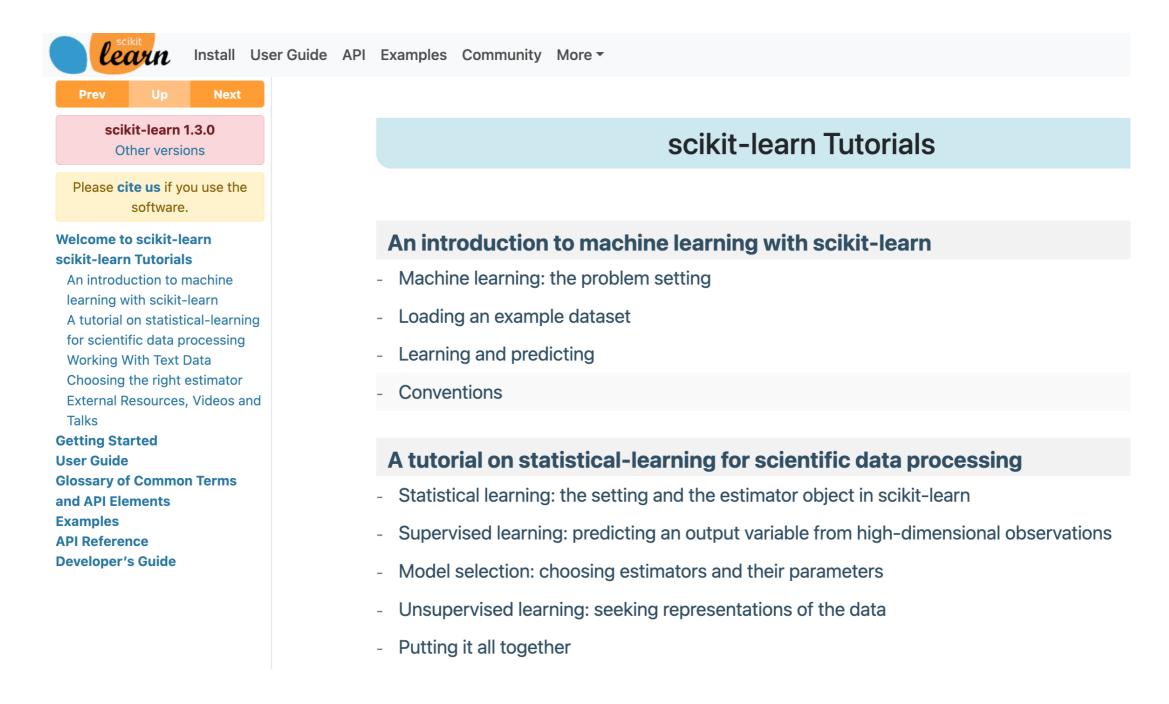
### 머신러닝모델실습

#### https://scikit-learn.org/stable/tutorial/index.html



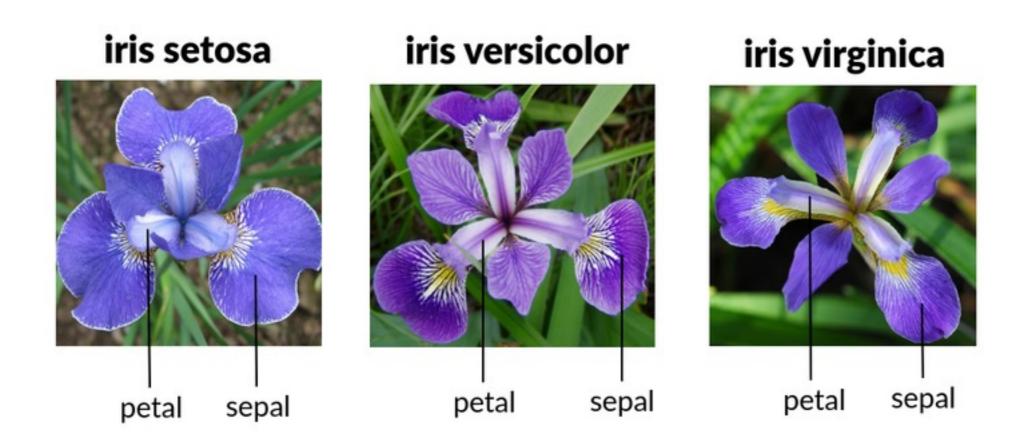
# 학습(learn) 절차

- 데이터를 준비한다
- 모델(model)을 선정한다
- 문제에 맞는 objective function을 선정한다.

### sklearn 제공데이터셋

- from sklearn import datasets
- iris = datasets.load\_iris() # 분꽃 데이터셋
- digits = datasets.load\_digits() # 숫자 데이터셋
- diabetes = datasets.load\_diabetes() # 당뇨 데이터셋
- bcancer = datasets.load\_breast\_cancer() # 폐암
- wine = datasets.load\_wine() # 와인

## 분꽃(iris) 분류문제



• 3가지 종류의 분꽃을 특징 데이터를 통해서 구분

### train\_test\_split

```
from sklearn.model_selection import train_test_split
```

```
X_train, X_test, y_train, y_test = train_test_split(
iris['data'], iris['target'], test_size = 0.25, random_state=0)
```

- 데이터셋을 학습(train) 데이터셋과 테스트(test) 데이터셋으로 나누어 줌
- 일반적으로 train 75%, test 25% 비율로 split
- test\_size: test의 비율을 변경 (e.g. 0.3)
- random\_state를 지정하면, 동일한 결과를 리턴

[Q] train, validation, test로 나눌려면?

#### scatter\_matrix

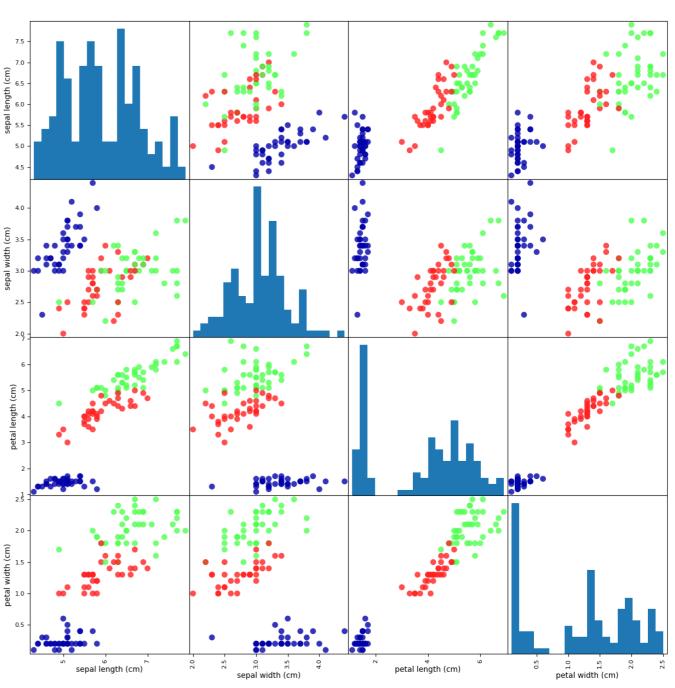
pandas.plotting.scatter\_matrix(iris, c=y\_train,
figsize=(15, 15), marker='o', hist\_kwds={'bins': 20}, s=60, alpha=.8,

cmap=cm3)

• 데이터셋의 특징들을 각각 선택하여, 2차원으로 가시화

• 데이터가 간단히 어떻게 되어 있는지 확인하기 좋음

c : color



## 모델(model) 선정

- model = LogisticRegression(C = 1.0, random\_state=0)
- model = svm.SVC(C=1)
- model = DecisionTreeClassifier(criterion =
   'entropy', max\_depth = 5)
- model = RandomForestClassifier(n\_estimators = 500, criterion = 'entropy', n\_jobs = 2)
- 이후에 model.fit(X\_train, y\_train)

#### svm.SVC (Support Vector Classifier)

svm.SVC(kernel='rbf', C = 10.0, gamma=0.1)

- C는 틀린 데이터에 대한 가중치로 C=1처럼 작으면 틀린 데이터에 대해서 영향을 거의 받지 않고, C=1000처럼 적용하면 틀린 데이터가 가능한 없도록 민감하게 분류함
- gamma는 가우시안 커널 폭의 역수로 하나의 훈련 샘풀이 미치는 영향의 범위를 설정하는 파라미티로 모델의 복잡도를 결정 (gamma가 적을수록 모델의 복잡도를 낮음)

데이터 포인트 사이의 거리는 가우시안 커널에 의해 계산됩니다.

$$k_{rbf}(x_1, x_2) = \exp(-\gamma \|x_1 - x_2\|^2)$$

여기에서  $x_1$ 과  $x_2$ 는 데이터 포인트이며  $||x_1 - x_2||$ 는 유클리디안 거리이고  $\gamma^{\text{Thr., gamma}}$ 는 가우시안 커널의 폭을 제어하는 매개변수입니다.

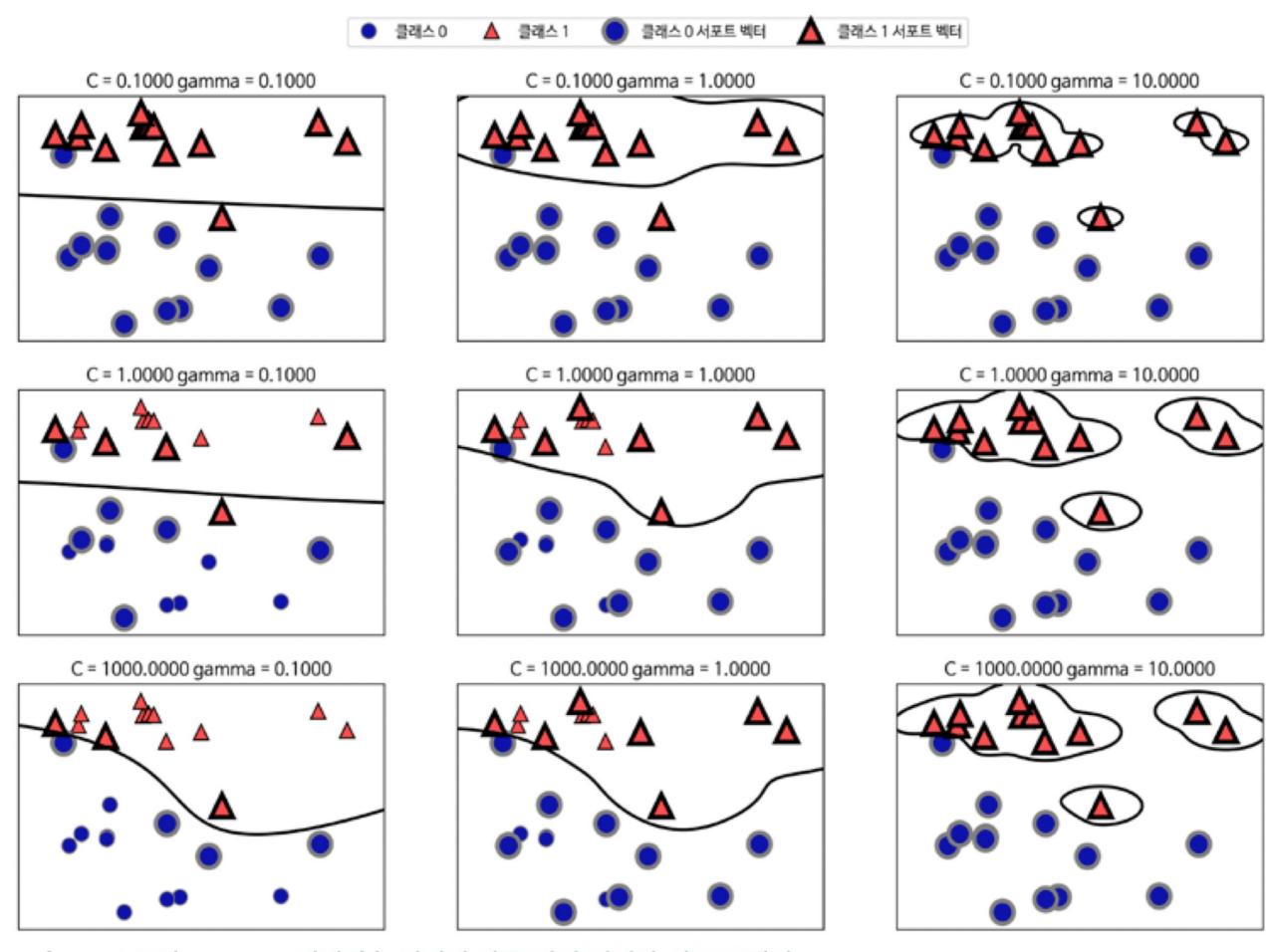


그림 2-42 C와 gamma 매개변수 설정에 따른 결정 경계와 서포트 벡터

# from sklearn.metrics import classification\_report

• 테스트 결과를 confusion matrix 또는 그 결과 형태로 출력

from sklearn.metrics import classification\_report

```
y_pred = model.predict(X_test)
print( metrics.confusion_matrix(y_test, y_pred) )
print( classification_report(y_test, y_pred) )
```

₽	[[13 0 [ 0 15 [ 0 0	0] 1] 9]]				
			precision	recall	f1-score	support
		0	1.00	1.00	1.00	13
		1	1.00	0.94	0.97	16
		2	0.90	1.00	0.95	9
	accu	racy			0.97	38
	macro	avg	0.97	0.98	0.97	38
	weighted	avg	0.98	0.97	0.97	38

# from sklearn.model\_selection import GridSearchCV

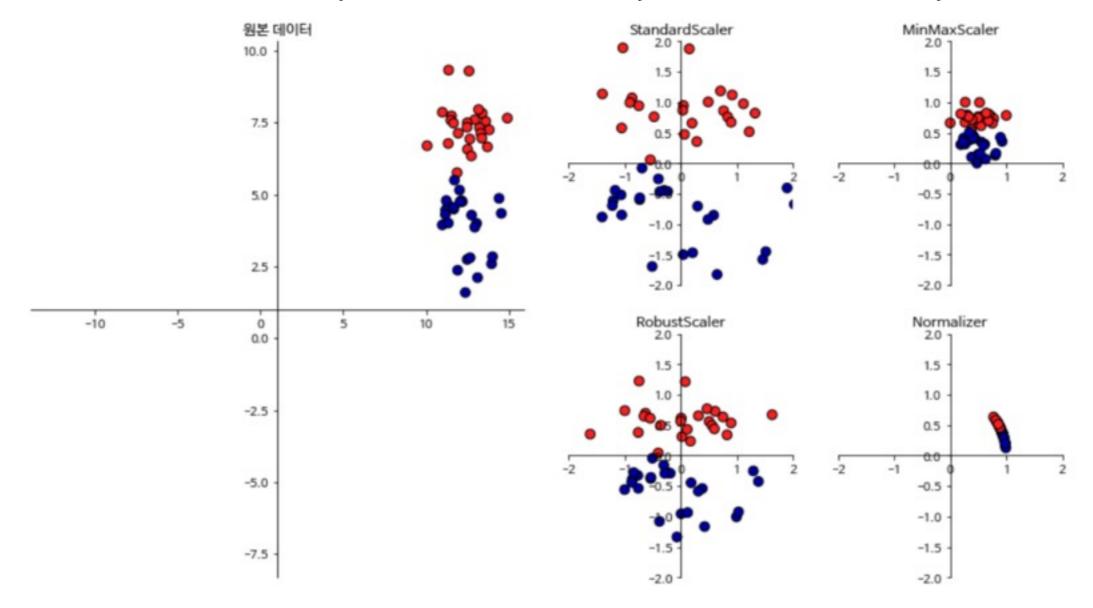
• 다양한 모델 파라미터를 테스트하고자 할 때 사용

```
# Grid Search
print("Performing grid search ... ")
# Parameter Grid
param_grid = {'C': [0.1, 1, 10, 100], 'gamma': [1, 0.1, 0.01, 0.001, 0.00001, 10]}
# Make grid search classifier
clf grid = GridSearchCV(svm.SVC(), param grid, verbose=1)
# Train the classifier
clf_grid.fit(X_train, y_train)
# clf = grid.best_estimator_()
print("Best Parameters:\n", clf_grid.best_params_)
print("Best Estimators:\n", clf grid.best estimator )
```

#### from sklearn.preprocessing

• 분석시에 각 특징변수들의 스케일이 다른 경우, 이를 정규화 해줄 필요가 있음

• StandardScaler, MinMaxScaler, RobustScaler, Normalizer



# from sklearn.preprocessing import StandardScaler

```
sc = StandardScaler() # 표준화
sc.fit(x test)
sc.fit(x_train) # 표준화 학습 완료
x train = sc.transform(x train)
x test = sc.transform(x test)
# 표준화 값을 원래 값으로 복귀
inver_x_train = sc.inverse_transform(x train)
```

## 예제코드

01-sklearn-introduction.ipynb

02-sklearn\_sample\_examples.ipynb

03-SVM.ipynb