

# Sprawozdanie z ćwiczenia laboratoryjnego „Grafy”

Karolina Morawska

11 maja 2014

# 1 Czym wogóle jest graf ?

To taka struktura danych, która składa się z wierzchołków i krawędzi, przy czym poszczególne wierzchołki (zwane też węzłami) mogą być połączone krawędziami (skierowanymi lub nieskierowanymi) w taki sposób, iż każda krawędź zaczyna się i kończy w którymś z wierzchołków. Wierzchołki i krawędzie mogą być numerowane, etykietowane i nieść pewną dodatkową informację - w zależności od potrzeby modelu, do którego konstrukcji są wykorzystane. W porównaniu do drzew w grafach mogą występować pętle i cykle. Krawędzie mogą mieć wyznaczony kierunek (wtedy graf nazywamy skierowanym), mogą mieć przypisaną wagę (pewną liczbę), kolor, etykietę, np. odległość pomiędzy punktami w terenie, rodzaj połączenia.

Istnieje wiele rodzajów grafów, które mogą mieć wiele interesujących właściwości. Grafy mogą być, np.:

- Skierowane gdy możliwe jest przejście pomiędzy wierzchołkami tylko w jedną stronę (krawędź wtedy oznaczamy strzałką).
- Nieskierowane gdy możliwe jest przejście pomiędzy wierzchołkami w obydwie strony.

Naszym zadaniem było zaimplementowanie grafu nieskierowanego.

## 1.1 Opis implementacji grafu nieskierowanego wybranego przeze mnie.

Wybrałam implementację grafu za pomocą listy sąsiedztwa. Reprezentacja grafu za pomocą list sąsiedztwa jest podobna do reprezentacji macierzą sąsiedztwa. Mamy tablicę  $n$ -elementową, gdzie  $n$  oznacza liczbę wierzchołków w grafie. Każdy element tej tablicy jest skojarzony z jednym wierzchołkiem grafu - numer wiersza jest numerem wierzchołka. Elementy tablicy są listami. Listy te zawierają numery wierzchołków w grafie, do których prowadzi z danego wierzchołka krawędź.

Zaletą takiej implementacji jest:

- Oszczędność pamięci komputera, ponieważ odwzorowane są tylko istniejące krawędzie.
- Dostęp do sąsiadów danego wierzchołka jest szybszy niż w przypadku tablicy sąsiedztwa, ponieważ nie musimy sprawdzać kolejnych wierzchołków - lista od razu zawiera gotowych do odczytu sąsiadów.

## 2 Algorytmu służące do przeszukiwania grafu

### 2.1 Breadth-first search, czyli przeszukiwanie wszerz

Jest to jeden z najprostszych algorytmów przeszukiwań służący do odnajdywania najkrótszej drogi w grafie. Przechodzenie grafu rozpoczyna się od zadanego wierzchołka i polega na odwiedzeniu wszystkich dostępnych z niego wierzchołków.

Złożoność pamięciowa algorytmu uzależniona jest od sposobu implementacji grafu. W moim przypadku czyli implementacji grafu za pomocą listy sąsiedztwa dla każdego wierzchołka przechowywana jest lista wierzchołków dostępnych bezpośrednio z niego. Złożoność pamięciowa wynosi  $O(|V| + |E|)$  gdzie  $|V|$  to liczba węzłów a  $|E|$  to liczba krawędzi w grafie.

Ponieważ w najgorszym przypadku przeszukiwanie wszerz musi przebyć wszystkie krawędzie prowadzące do wszystkich węzłów, złożoność czasowa tego przeszukiwania wynosi  $O(|V| + |E|)$ , gdzie  $|V|$  to liczba węzłów, a  $|E|$  to liczba krawędzi w grafie.

### 2.2 Depth-first search, czyli przeszukiwanie w głąb

Polega na badaniu wszystkich krawędzi wychodzących z podanego wierzchołka. Po zbadaniu wszystkich krawędzi wychodzących danego wierzchołka algorytm powraca do wierzchołka, z którego dany wierzchołek został odwiedzony.

Złożoność pamięciowa algorytmu w przypadku drzewa jest o wiele mniejsza niż przeszukiwania wszerz, gdyż algorytm w każdym momencie wymaga zapamiętania tylko ścieżki od korzenia do bieżącego węzła, podczas gdy przeszukiwanie wszerz wymaga zapamiętywania wszystkich węzłów w danej odległości od korzenia, co zwykle rośnie wykładniczo w funkcji długości ścieżki.

Złożoność czasowa przeszukiwania jest uzależniona od liczby wierzchołków oraz liczby krawędzi. Algorytm musi odwiedzić wszystkie wierzchołki oraz wszystkie krawędzie, co oznacza, że złożoność wynosi  $O(|V| + |E|)$ .

### 3 Wyszukiwanie ścieżek w grafie

#### 3.1 „Algorytm Dijkstry”.

Aby wyznaczyć najkrótszą ścieżkę między  $s$  a wszystkimi innymi węzłami, w algorytmie Dijkstry wymaga się, aby w każdym węźle zapisywane były kolor i oszacowanie najkrótszej ścieżki. Początkowo wszystkim węzłom przypisujemy kolor biały, wszystkie oszacowania ścieżki ustawiamy na  $\infty$ . Oszacowanie najkrótszej ścieżki dla węzła początkowego ustawiamy na 0. W miarę działania algorytmu, wszystkim węzłom poza początkowym przypisujemy rodziców z drzewa najkrótszych ścieżek. Rodzic węzła może zmieniać się przed zakończeniem działania algorytmu wielokrotnie. Dalej algorytm działa następująco: najpierw spośród wszystkich białych węzłów grafu wybieramy węzeł  $u$  z najmniejszym oszacowaniem najkrótszej ścieżki. Wstępnie będzie to węzeł początkowy, którego ścieżka została oszacowana na 0. Po wybraniu węzła zaczerniamy go. Następnie, dla każdego białego węzła  $v$  przylegającego do  $u$  zwalniamy krawędź  $(u, v)$ . Kiedy zwalniamy krawędź, sprawdzamy, czy przejście z  $u$  do  $v$  poprawi wyznaczoną dotąd najkrótszą ścieżkę do  $v$ . W tym celu dodajemy wagę  $(u, v)$  do oszacowania najkrótszej ścieżki do  $u$ . Jeśli wartość ta jest mniejsza lub równa oszacowaniu najkrótszej ścieżki do  $v$ , przypisujemy tę wartość  $v$  jako nowe oszacowanie najkrótszej ścieżki i ustawiamy  $v$  jako rodzica  $u$ . Proces ten powtarzamy dotąd, aż wszystkie węzły będą czarne. Kiedy wyliczone zostanie już drzewo najkrótszych ścieżek, najkrótszą ścieżkę z węzła  $s$  do danego węzła  $t$  można wybrać poprzez przejście po tym drzewie od węzła  $t$  przez kolejnych rodziców, aż do  $s$ . Ścieżka o odwrotnej kolejności do uzyskanej jest ścieżką szukaną.

#### 3.2 „Algorytm Forda-Bellmana”

Algorytm ten służy do wyznaczania najmniejszej odległości od ustalonego wierzchołka  $s$  do wszystkich pozostałych w skierowanym grafie bez cykli. Warunek braku cykli jest spowodowany faktem, że w grafie posiadającym cykl najmniejsza odległość między niektórymi wierzchołkami jest nieokreślona, ponieważ zależy od liczby przejść w cyklu. Macierz  $A$  dla każdej pary wierzchołków  $u$  i  $v$  zawiera wagę krawędzi  $(u, v)$ , przy czym jeśli krawędź  $(u, v)$  nie istnieje, to przyjmujemy, że jej waga wynosi nieskończoność. Algorytm Forda-Bellmana w każdym kroku oblicza górne oszacowanie  $S(v_i)$  odległości od wierzchołka  $s$  do wszystkich pozostałych wierzchołków  $v_i$ . W pierwszym kroku przyjmujemy  $S(v_i) = A(s, v_i)$ . Gdy stwierdzimy, że  $S(v) > S(u) + A(u, v)$ , to każdorazowo polepszamy aktualne oszacowanie i podstawiamy  $S(v) := S(u) + A(u, v)$ . Algorytm kończy się, gdy żadnego oszacowania nie można już poprawić, macierz  $S(v_i)$  zawiera najkrótsze odległości od wierzchołka  $s$  do wszystkich pozostałych.

## Bibliografia

- [1] *[http : //pl.wikipedia.org/wiki/Algorytm\\_Dijkstry](http://pl.wikipedia.org/wiki/Algorytm_Dijkstry),*
- [2] *[http : //pl.wikipedia.org/wiki/Algorytm\\_Bellmana – Forda](http://pl.wikipedia.org/wiki/Algorytm_Bellmana_Forda)*
- [3] *[http : //zasoby1.open.agh.edu.pl/dydaktyka/informatyka](http://zasoby1.open.agh.edu.pl/dydaktyka/informatyka)*
- [4] *[http : //pl.wikipedia.org/wiki/Przeszukiwanie\\_wszerz](http://pl.wikipedia.org/wiki/Przeszukiwanie_wszerz)*
- [5] *[http : //pl.wikipedia.org/wiki/Przeszukiwanie\\_w](http://pl.wikipedia.org/wiki/Przeszukiwanie_w)*
- [6] *[http : //www.algorytm.org/algorytmy-grafowe/przeszukiwanie-grafu-wszerz-bfs-i-w-glab-dfs.html](http://www.algorytm.org/algorytmy-grafowe/przeszukiwanie-grafu-wszerz-bfs-i-w-glab-dfs.html)*