WSTĘP DO ANALIZY DANYCH

Lab. 1: Wprowadzenie

v. 1.0.0

PLAN LAB. 1

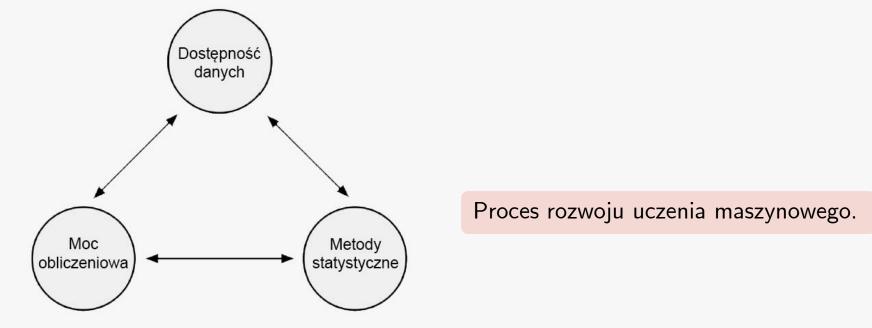
- 1. Sprawy organizacyjne, zasady.
- 2. Cel i zakres przedmiotu.
- 3. Podstawowe pojęcia i zagadnienia.
- 4. Przypomnienie/wstęp do R.

CEL I ZAKRES PRZEDMIOTU

- **Znajomość tematyki Data Science** uczestnik zapoznany zostanie z najważniejszymi zagadnieniami interdyscyplinarnej dziedziny Data Science.
- Umiejętności praktyczne uczestnik nauczy się przeprowadzać wstępną analizę surowych danych celem ocenienia ich potencjału w kontekście budowy modeli analitycznych dla różnorodnych problemów klasyfikacyjnych i regresyjnych.
- **Solidne podstawy** przedmiot nauczy najważniejszych intuicji oraz dostarczy solidnych podstaw do dalszego rozszerzania umiejętności w zakresie analizy danych z wykorzystaniem zaawansowanych technik statystycznych i uczenia maszynowego.
- Możliwość sprawdzenia, czy Data Science jest dla mnie.

PODSTAWOWE POJĘCIA

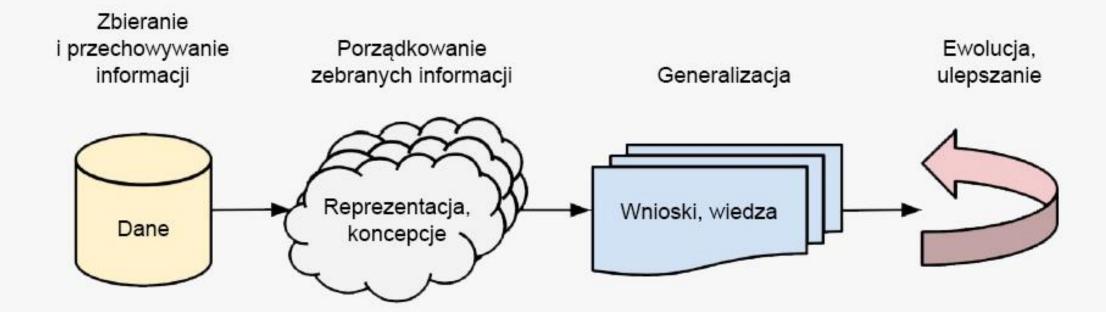
- **Uczenie maszynowe** (Machine Learning, ML) dziedzina, która dostarcza narzędzi w postaci algorytmów komputerowych umożliwiających przekształcenie danych w praktyczną wiedzę.
- Bez uczenia maszynowego byłoby praktycznie niemożliwym nadążyć za ogromną ilością informacji dostępnych we współczesnym świecie (tzw. era Big Data — era rejestrowania niekończącej się ilości danych; dane zbierane są na każdym kroku: czujniki, kamery, monitoring zachowań w systemach informatycznych).



- Eksploracja danych (Data Mining) pojęcie ściśle związane z uczeniem maszynowym (nie określa się precyzyjnie, w jakim dokładnie zakresie te dwa pojęcia się pokrywają). Przez eksplorację danych na ogół rozumie się proces analityczny wykonywany celem analizy dużych zbiorów danych poprzez znajdowanie w nich regularnych wzorców i zależności. W uczeniu maszynowym nacisk kładziony jest na proces "uczenia komputera", jak wykorzystać dane do rozwiązywania konkretnego zadania.
- Można powiedzieć, że do każdej eksploracji danych wykorzystuje się uczenie maszynowe, ale nie każde uczenie maszynowe wymaga eksploracji danych. Np. w przypadku algorytmu kierującego autonomicznym samochodem mówimy zwykle o czystym uczeniu maszynowym, chociaż granica oczywiście jest płynna.
- **Data Science**: dane uczenie maszynowe człowiek programujący proces uczenia się maszyn. Dziedzina dotycząca zarówno statystyki i programowania, jak i infrastruktury technologicznej umożliwiającej uczenie maszynowe i jego stosowanie.
- Data Scientist musi potrafić balansować poziom śmiałości w wykorzystaniu danych do wnioskowania na ich podstawie z ograniczeniami metod statystycznych i uczenia maszynowego. Dlatego aby być dobrym Data Scientistem, trzeba dobrze rozumieć, w jaki sposób działają metody uczenia maszynowego i statystycznej analizy danych.

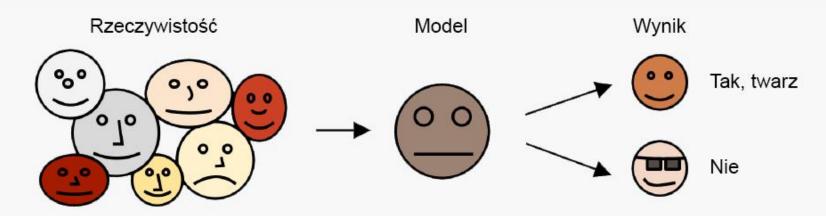
PROCES UCZENIA SIĘ

(maszyn oraz ludzi)



GENERALIZACJA - UWAGI

- Proces uogólniania podczas trenowania modelu może prowadzić do pojawienia się obciążenia (ang. bias;
 regularnego błędu).
- Algorytm nauczył się identyfikować twarz po dwóch ciemnych obiektach w kształcie kół reprezentujących oczy, umiejscowionych nad prostą linią reprezentującą usta.
- Program może mieć wówczas problem z prawidłową identyfikacją twarzy, które nie pasują do modelu (twarzy w okularach, twarzy obróconych o pewien kąt, twarzy sfotografowanych z boku itp.). Podobnie może być "obciążony" w kierunku na przykład twarzy o konkretnym odcieniu skóry, kształcie itp.



ULEPSZANIE MODELU - UWAGI

- Dane treningowe, dane testowe.
- Modele rzadko uogólniają się bezbłędnie na każdy nowy przypadek (nie są w stanie się bezbłędnie uogólnić np. z powodu szumu, który opisuje niewyjaśnione lub niewyjaśnialne różnice w danych).
- Przykładowe powody pojawiania się szumu w danych:

błąd pomiaru spowodowany przez nieprecyzyjny sprzęt (np. czujnik),

różnego rodzaju problemy z respondentami ankiet (np. zaznaczanie losowych odpowiedzi celem szybkiego wypełnienia ankiety),

problemy z jakością danych (braki, wartości zaokrąglone/obcięte, niepoprawnie zakodowane/uszkodzone).

ULEPSZANIE MODELU - PRZEUCZENIE

• Próby modelowania szumu prowadzą do problemu **nadmiernego dopasowania modelu do danych** (ang. overfitting; **przeuczenie**).

 Przeuczony model zwykle ma bardzo dobre wyniki na zbiorze treningowym (jest nadmiernie do niego dopasowany), a słabe wyniki na zbiorze testowym. Z praktycznego punktu widzenia oznacza to, że został zidentyfikowany wzorzec w danych, który jest bezużyteczny w kontekście wnioskowania na jego podstawie dla nowych danych.

Przeuczony model (nauczony na szumie)

Prawdziwa zależność

• Przykład: drzewo decyzyjne, które można położyć na danych z dokładnością 100%.

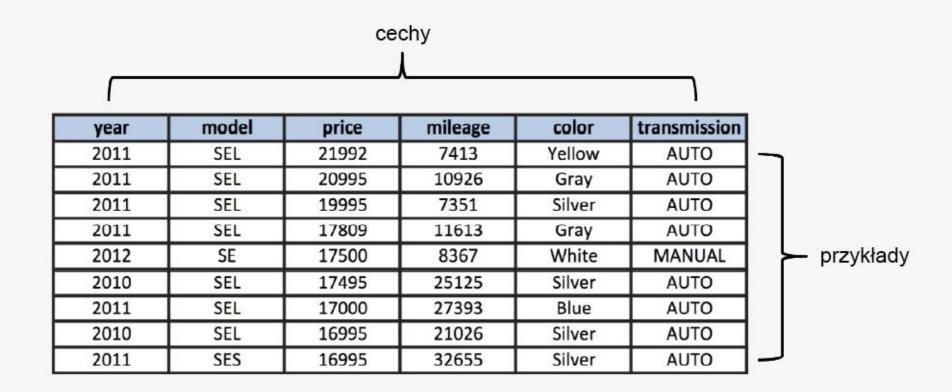
UCZENIE MASZYNOWE W PRAKTYCE

- Krok 1. Zbieranie danych. (Połączenie ich w jedno źródło, np. plik tekstowy, baza danych).
- Krok 2. **Eksploracja i przygotowanie danych**: zapoznanie się z danymi i ich charakterystyką, zrobienie "porządków".
- Krok 3. **Budowa modelu**. Metody uczenia maszynowego dobieramy na podstawie charakteru postawionego do rozwiązania zadania oraz na podstawie wniosków z przeglądu danych wykonanego w poprzednim kroku.
- Krok 4. **Ocena modelu** wykonywana w różny sposób w zależności od stosowanych metod uczenia maszynowego oraz od charakteru rozwiązywanego zadania.
- Krok 5. **Dopracowanie modelu**. Może okazać się, że uzyskane wyniki nie są zadowalające. Należy wówczas pomyśleć nad wykorzystaniem bardziej zaawansowanych strategii celem poprawy modelu: czasem może okazać się koniecznym przejście na inny typ modelu/inną metodę uczenia maszynowego, czasem uzupełnienie danych o dodatkowe dane, a czasami wystarczy wykonać dodatkowe prace przygotowawcze (krok 2.).
 - Jeśli po tych krokach model wydaje się funkcjonować dobrze, można rozważyć jego wdrożenie.

TYPY DANYCH WEJŚCIOWYCH

- **Jednostka obserwacji** najmniejsza jednostka, dla której mierzone są jej "właściwości" interesujące z punktu widzenia analizy (osoby, obiekty, rzeczy, transakcje, punkt czasowy, region geograficzny), np. wiadomość e-mail (model uczenia maszynowego do identyfikacji spamu).
- **Przykłady** (ang. *examples*) kolejne jednostki obserwacji, dla których zmierzone/zebrane zostały ich "właściwości", np. konkretna wiadomość e-mail.
- Cechy (ang. features) zmierzone/zebrane "właściwości" przykładów, np. słowa użyte w treści maila.
- Dane, które chcemy analizować z wykorzystaniem komputera, na ogół muszą być odpowiednio **ustruk-turyzowane** (każdy przykład ma te same cechy, które mają zrozumiały dla komputera format).
- Podstawowe typy zmiennych (cech): **liczbowe** (ang. *numeric*), **jakościowe** (ang. *categorical*). Zmienne jakościowe mogą być **nominalne** (nieuporządkowany zbiór wartości) lub **o wartościach uporządkowanych**.

TYPY DANYCH WEJŚCIOWYCH



Prosty zbiór danych w postaci macierzy – najpopularniejsza forma używana w uczeniu maszynowym.

TYPY METOD UCZENIA MASZYNOWEGO

- Model predykcyjny (ang. predictive model) przewidywanie wartości wybranej zmiennej na podstawie wartości innych zmiennych. Uwaga: nie musi chodzić o przewidywanie zdarzeń w przyszłości.
- Uczenie nadzorowane (ang. supervised learning) na podstawie przykładów.
- Klasyfikacja przewidywanie kategorii przykładów (czy e-mail jest spamem, czy dana osoba ma raka, czy dana drużyna piłkarska wygra mecz, czy wnioskodawca o kredyt spłaci go). Mówimy o klasach lub o poziomach przewidywanej zmiennej. Bardzo popularne zadanie uczenia maszynowego.
- Uczenie nadzorowane może być również wykorzystywane do przewidywania wartości liczbowych (dochód, wyniki testu, ilość czegoś). Mówi się wówczas o **regresji** lub przewidywaniu numerycznym. Najpopularniejszą metodą dla tego typu zadań jest regresja liniowa (ale są też inne).

TYPY METOD UCZENIA MASZYNOWEGO

- **Uczenie nienadzorowane** (ang. *unsupervised learning*) szukanie w zbiorze danych zależności bez wcześniej istniejących etykiet. Mówi się o modelach deskrypcyjnych. Wykorzystywane do eksploracji danych. Przykład: wykrywanie asocjacji wśród danych o zakupach (analiza koszykowa).
- **Klasteryzacja** (grupowanie, analiza skupień) grupowanie danych (przykładów) we względnie jednorodne klasy. Przykład: identyfikacja grup klientów "o podobnych cechach", aby później kierować do nich spersonalizowane (dla danej grupy) kampanie reklamowe.
- **Meta-uczenie** (ang. *meta-learning*, *learning to learn*) dział uczenia maszynowego zajmujący się usprawnianiem procesu uczenia w klasycznym uczeniu maszynowym; zespoły modeli (ang. *ensembles*), uczenie ze wzmacnianiem (ang. *reinforcement learning*).

ZNANE PRZYKŁADY ZASTOSOWAŃ

- Identyfikacja spamu wśród maili,
- marketing (jakie reklamy wyświetlać),
- prognoza pogody i długoterminowych zmian klimatycznych,
- redukcja nieuczciwych transakcji kartami kredytowymi,
- przewidywanie wyników wyborów,
- samochody i drony autonomiczne,
- drukowanie kuponów promocyjnych na podstawie historii zakupów klienta,
- odkrycie sekwencji genetycznych powiązanych z chorobami,
- przewidywanie zapotrzebowania na ciepłą wodę na danym obszarze,
- przewidywanie awarii,
- optymalizacja stanu magazynowego,
- optymalizacja procesów produkcyjnych,
- poza tym nieskończona liczba możliwych zastosowań w szukaniu wszelkich zależności w danych i wykorzystywaniu tych zależności.
- "Uczenie maszynowe może być co najwyżej tak dobre, jak dane wykorzystane do uczenia".

DLACZEGO R DO ANALIZY DANYCH

- Jeden z najpopularniejszych języków w Data Science (obok Pythona). Python język dla programistów,
 R język dla statystyków. W kontekście Data Science w znacznym stopniu ich możliwości się pokrywają.
- Popularny w świecie nauki (ze względu na szeroki wybór bibliotek statystycznych).
- Posiada jedne z najlepszych bibliotek do wizualizacji danych.
- Stosunkowo łatwy do nauczenia się.

• Przykłady ze skryptów do przedmiotu **Wstęp do analizy danych** zostały napisane i przetestowane w R wersji 4.1.2 w systemie Microsoft Windows, ale najprawdopodobniej będą działać także na nieco starszych i na nowszych wersjach.

INSTALACJA PAKIETÓW W R

- Pakiet **RWeka** daje dostęp do obszernego zbioru algorytmów do analizy danych z pakietu **Weka** napisanego w Javie (więcej informacji nt. pakietu **Weka**: https://www.cs.waikato.ac.nz/~ml/weka/).
- Aby móc używać pakietu **RWeka**, trzeba mieć zainstalowane oprogramowanie Java (dostępne za darmo: http://www.java.com).
- Najbardziej bezpośrednim sposobem na zainstalowanie pakietu w R jest użycie funkcji install.packages():
 - > install.packages("RWeka")
- Przy pierwszej instalacji pakietu R może poprosić o wybranie serwera lustrzanego CRAN. Najlepiej wybrać najbliższą lokalizację (aby prędkość pobierania była możliwie najwyższa).

INSTALACJA PAKIETÓW W R

- Funkcja install.packages() umożliwia także m.in. instalację pakietów z lokalnego pliku. Więcej informacji w pliku pomocy, który otwieramy za pomocą polecenia:
 - > ?install.packages
- Tym sposobem można otworzyć plik pomocy dla dowolnej funkcji w R.
- Aby załadować pakiet **RWeka** używamy:
 - > library(RWeka)
- Usuwanie pakietu **RWeka**:
 - > detach("package:RWeka", unload = TRUE)

• Struktury danych w R najczęściej używane w analizie danych:

```
wektory (vectors),
czynniki (factors),
listy (lists),
tablice (arrays),
macierze (matrices)
oraz ramki danych (data frames).
```

• **Wektor** — podstawowa struktuura danych w R, uporządkowany zbiór wartości nazywanych elementami/składowymi (wszystkie składowe jednego wektora muszą być tego samego typu).

Zadanie 1. Przeanalizować następujący kod.

```
> subject_name <- c("John Doe", "Jane Doe", "Steve Graves")</pre>
> temperature <- c(98.1, 98.6, 101.4)
> flu status <- c(FALSE, FALSE, TRUE)
> temperature[2]
[1] 98.6
> temperature[2:3]
[1] 98.6 101.4
> temperature[-2]
[1] 98.1 101.4
> temperature[c(TRUE, TRUE, FALSE)]
[1] 98.1 98.6
```

• Czynnik — służy do przechowywania danych jakościowych o małej liczbie kategorii.

Zadanie 2. Przeanalizować następujący kod.

• **Listy** to ciągi złożone z elementów o dowolnych typach (w odróżnieniu od wektora, który wymaga, aby wszystkie jego elementy miały ten sam typ).

Zadanie 3. Przeanalizować następujący kod (chcemy wypisać wszystkie dane dla pierwszego pacjenta z utworzonego zbioru danych — robimy to bez listy oraz z listą).

```
> subject_name[1]
[1] "John Doe"
> temperature[1]
「1] 98.1
> flu_status[1]
[1] FALSE
> gender[1]
[1] MALE
Levels: FEMALE MALE
> blood[1]
[1] 0
Levels: A B AB O
> symptoms[1]
[1] SEVERE
Levels: MILD < MODERATE < SEVERE
```

```
> subject1 <- list(fullname = subject_name[1],</pre>
                   temperature = temperature[1],
                   flu_status = flu_status[1],
                   gender = gender[1],
                   blood = blood[1],
                   symptoms = symptoms[1])
> subject1
$fullname
[1] "John Doe"
$temperature
[1] 98.1
$flu_status
[1] FALSE
$gender
[1] MALE
Levels: FEMALE MALE
$blood
[1] 0
Levels: A B AB O
$symptoms
[1] SEVERE
Levels: MILD < MODERATE < SEVERE
```

```
> subject1[2]
$temperature
[1] 98.1
> subject1[[2]]
[1] 98.1
> subject1$temperature
[1] 98.1
> subject1[c("temperature", "flu_status")]
$temperature
[1] 98.1
$flu_status
[1] FALSE
```

• Ramki danych — najważniejsza struktura danych w kontekście analizy danych; podobna do arkusza kalkulacyjnego czy bazy danych — zawiera wiersze i kolumny. W terminach języka R ramkę danych można rozumieć jako listę wektorów lub czynników, z których każdy ma tyle samo elementów.

Zadanie 4. Przeanalizować następujący kod (tworzymy ramkę danych dla naszego zbioru dotyczącego pacjentów, łącząc utworzone wcześniej wektory; zwrócić uwagę na parametr stringsAsFactors = FALSE).

```
> pt_data <- data.frame(subject_name, temperature, flu_status, gender,
                        blood, symptoms, stringsAsFactors = FALSE)
> pt_data
subject_name temperature flu_status gender blood symptoms
                               FALSE
      John Doe
                      98.1
                                       MALE
                                                     SEVERE
      Jane Doe
                     98.6
                               FALSE FEMALE
                                                       MILD
3 Steve Graves
                    101.4
                                TRUE
                                       MALE
                                                 A MODERATE
```

```
> pt_data$subject_name
[1] "John Doe" "Jane Doe"
                             "Steve Graves"
> pt_data[c("temperature", "flu_status")]
temperature flu_status
        98.1
                 FALSE
        98.6
               FALSE
       101.4
                  TRUE
> pt_data[2:3]
temperature flu_status
        98.1
                 FALSE
        98.6
               FALSE
       101.4
                  TRUE
> pt_data[1, 2]
[1] 98.1
> pt_data[c(1, 3), c(2, 4)]
temperature gender
        98.1 MALE
       101.4 MALE
3
```

```
> pt_data[, 1]
               "Jane Doe"
                              "Steve Graves"
[1] "John Doe"
> pt_data[1, ]
subject_name temperature flu_status gender blood symptoms
     John Doe
                    98.1
                             FALSE MALE
                                             O SEVERE
> pt_data[ , ]
subject_name temperature flu_status gender blood symptoms
     John Doe
                    98.1
                             FALSE MALE
                                                 SEVERE
     Jane Doe
               98.6 FALSE FEMALE
                                                   MILD
3 Steve Graves
              101.4 TRUE MALE
                                             A MODERATE
> pt_data[c(1, 3), c("temperature", "gender")]
temperature gender
        98.1 MALE
       101.4 MALE
> pt_data[-2, c(-1, -3, -5, -6)]
temperature gender
        98.1 MALE
       101.4 MALE
> pt_data$temp_c <- (pt_data$temperature - 32) * (5 / 9)</pre>
> pt_data[c("temperature", "temp_c")]
temperature temp_c
        98.1 36.72222
        98.6 37.00000
       101.4 38.55556
```

• Macierz to struktura danych, która reprezentuje dwuwymiarową tabelę z wierszami i kolumnami. Macierz w R może zawierać tylko jeden typ danych (tak jak wektor). Macierze najczęściej wykorzystywane są do operacji matematycznych i zawierają same liczby.

Zadanie 5. Przeanalizować następujący kod.

```
> m < -matrix(c(1, 2, 3, 4, 5, 6), nrow = 2)
[,1] [,2] [,3]
[2,] 2 4
> m \leftarrow matrix(c(1, 2, 3, 4, 5, 6), ncol = 2)
> m
[,1] [,2]
[1,] 1 4
[2,] 2 5
[3,] 3 6
> m[1, 1]
\lceil 1 \rceil 1
> m[3, 2]
[1] 6
> m[1, ]
[1] 1 4
> m[, 1]
[1] 1 2 3
```

• **Tablice** są natomiast wielowymiarowymi tabelami danych (mogą zawierać nie tylko wiersze i kolumny jak macierze, ale także dodatkowe warstwy danych). W ramach niniejszego przedmiotu nie będziemy potrzebowali używać tablic.

ZAPISYWANIE, ŁADOWANIE, USUWANIE W R

(podstawowe funkcje)

• Funkcja save() służy do zapisywania struktur danych do pliku (o rozszerzeniu .RData), np.:

```
> save(x, y, z, file = "mydata.RData")
```

• Natomiast aby załadować struktury danych zapisane w pliku, używamy funkcji load():

```
> load("mydata.RData")
```

• Jeśli chcemy szybko zakończyć sesję w R, możemy użyć polecenia save.image(), które zapisuje bieżącą sesję do pliku o nazwie .RData. R automatycznie otworzy sesję z tego pliku przy kolejnym jego uruchomieniu.

• Funkcja ls() zwraca wektor nazw wszystkich zmiennych znajdujących się w pamięci. Na przykład po wykonaniu wszystkich poprzednich zadań z tego skryptu funkcja ls() zadziała w następujący sposób:

```
> ls()
[1] "blood" "flu_status" "gender" "m"
[5] "subject_name" "subject1" "symptoms"
[9] "temperature"
```

• R automatycznie usuwa wszystkie struktury danych po zakończeniu sesji. Jeśli chcemy zwolnić pamięć wcześniej, możemy w tym celu użyć funkcji rm(), np.:

```
> rm(m, subject1)
```

 Jako argument funkcji rm() możemy użyć także wektora nazw obiektów do usunięcia, np. jeśli chcemy wyczyścić całą sesję, wykonujemy:

```
> rm(list = ls())
```

IMPORTOWANIE I ZAPISYWANIE DO CSV

- Pliki tekstowe są popularnym sposobem przechowywania danych.
- Prawdopodobnie najpopularniejszym formatem przechowywanie danych w plikach tekstowych jest format CSV (ang. *comma-separated values*); przecinek jest najpopularniejszym separatorem danych w tym formacie.
- Plik CSV z danymi medycznymi, które zostały utworzone w trakcie poprzednich ćwiczeń w tym skrypcie, mógłby wyglądać w następujący sposób:

```
subject_name,temperature,flu_status,gender,blood_type
John Doe,98.1,FALSE,MALE,O
Jane Doe,98.6,FALSE,FEMALE,AB
Steve Graves,101.4,TRUE, MALE,A
```

Aby załadować plik CSV o nazwie pt_data.csv (znajdujący się w katalogu roboczym R), możemy użyć funkcji read.csv():

```
> pt_data <- read.csv("pt_data.csv", stringsAsFactors = FALSE)</pre>
```

Opcja stringsAsFactors = FALSE została użyta, aby zapobiec konwersji przez R wszystkich zmiennych tekstowych na czynniki (jeśli mamy pewność, że każda kolumna w pliku CSV jest rzeczywiście czynnikiem, opcja ta nie jest oczywiście potrzebna).

Domyślnie R zakłada, że plik CSV zawiera nagłówek z nazwami kolumn znajdujących się w zbiorze danych.
 Jeśli nasz plik CSV nie zawiera nagłówka, należy to zaznaczyć za pomocą opcji header = FALSE:

```
> mydata <- read.csv("mydata.csv", stringsAsFactors = FALSE, header = FALSE)
```

Aby zapisać ramkę danych jako plik CSV, najlepiej użyć funkcji write.csv():

```
> write.csv(pt_data, file = "pt_data.csv", row.names = FALSE)
```

R domyślnie w pliku CSV wprowadza nazwy wierszy, co zwykle nie jest do niczego potrzebne — używamy wówczas opcji row.names = FALSE).