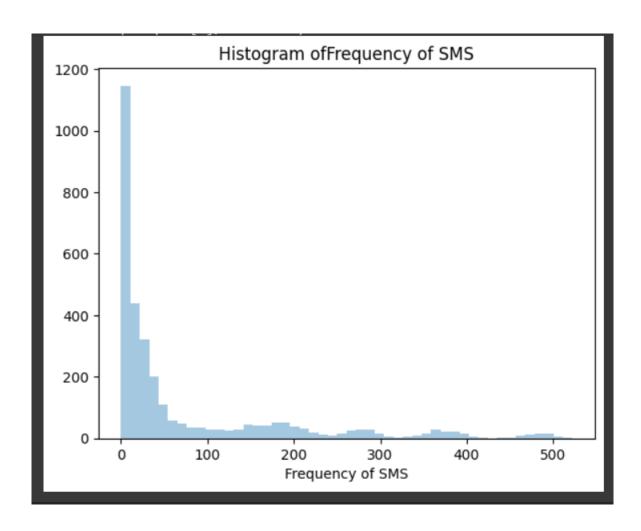
#Voir le nombre de variables manquantes par variables

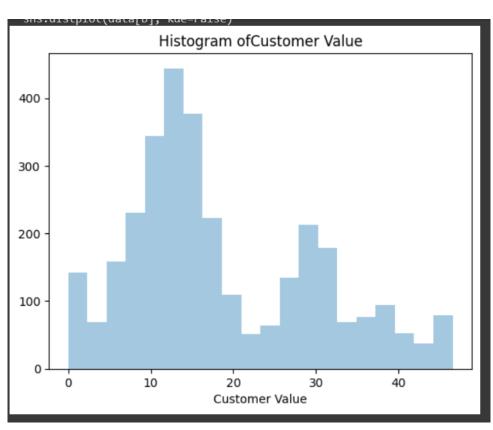
```
#Voir le nombre de variables manquantes par variables
O
    data.isna().sum()
    Call Failure
                              0
    Complains
                              0
    Subscription Length
   Charge Amount
                              0
    Seconds of Use
                              0
   Frequency of use
                              0
    Frequency of SMS
                              0
    Distinct Called Numbers
                              0
    Age Group
    Tariff Plan
                              0
    Status
                              0
                              0
    Age
    Customer Value
                              0
    Churn
                              0
    dtype: int64
```

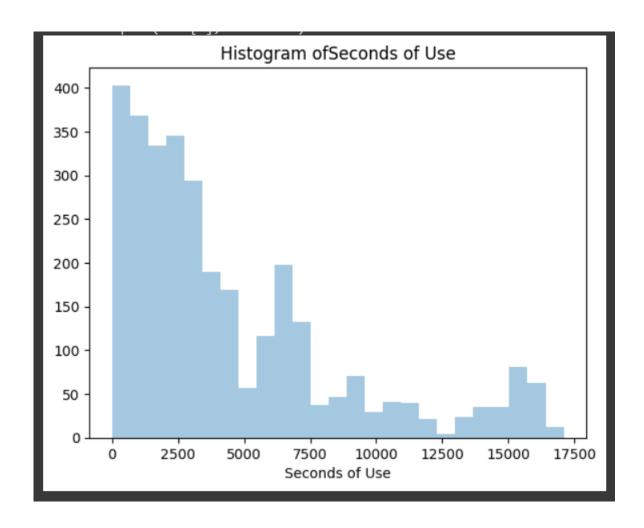
#Afficher les histogrammes avec la fonction (interact)

```
interact(hist_plot, b = numerical_columns);
```









#Coefficient d'asymétrie des variables

```
#Coefficient d'asymetrie de la variable Seconds of Use

data['Seconds of Use'].skew()

# On voit que ce coef est très grand(tend vers 1) donc Asymétrique

#il faut transformer la variable afin de la rendre plus symétrique (Dans le prétraitement)

1.3219428645354965
```

```
[19] #Coefficient d'asymetrie de la variable Frequency of SMS
   data['Frequency of SMS'].skew()
   # On voit que ce coef est très grand(tend vers 1) donc Asymétrique
    #il faut transformer la variable afin de la rendre plus symétrique (Dans le prétraitement)
   1.9741417670137227
```

```
[20] #Coefficient d'asymetrie de la variable Frequency of use

data['Frequency of use'].skew()

# On voit que ce coef est très grand(tend vers 1) donc Asymétrique

#il faut transformer la variable afin de la rendre plus symétrique (Dans le prétraitement)

1.1441664249623964
```

```
[21] #Coefficient d'asymetrie de la variable customer Value
data['Customer Value'].skew()
# On voit que ce coef est très grand(tend vers 1) donc Asymétrique
#il faut transformer la variable afin de la rendre plus symétrique (Dans le prétraitement)

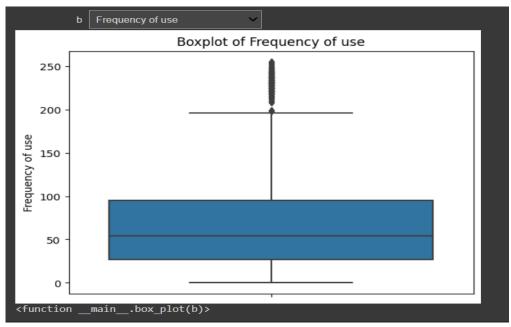
1.4272916100327098
```

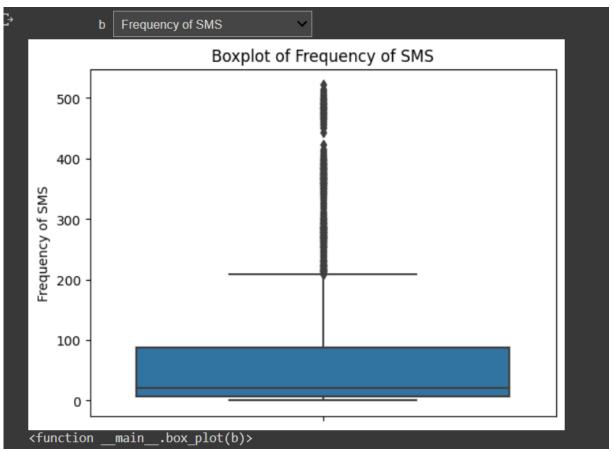
#Vérifions à présent l'existence ou non de valeurs aberrantes grâce aux boites à moustaches.

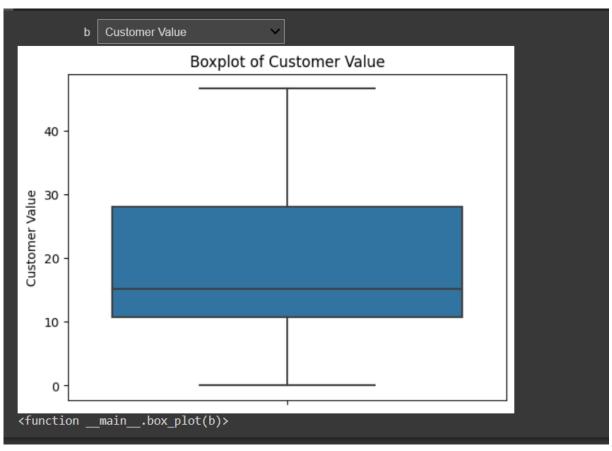
```
import seaborn as sns
import matplotlib.pyplot as plt

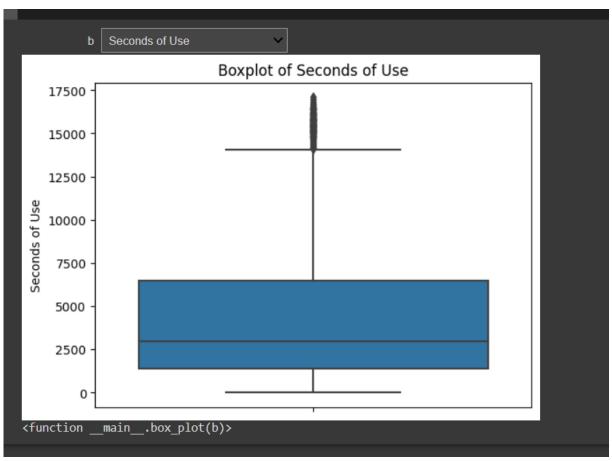
# Construction de la fonction de création de boîtes à moustaches
def box_plot(b):
    sns.boxplot(y=data[b])
    plt.title('Boxplot of ' + str(b))
    plt.show() # Affiche le graphique au lieu d'utiliser plt.shox()

# Interact
interact(box_plot, b=numerical_columns)
```







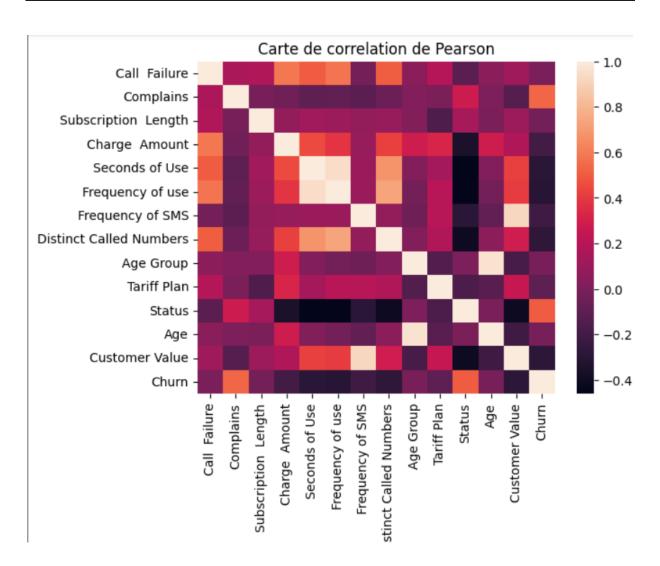


On constate la présence de valeurs aberrantes d'où la nécessité de faire une normalisation.

MATRICE DE CORRELATION

#Matrice de corrélation : plus la couleur est proche de 1, plus les variables ont une forte corrélation.

sns.heatmap(data.corr()).set_title('Carte de
correlation de Pearson');



#La matrice optimale : masquer la seconde moitié de la matrice, créez un masque pour masquer le triangle inférieur

```
#La matrice optimale : masquer la seconde moitier de la matrice

# Créez un masque pour masquer le triangle inférieur

mask = np.triu(np.ones_like(data.corr(), dtype=bool))

# Créez la carte de chaleur avec des annotations ajustées

plt.figure(figsize=(8, 8))

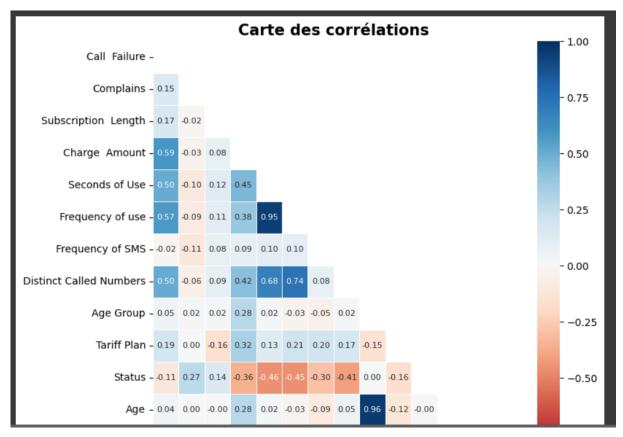
sns.heatmap(data.corr(), mask=mask, center=0, cmap='RdBu',

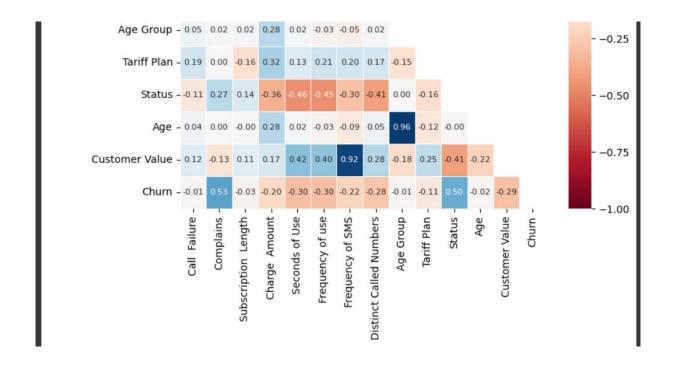
linewidths=0.5, annot=True, fmt=".2f", vmin=-1, vmax=1,

annot_kws={"size": 8}) # Ajustez la taille de la police ici

plt.title('Carte des corrélations', fontsize=15, fontweight='bold')

plt.show()
```

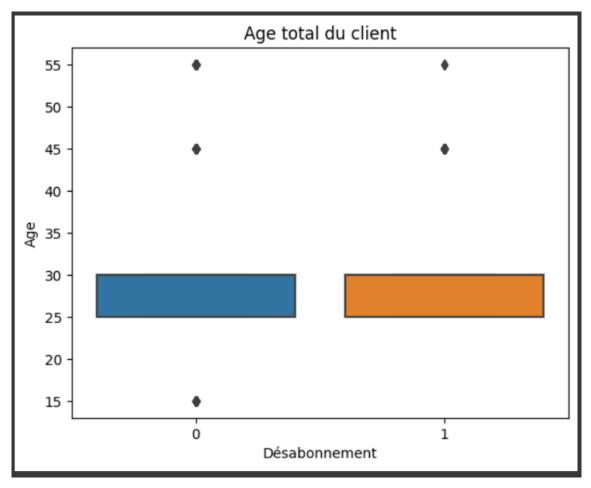




ANALYSE BIVARIEES

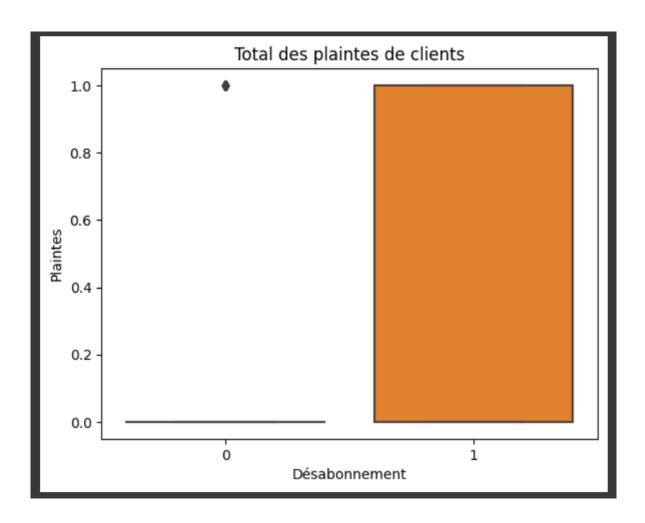
```
# Age vs Churn : on voit que l'age n'a aucun impact sur le desabonnement ou non du client.

sns.boxplot(x= 'Churn', y= 'Age', data=data)
plt.xlabel('Désabonnement')
plt.ylabel('Age')
plt.title('Age total du client')
plt.show()
```

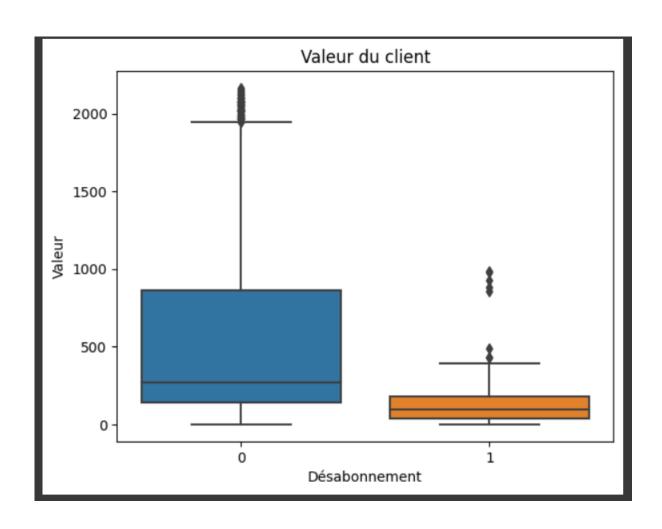


```
# Complains vs Churn : on remarque que seul les client qui se sont plaints se sont desabonné.

sns.boxplot(x= 'Churn', y= 'Complains', data=data)
plt.xlabel('Désabonnement')
plt.ylabel('Plaintes')
plt.title('Total des plaintes de clients')
plt.show()
```

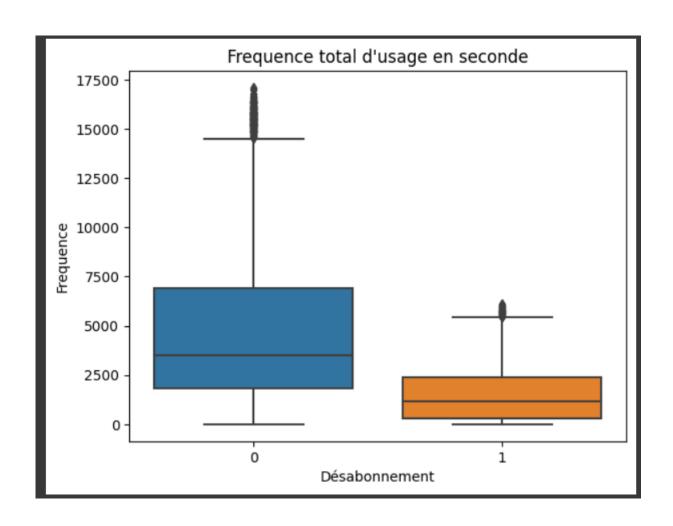


```
[29] # Customer Value vs churn : les clients qui se désabonnent sont ceux qui ont une
sns.boxplot(x='Churn', y='Customer Value', data=data)
plt.xlabel('Désabonnement')
plt.ylabel('Valeur')
plt.title('Valeur du client')
plt.show()
```

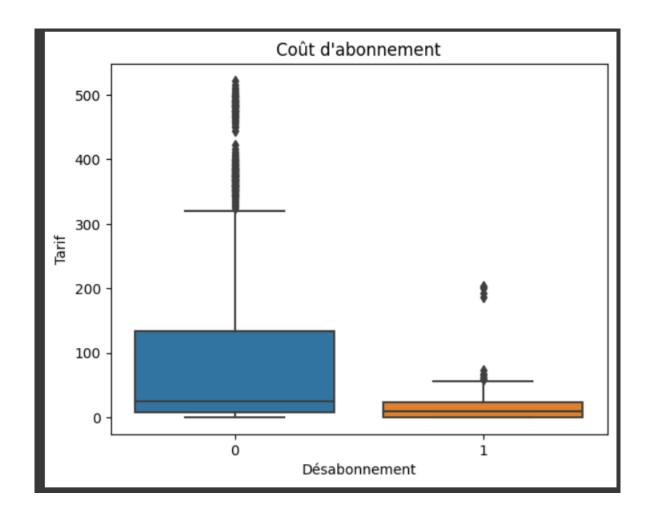


```
[30] #Customer Value vs churn : les clients avec le moins de secondes d'usage sont cexu qui se desabonnent le plus et ils sont moins nombreux

sns.boxplot(x='Churn', y='Seconds of Use', data=data)
plt.xlabel('Désabonnement')
plt.ylabel('Frequence')
plt.title('Frequence total d\'usage en seconde')
plt.show()
```



```
# Frequency of SMS vs Churn : meme conclusion que l'analyse précedente
sns.boxplot(x='Churn', y='Frequency of SMS', data=data)
plt.xlabel('Désabonnement')
plt.ylabel('Tarif')
plt.title('Coût d\'abonnement')
plt.show()
```



A la suite de ces analyses, on relève 2 problèmes majeurs : Asymétrie des données et présence de valeurs aberrantes.

L'asymétrie dans les données peut affecter la performance des modèles, en particulier des modèles basés sur des hypothèses de normalité. Pour traiter l'asymétrie, vous pouvez envisager : La transformation et la standardisation des données.

Les valeurs aberrantes peuvent fausser les résultats et la robustesse du modèle. Voici quelques étapes pour traiter les valeurs aberrantes :

• Identification : Utilisez des méthodes comme les diagrammes de boîte à moustaches (box plots), les diagrammes de dispersion ou des méthodes statistiques pour identifier les valeurs aberrantes dans vos données.

- Traitement : Vous pouvez choisir de supprimer les valeurs aberrantes si elles sont vraiment des erreurs ou si elles ne représentent pas bien le comportement général. Sinon, vous pouvez utiliser des techniques de transformation comme la troncature ou la capping pour réduire leur impact.
- Utilisation de modèles robustes : Certains modèles sont moins sensibles aux valeurs aberrantes que d'autres. Par exemple, les modèles basés sur les arbres de décision et les modèles de forêt aléatoire peuvent mieux gérer les valeurs aberrantes car ils effectuent des coupures binaires répétées.

PRETRAITEMENT DE DONNEES

Faisons appel à MinMaxscaler est une fonction de normalisation de données

from sklearn.preprocessing import MinMaxScaler

##1-Gestion de valeurs manquantes : on remarque une absence de valeur manquantes

```
data_copie = data.copy()
data_copie.isna().sum()
Call Failure
Complains
Subscription Length
                          0
Charge Amount
Seconds of Use
                          a
Frequency of use
Frequency of SMS
Distinct Called Numbers
                          0
Age Group
Tariff Plan
Status
                          0
                          0
Customer Value
                          0
dtype: int64
```

2-ENCODAGE DES VARIABLES : On remarque que toutes les variables contiennent uniquement des valeurs numériques et non des valeurs chaines de caractères. Donc on n'a pas besoin d'encoder quoique ce soit.

TRANSFORMATION DE VARIABLES

La variable Customer Value étant asymétrique, utilisons la transformation racine carrée pour réduire l'asymétrie.

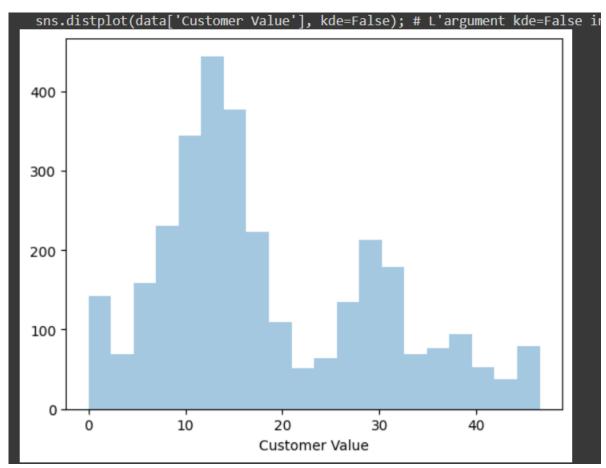
```
# La variable Customer Value étant asymétrique , utilisons la transformation racine carrée pour réduire l'asymétrie .

data['Customer Value'] = np.sqrt(data['Customer Value'])

##Histogramme de la variable transformée : on remarque qu'il est moins asymétrique

sns.distplot(data['Customer Value'], kde=False); # L'argument kde=False indique que vous ne souhaitez pas tracer la fonction de densité estimée
```

Après la transformation de la variable customer Value, on obtient un histogramme mois asymétrique :



revérifions cela en calculant le coefficient d'asymétrie de cette variable

```
[37] # reverifions cela en calculant le coefficient d'asymétrie de cette variable
data['Customer Value'].skew() # on a quitté de 1.4 à 0.6 donc une réduction de presque la moitié

0.6237200901031904
```

DIVISION DE NOS DONNEES : entrainement, validation et test.

```
[38] from sklearn.model_selection import train_test_split # Pour diviser notre dataset en 3 : Trainning , Validation et test
from sklearn.utils import resample # réechantillonner les données
```

#Données d'entrainement (60%) , de validation (20%) et de test (20%) : Double vérification ou double sécutrité

#Les données de validation : pour pouvoir sélectionner le meilleur modèle sur lequel on va enfin tester

#Données d'entrainement : pour entrainer le modèle, Validation : pour sélectionner le meilleur modèle,

test : pour évaluer le modèle sélectionné. Donc il s'agit d'une double vérification.

```
x = data.drop('Churn', axis = 1)  # Notre variable endogène ou indépendante (qui est la dataframe sans churn)
y = data['Churn']  # Notre variable indépendante ou expliquée (qui est churn)
seed=111 #La méthode seed() est utilisée pour initialiser le générateur de nombres aléatoires.
x_train, x_test, y_train, y_test = train_test_split(x, y, test_size = 0.4, random_state = seed, stratify = y)
#stratify = y permet de s'assurer qu'on a la meme proportion de classe au niveau de la variable cible.
#Divisons le données de test créées en 2 parties égales pour former les données de validation et de test.
x_val, x_test, y_val, y_test = train_test_split(x_test, y_test, test_size = 0.5, random_state = seed, stratify = y_test)
```

NORMALISATION DES VARIABLES : Résolvons le problème de déséquilibre

Attaquons-nous au problème de déséquilibre de classes dans les données. Lorsqu'il ya une très grande différence entre le nombre d'observations dans chaque catégorie de la variable target, cela peut entrainer des erreurs de modélisation. Ici il ya plus de 80% des personnes qui n'ont pas résiliés leur abonnement contre 15% qui l'on fait. Il ya donc un très grand déséquilibre de classes. On peut donc utiliser le ré échantillonnage pour rééquilibrer les classes. Soit on fait su sur échantillonnage dans la classe minoritaire(modalité1), soit on fait du sous-échantillonnage dans la classe majoritaire(modalité2).

```
#Méthode de suréchantillonnage de la classe minorotaire.

X2 = x_train  #Création de la copie de nos données d'entrainnement

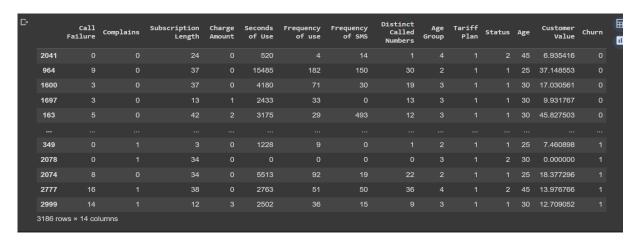
X2['Churn'] = y_train.values  #Ajout la variable cible à cette copie

minority = X2[X2.Churn == 1]  #Filtrage pour obtenir uniquement les observations minoritaires

majority = X2[X2.Churn == 0]  #Filtrage pour obtenir uniquement les observations majoritaires

minority_upsampled = resample(minority, replace = True, n_samples = len(majority), random_state = seed)  # Applicati

upsampled = pd.concat([majority, minority_upsampled])  # On concatene les DataFrames majority et minority_upsampled
```



Vérification de la résolution du problème de déséquilibre

```
upsampled['Churn'].value_counts(normalize = True) # Equilibre parfait avec 50/50

0  0.5
1  0.5
Name: Churn, dtype: float64
```

Données d'entrainement sur la base de méthode de su échantillonnage de la classe minoritaire

```
# Données d'entrainnement sur la base de methode de surechantillonnage de la classe minoritaire
x_train_up = upsampled.drop('Churn', axis=1)
y_train_up = upsampled['Churn']
```

```
# Résolution du prob de desequilibre méthode de sous-échantillonnage de la classe majoritaire.

majority_downsampled = resample(majority, replace = False, n_samples = len(minority), random_state = seed)

downsampled = pd.concat([minority, majority_downsampled])

downsampled

#NB: replace = False signifie tirage sans remise : on aura moins d'observations
```

₽		Call Failure	Complains	Subscription Length	Charge Amount	Seconds of Use	Frequency of use	Frequency of SMS	Distinct Called Numbers	Age Group	Tariff Plan	Status	Age	Customer Value	Churn
	2477	16		41		2753	58	52	38				45	14.151855	1
	2122	28		35		1260	53	23	19				30	12.021647	1
	1068			35									25	0.000000	1
	672	25		33		1145	48	25	20	2		2	25	12.891276	1
	1028			36		133							30	2.323790	1
	883	31		32		16785	249		80				25	28.328960	0
	125			32		2780	19		12				30	10.581115	0
	2188	12		31		1680	45	205	15				30	29.816103	0
	1147	6		16		2608	42	29	19				30	14.899664	0
	225			30		2760	20						30	10.545141	0
594 rows × 14 columns															

#Vérification

```
#Vérification downsampled['Churn'].value_counts(normalize=True)

1  0.5
0  0.5
Name: Churn, dtype: float64
```

Données d'entrainement sur la base de méthode de sous échantillonnage de la classe majoritaire

```
[49] # Données d'entrainnement sur la base de methode de sousechantillonnage de la classe majoritaire
X_train_down = downsampled.drop('Churn', axis= 1)
y_train_down = downsampled['Churn']

Redefinissons le X_train et le y_train
```

```
[50] y_train = x_train['Churn']  # Variable expliquée
    x_train = x_train.drop('Churn', axis=1) #Variable explicative sans churn
```

```
#Définition des données d'entrainnement
#Choix possibles de données : (X_train, y_train), (X_train_up, y_train_up) et
#Choix numéro 1 : les données de surechantillonnage

train_features = x_train_up
train_labels = y_train_up

#Pour avoir la possibilite de pouvoir utiliser le type de données qu'on veut en changeant juste le (train_features et train_labels)
```

NORMALISATION DES DONNEES:

Après le problème de déséquilibre de classes, passons à la prochaine étape qui est celle de normalisation des données.

La standardisation consiste à remplacer les valeurs réelles par le z_score = ((Valeur_de_la_variable - Moyenne_de_la_variable)/(ecart_type_de_la_variable))

```
#Normalisation des variables independantes des differents ensembles de données
# On peut choisir de standardiser au lieu de normaliser
from sklearn.preprocessing import MinMaxScaler
scaler = MinMaxScaler() # Appel à la focntion MinMaxscaler pour la normalisation

#Entrainons l'algo à partir des données d'entrainnement

mod_scaler = scaler.fit(train_features)

train_features = mod_scaler.transform(train_features) # Transformation des differents ensembles de données
x_val = mod_scaler.transform(x_val) # Pareil pour mes données de validation
x_test = mod_scaler.transform(x_test) #Pareil pour mes données de test

# Retransformation en dataframe

train_features = pd.DataFrame(train_features, columns = x.columns)
x_val = pd.DataFrame(x_val, columns = x.columns)
x_test = pd.DataFrame(x_test, columns = x.columns)
```

#Vérifions que Toutes les valeurs sont maintenant entre 0 et 1

train_features.describe() Call Failure Complains Subscription Length Amount Seconds of Use Frequency of use Frequency of use Frequency of SMS Numbers State Sta	6 #	Vánifi	on quo Touto	s les valeum	r cont mainton	ant antna A	x+ 1					~ ~ ~	<u>™</u> :
Count 3186,0000000 3186,000000 3186,000000 <t< th=""><th></th><th></th><th></th><th></th><th>s some mainten</th><th>ant entre Ø e</th><th></th><th></th><th></th><th></th><th></th><th></th><th></th></t<>					s some mainten	ant entre Ø e							
mean 0.227459 0.213434 0.679156 0.064909 0.196165 0.211203 0.093589 0.206950 0.448368 0.047395 0.448 std 0.220723 0.409796 0.209305 0.126661 0.216872 0.198712 0.174109 0.168827 0.204161 0.212515 0.497 min 0.000000 0.0	l			Complains						Called	Age Group		Status
std 0.220723 0.409796 0.209305 0.126661 0.216872 0.198712 0.174109 0.168827 0.204161 0.212515 0.497 min 0.000000 0.000000 0.000000 0.000000 0.0		count	3186.000000	3186.000000	3186.000000	3186.000000	3186.000000	3186.000000	3186.000000	3186.000000	3186.000000	3186.000000	3186.000000
min 0.000000		mean	0.227459	0.213434	0.679156	0.064909	0.196165	0.211203	0.093589	0.206950	0.448368	0.047395	0.448839
25% 0.028571 0.000000 0.627907 0.000000 0.050045 0.062992 0.003831 0.075269 0.250000 0.000000 0.000 50% 0.171429 0.000000 0.744186 0.000000 0.124397 0.161417 0.030651 0.182796 0.500000 0.000000 0.000 75% 0.342857 0.000000 0.813953 0.100000 0.260575 0.302165 0.068966 0.301075 0.500000 0.000000 1.000		std	0.220723	0.409796	0.209305	0.126661	0.216872	0.198712	0.174109	0.168827	0.204161	0.212515	0.497454
50% 0.171429 0.000000 0.744186 0.000000 0.124397 0.161417 0.030651 0.182796 0.500000 0.000000 0.000 75% 0.342857 0.000000 0.813953 0.100000 0.260575 0.302165 0.068966 0.301075 0.500000 0.000000 1.000		min	0.000000	0.000000	0.000000	0.000000	0.000000	0.000000	0.000000	0.000000	0.000000	0.000000	0.000000
75 % 0.342857 0.000000 0.813953 0.100000 0.260575 0.302165 0.068966 0.301075 0.500000 0.000000 1.000		25%	0.028571	0.000000	0.627907	0.000000	0.050045	0.062992	0.003831	0.075269	0.250000	0.000000	0.000000
		50%	0.171429	0.000000	0.744186	0.000000	0.124397	0.161417	0.030651	0.182796	0.500000	0.000000	0.000000
max 1.000000 1.000000 1.000000 1.000000 1.000000 1.000000 1.000000 1.000000 1.000000 1.000000 1.000000 1.000000		75%	0.342857	0.000000	0.813953	0.100000	0.260575	0.302165	0.068966	0.301075	0.500000	0.000000	1.000000
		max	1.000000	1.000000	1.000000	1.000000	1.000000	1.000000	1.000000	1.000000	1.000000	1.000000	1.000000

MODELISATION: Après la normalisation, passons maintenant à la modélisation.

Sélection des variables prédicatrices pour notre algorithme Foret aléatoire

```
# Séléction des variables prédictrices pour notre algorithme
# Foret aléatoire
rf = RandomForestClassifier()  # Création de la classe rendomForestClassifier car ont est en face d'un probleme de classification
rf.fit(train_features , train_labels)  # entrainner avec les données d'antrainement

print(classification_report(y_val, rf.predict(x_val)))  #Afficher le rapport de classification qui va permetttre de visualiser le métriques

precision recall f1-score support

0  0.97  0.97  0.97  531
1  0.85  0.84  0.84  99

accuracy        0.95  630
macro avg  0.91  0.91  0.91  630
weighted avg  0.95  0.95  0.95  630
```

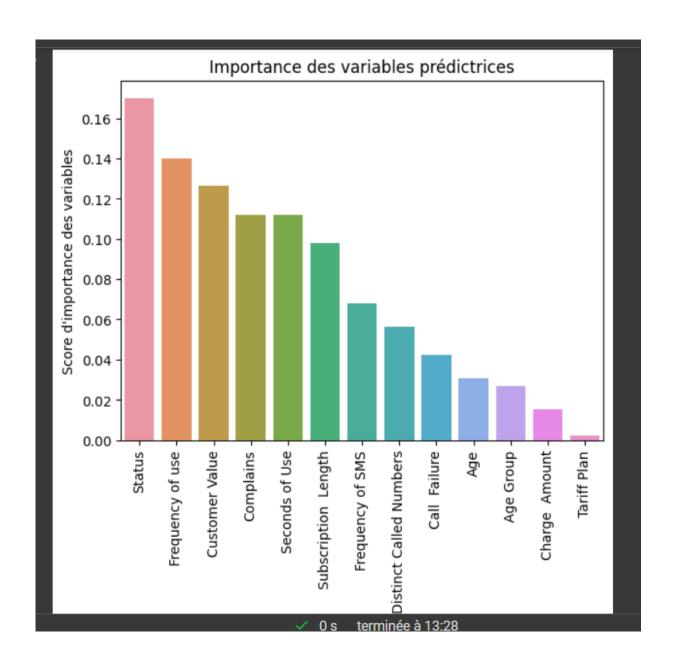
Remarque : Le modèle se comporte très bien face aux observations de la classe 0 malgré le problème de déséquilibre réglé.

#Importance des variables indépendante

```
#Importance des variables independante

vars_imp = pd.Series(rf.feature_importances_, index = train_features.columns).sort_values(ascending = False)

sns.barplot(x=vars_imp.index, y=vars_imp)
plt.xticks(rotation = 90)  # Afficher le nom de variables en vartical
plt.xlabel("Variables")
plt.ylabel("score d'importance des variables")
plt.title("Importance des variables prédictrices")
# Afficher le graphique agrandi
plt.show()
```



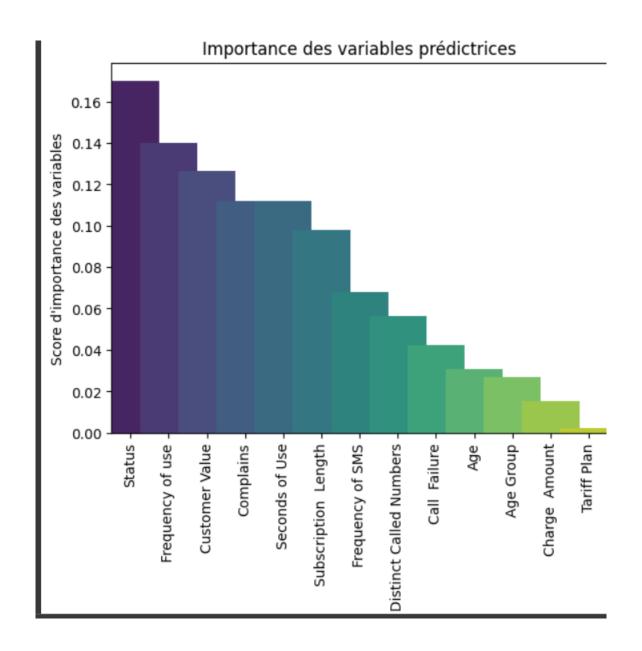
Autre façon de représenter l'importance des variables indépendante

```
# Autre representation Importance des variables independante

vars_imp = pd.Series(rf.feature_importances_, index = train_features.columns).sort_values(ascending = False)

sns.barplot(x=vars_imp.index, y=vars_imp, palette="viridis", ci=None, width=1.5) # Modifiez la valeur de width selon vos préférences

plt.xticks(rotation = 90)
plt.xtiabel("variables")
plt.ylabel("score d'importance des variables")
plt.title("importance des variables prédictrices")
# Afficher le graphique agrandi
plt.show()
```



#Affichage des variables importantes (vars_imp) selon leur coefficients d'importance.

```
#Affichage des variables importantes (vars_imp) selon leur coefficients d'importance.
vars_imp
Status
                            0.170156
Frequency of use 0.139849
Customer Value 0.136492
                          0.126402
Customer Value
Complains
Seconds of Use
Subscription Length
O.097961
O.068081
Distinct Called Numbers 0.056260
Call Failure 0.042551
                           0.030749
                      0.026655
0.015395
Age Group
Age Group
Charge Amount
Tariff Plan
                            0.002229
dtype: float64
```

#Rétention de variables dont le seuil d'importance est inférieur à 0.03 pour nos algorithmes

```
#Rétention de variables dont le seuil d'importance est inférieur à 0.03 pour nos algorithmes seuil = 0.03

vars_selected = vars_imp[vars_imp>0.03].index.to_list()

train_features = train_features[vars_selected]

x_val = x_val[vars_selected]

x_test = x_test[vars_selected]
```

#Nombre de variables prédictrices

```
#Nombre de variables prédictrices
len(vars_selected) # ou len(tran_features.columns)

10
```

Finalement, 9 variables iront en modélisation

MODELISATION: Nous aurons à utiliser différents types d'algorithmes

1-REGRESSION LOGISTIQUE

^{*}La régression logistique * la Modèle de foret aléatoire *

On obtient le meilleur score qui est de 0.874 et le meilleur C=1

Ce code crée un objet grid_logreg_class en utilisant la classe GridSearchCV de la bibliothèque scikit-learn.

GridSearchCV est une technique qui permet de rechercher les meilleurs hyper paramètres pour un modèle donné.

Voici une explication détaillée de chaque argument passé à GridSearchCV :

estimator=LogisticRegression(random_state=seed, max_iter=500) : C'est l'estimateur de base pour lequel nous recherchons les meilleurs hyperparamètres.

Les hyperparamètres : random_state (pour la reproductibilité) et max_iter (le nombre maximal d'itérations pour la convergence de l'algorithme de la régression logistique).

param_grid=param_grid : C'est le dictionnaire qui spécifie les combinaisons d'hyper paramètres à explorer.

scoring='f1' : C'est la métrique d'évaluation utilisée pour comparer les performances des différentes combinaisons d'hyper paramètres.

cv=5 : C'est la stratégie de validation croisée utilisée pour évaluer les performances des modèles. Ici, la validation croisée à 5 plis est utilisée, ce qui signifie que les données seront divisées en 5 ensembles de formation et de test pour évaluer les performances de chaque modèle.

En résumé, ce code crée un objet GridSearchCV pour rechercher les meilleurs hyper paramètres pour un modèle de régression logistique en utilisant le score F1 comme métrique d'évaluation. La grille des hyper paramètres à explorer est spécifiée dans param_grid, et la validation croisée à 5 plis est utilisée pour évaluer les performances. Une fois que grid_logreg_class est créé, vous pouvez l'utiliser pour effectuer la recherche des hyper paramètres et obtenir le meilleur modèle avec les paramètres optimaux.

<u>GENERALISATION</u>: Le modèle a un bon score d'entrainement, maintenant évaluons le sur nos données de validations afin de voir sa capacité de généralisation.

```
[61] # Fonction d'évaluation de la performance du modèle

from sklearn.metrics import classification_report

def model_evaluation(model, features, labels):
    pred = model.predict(features)
    print(classification_report(labels, pred))
```

s D	# Evaluation model_evaluat				que	1 Code
		precision	recall	f1-score	support	
	0 1	0.97 0.50	0.84 0.88	0.90 0.64	531 99	
	accuracy			0.84	630	
	macro avg weighted avg	0.74 0.90	0.86 0.84	0.77 0.86	630 630	

On obtient un tableau de classification avec précision globale =0.85, f1 score sur la classe positive qui est de 0.65 et le modèle qui se comporte bien avec la classe 0.

RFE: Appliquons l'algorithme rfe (recursive feature eliminator) afin de voir s'il garde les mêmes performances lorsqu'on réduit le nombre de prédicteurs.

```
[63] #Création de fonction de construction de modèle avec l'utilisation de l'algorithme RFE

def model_with_rfe(model):
    rfe_model = RFE(estimator = model,verbose = 0)
    rfe_model.fit(train_features,train_labels)
    mask = rfe_model.support_
    reduced_x = train_features.loc[:, mask]
    print(reduced_x.columns)
    return rfe_model
```

#Evaluation du modèle de regression logistique avec RFE

```
O
    #Evaluation du modèle de regression logistique avec RFE
    model evaluation(rfe logreg model,x val,y val)
                 precision
                              recall f1-score
                                                 support
               0
                      0.97
                                0.81
                                          0.88
                                                     531
                      0.46
               1
                                0.85
                                          0.59
                                                      99
                                          0.82
                                                     630
        accuracy
                                          0.74
       macro avg
                      0.71
                                0.83
                                                     630
    weighted avg
                                0.82
                                          0.84
                                                     630
                      0.89
```

REF a réduit le nombre de predicteurs de 9 à 4 mais n'a pas amélioré la performance du modèle. Ce qui montre la puissance du moèle RFE

MODELE DE FORET ALEATOIRE

C'est un ensemble d'arbre de décision : les paramètres les plus important sont : le nombre d'arbres dans la foret, la profondeur maximum d'un arbre de décision. Ce sont ces deux paramètres que nous allons régler.

Le meilleur score trouvé lors du processus d'ajustement est de 0.981 et le modèle avec 1000 arbres (n_estimators=1000) et une graine aléatoire de 111 (random_state=111) est celui qui a produit ce f1.

```
# Evaluation du modèle de foret aléatoire
model evaluation(rf model.best estimator ,x val,y val)
             precision recall f1-score
                                          support
          0
                 0.97
                          0.98
                                    0.97
                                              531
                 0.86
                          0.84
                                    0.85
                                               99
                                    0.95
                                              630
   accuracy
                 0.92
  macro avg
                          0.91
                                    0.91
                                              630
weighted avg
                 0.95
                          0.95
                                    0.95
                                              630
```

Comparé aux valeurs de la régression logistique, modèle de foret aléatoire semble plus efficace care a des f1 scores plus élevés.

Le RFE de foret aléatoire affiche uniquement les variables considérés : (4)'Status', 'Seconds of Use', 'Customer Value', 'Frequency of use' .Mais les hyper paramètres n'ont pas changés.

5					
s D	#Evaluation omodel_evaluat				
		precision	recall	f1-score	support
	9 1	0.95 0.75	0.96 0.71	0.95 0.73	531 99
	accuracy macro avg weighted avg	0.85 0.92	0.83 0.92	0.92 0.84 0.92	630 630 630

max_depth=20: Cela signifie que les arbres de la forêt aléatoire auront une profondeur maximale de 20 niveaux. La profondeur d'un arbre correspond au nombre de niveaux dans l'arborescence de décision. Des arbres plus profonds peuvent capturer des relations plus complexes dans les données d'entraînement, mais cela peut également augmenter le risque de sur ajustement (overfitting).

<u>CONCLUSION</u>: Au vu de ces résultats nous retiendrons le modèle de foret aléatoire sans RFE. Donc on peut maintenant appliquer ce modèle sur les données de test.

•	#Evaluation	du model de	foret aléa	toire sur	nos données	de tests
r	nodel_evalua	tion(rf_mode	l.best_est	imator_,x_	test,y_test)
₽		precision	recall	f1-score	support	
	0	0.97	0.97	0.97	531	
	1	0.85	0.82	0.84	99	
	accuracy			0.95	630	
	macro avg	0.91	0.90	0.90	630	
V	weighted avg	0.95	0.95	0.95	630	

On remarque un résultat semsiblement égal à celui des données de validations mais en moins bon. Mais l'accurancy reste le meme.

CONCLUSION DES ANALYSES ET MODELISATION: NOUS AVONS POUR CE PROJET MIS EN CONCURRENCE DEUX CELEBRES MODELES DE MACHINE LEARNING (la régression logistique et le classificateur de foret aléatoire) ET CELUI QUE NOUS AVONS RETENU POUR L'EVALUATION DE NOS DONNEES DE TESTS EST LE CLASSIFICATEUR DE FORETS ALEATOIRE CAR IL PRESENTE UNE MEILLEUR PERFORMANCE.

CREATION DE L'APPLICATION DU MODELE GRACE A STREAMLIT AVEC PYTHON DANS VISUAL STUDIO

```
st.write("Cette application donne la possibilité de voir
la distribution des abonnés"
            à travers un histogramme "
            en définissant leurs valeurs "
           entre 5 et 500"
data = pd.read csv(r'C:/Users/Electro
Depot/Desktop/APPRENTISSAGE/Bases de données/Customer
Churn.csv')
##
data = pd.read csv(r'C:/Users/Electro
Depot/Desktop/APPRENTISSAGE/Bases de données/Customer
Churn.csv')
data = pd.DataFrame(data, columns=["Frequency of use",
"Frequency of SMS", "Customer Value", "Seconds of Use"])
st.title("Pairplot des variables")
# Utiliser Seaborn pour créer un pairplot
pairplot = sns.pairplot(data=data)
# Afficher le pairplot dans Streamlit
st.pyplot(pairplot)
##
data 1 = pd.DataFrame(data, columns=["Customer Value"])
data_2 = pd.DataFrame(data, columns=["Frequency of use",
"Frequency of SMS", "Customer Value", "Seconds of Use"])
st.title("Matrice de corrélation des variables")
# Calculer la matrice de corrélation
corr matrix = data 2.corr()
# Créer une figure Matplotlib
fig, ax = plt.subplots(figsize=(10, 8))
# Créer la heatmap et la placer dans l'axe
sns.heatmap(corr matrix, annot=True, cmap='coolwarm',
fmt=".2f", ax=ax)
# Afficher la figure dans Streamlit
st.pyplot(fig)
```

```
st.write("Bienvenue chez Iran_Still_Call")
st.write(data_1)
#st.dataframe(data.head())
fig, ax = plt.subplots()
n bins = st.number input(
    label="Définir la valeur du client",
    min value = 5,
   value=250,
    max value=500
ax.hist(data_1,bins=n_bins)
st.pyplot(fig)
# ## Representons notre modèle de classiffication de foret
aléatoire :
# Charger les données
data = pd.read csv(r'C:/Users/Electro
Depot/Desktop/APPRENTISSAGE/Bases de données/Customer
Churn.csv')
# Features
x = data[['Customer Value', 'Frequency of SMS']]# Target
y = data['Churn']
# Train/test split
seed = 111
x_train, x_test, y_train, y_test = train_test_split(x, y,
test size=0.2, random state=seed)
# Fonction d'évaluation
def evaluate model(model):
    train pred = model.predict(x train)
    test pred = model.predict(x test)
    # Erreur quadratique moyenne
    E_train = mean_squared_error(y_train, train_pred,
squared=False)
    E_test = mean_squared_error(y_test, test_pred,
squared=False)
```

```
return E_train, E_test
# Construction du modèle
rf = RandomForestClassifier(random state=seed)
rf.fit(x_train, y_train)
# Interface Streamlit
st.title("Application de prédiction de churn")
# Ajouter des widgets pour les hyperparamètres si
nécessaire
# Faire des prédictions sur de nouvelles données (peut
être personnalisé en fonction de vos besoins)
new_data = pd.DataFrame({'Customer Value': [250,500,1000],
'Frequency of SMS': [0.5,2,10]})
# Nouvelles données à prédire
prediction = rf.predict(new_data)
# Afficher les résultats
st.write("Prédiction de churn :", prediction)
```

Interface de mon application



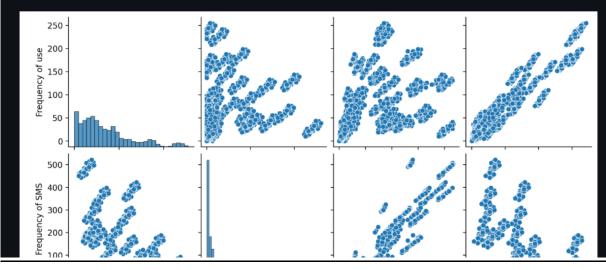
Représentation graphique des variables

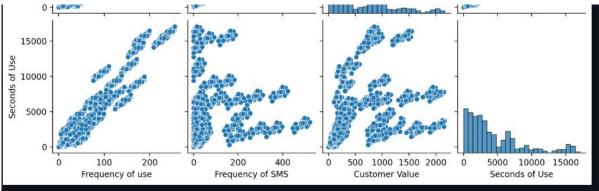
Application Iran_still_Call

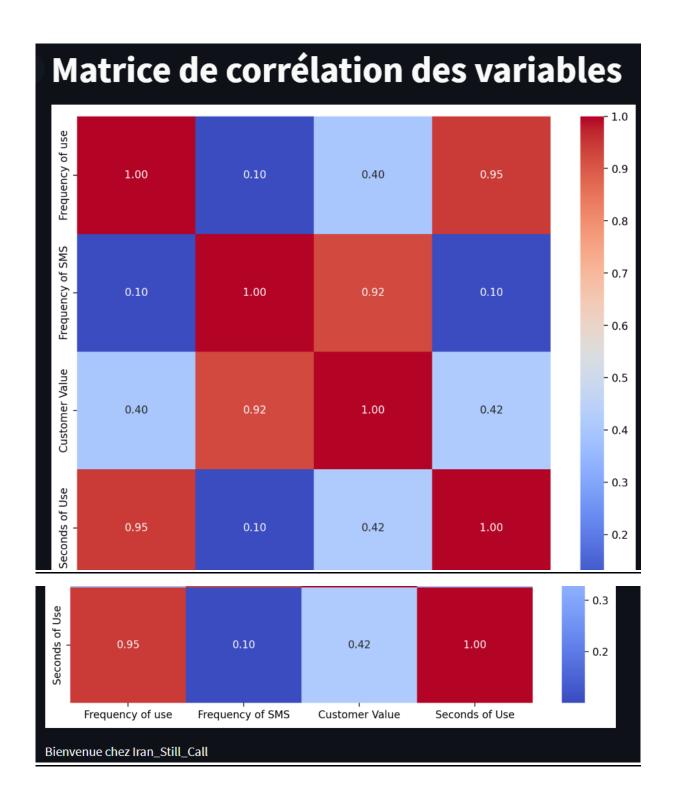
Auteur: KHALID

Cette application donne la possibilité de voir la distribution des abonnés à travers un histogramme en définissant leurs valeurs entre 5 et 500

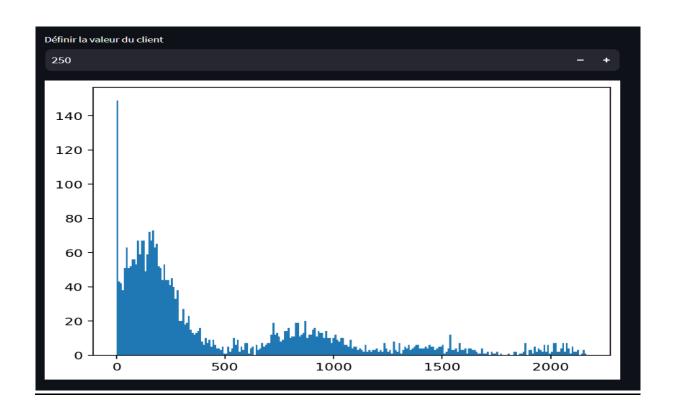
Pairplot des variables







Bienven	nue chez Iran_Sti
	Customer Value
0	197.64
1	46.035
2	1,536.52
3	240.02
4	145.805
5	282.28
6	1,235.96
7	945.44
8	557.68
9	191.92
	,



Application du modèle: Le code ci-dessous nous a permis de prédire le désabonnement futur ou non de trois clients en définissant leur customer Value et leurs Frequency of SMS.

Faire des prédictions sur de nouvelles données (peut être personnalisé en fonction de vos besoins)

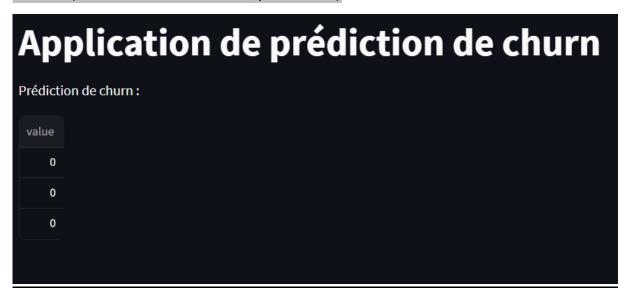
new_data = pd.DataFrame({'Customer Value': [250,500,1000], 'Frequency of SMS': [0.5,2,10]})

Nouvelles données à prédire

prediction = rf.predict(new data)

Afficher les résultats

st.write("Prédiction de churn :", prediction)



<u>Résultat</u>: le modèle prédit un désabonnement des trois clients qui lui ont été soumis.

CONCLUSION

Ce projet a été entrepris dans le but de comprendre les facteurs qui influencent le désabonnement des clients dans une entreprise de télécommunications en Iran, ainsi que de construire des modèles pour prédire ces comportements de désabonnement. Il a permis fournit une compréhension approfondie du désabonnement des clients dans le secteur des télécommunications en Iran. L'analyse de la corrélation entre les variables offre des informations supplémentaires pour prendre des décisions éclairées. En fin de compte, ce projet contribue à l'objectif de l'entreprise de maintenir une base de clients satisfaits et rentables. Des axes l'introduction d'amélioration futures seront de déploiement nouveaux algorithmes et le de l'application en ligne.