https://eb-aau.shinyapps.io/midasdashboard/

Bruger: MiDAS2017 Adgangskode: spildevand





## **Guide til MiDAS Shiny App**

Shiny app lavet til at give et indblik i mikrobiologien i danske renseanlæg siden år 2006 og rådnetanke siden 2011.

Alle data i denne app er baseret på prøver fra danske anlæg, der er indsamlet og behandlet af Aalborg Universitet som en del af MiDAS (Microbial Database of Activated Sludge) og MiDAD (Microbial Database of Anaerobic Digesters) projekter, som har til formål at samle viden om de mikroorganismer, der spiller en central rolle i de biologiske processer i spildevandsrensning og rådnetanke. Denne MiDAS *Shiny App* er udarbejdet af Cand. polyt. Kasper Skytte Andersen (AAU) i samarbejde med MiDAS teamet.

## Kort vejledning:

I menuen til venstre kan man vælge for at få et overblik over de anlæg, der deltager i projektet og deres anlægs design.

Hvis du finder info som skal opdateres, så send en email til mni@bio.aau.dk med ændringer og det vil blive opdateret.

Der er forskellige måder at visualisere det mikrobielle data i menuen til venstre:



# Start med at vælge et datasæt og ét eller flere anlæg:



I skrivende stund er følgende datasæt inkluderet i appen:

- Aktivt slam
- Rådnetank (bakterier)
- Rådnetank (archaea)
- Aalborg BioBANK (2012-2015) dette er en eksempel på en lang tidsserie fra enkelte anlæg, som vi analyserer fremover. Data fra andre anlæg bliver tilføjet løbende i 2018.

For at vælge anlæg: Skriv navnet i feltet eller vælg det fra drop-down menuen. Det er muligt at vælge flere end ét anlæg for at kunne sammenligne. Lad feltet være tomt for at



kigge på data fra alle anlæg i det valgte datasæt på én gang, i så fald hav tålmodighed, da der er meget data.

# Data visualisering: Bakteriesammensætning



Bakteriesammensætningen vises som en *heatmap* af mest hyppige bakterier i den/de valgte anlæg i procent.

Som standard vises de 20 mest hyppige mikroorganismer og resultaterne er vist som et gennemsnit af alle prøver fra de(t) valgte anlæg.

fra de(t) valgte anlæg. Opdater plot for at generere et plot med de valgte indstillinger i menuen til højre. Tryk Gruppér Gruppér beregner gennemsnittet af bakterierne i alle Anlæg prøver, som tilhører den valgte gruppe: Anlæg, År, Årstid eller Dato. Inddel ingen Brug Inddel for yderligere gruppering Sortér Gennemsnit af valgte Det er også muligt at sortere efter én af de viste grupper i bunden af plottet, fx et bestemt år, et bestemt renseanlæg eller andet Vis kun bakterier med en kendt

funktion

Alle bakterier

Vis kun bakterier med en kendt funktion. Vælg mellem: trådformede bakterier, ammonium oxiderende bakterier, nitrit oxiderende bakterier, polyfosfat akkumulerende bakterier, glykogen akkumulerende bakterier, acetat producerende bakterier, fermenterende bakterier, denitrificerende bakterier, metan producerende archaea.

Vis kun specifikke bakterier (ud af valgte funktion ovenfor)

Tetrasphaera Rhodococcus

For en endnu mere detajleret filtrering kan man vælge kun at se specifikke bakterier indenfor den valgte gruppe i instillingen ovenfor. Man kan vælge et hvilket som helst antal, og hvis blank vises alle.

#### **Andre muligheder:**

Antal af de mest hyppige bakterier (Genus niveau)



Juster antal af de mest hyppige bakterier der vises på grafen.





#### Farvegradient (log10)

skyblue3, whitesmoke, salmon2

#### Se mulige farver

Pynt din graf op med andre farve – tryk Se mulige farver for at vælge de farver du bedst kan lide. Man skal helst vælge minimum 2 farver, men flere kan også lade sig gøre. Farven skrevet først vil svare til lave værdier og farven længst til højre vil svare til de højeste værdier.

## Yderligere indstillinger

- Vis procenttal
- Vis gennemsnit af alle anlæg i MiDAS
- Vis funktionel information

Aktiv som default. Fjern flueben for at fjerne værdierne fra grafen. Rart ved meget data.

En kolonne med gennemsnit af alle prøver fra datasæt bliver tilføjet ved højre side af grafen. Brug den for at sammenligne med gennemsnittet af alle prøver i det valgte datasæt.

Vis mikroorganismernes funktion ved siden af grafen. Gå til

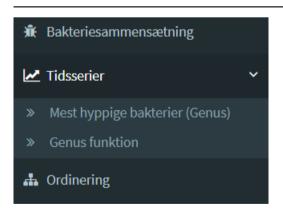
http://midasfieldguide.org/dk/mikroorganismer/ for at læse mere om mikroorganismernes biologiske egenskaber.

Opdater plot

HUSK! at opdatere plottet.

knap skal trykkes hver gang man ændrer noget i menu til højre for

## Data visualisering: Tidsserier



#### >> Mest hyppige bakterier (Genus)

Resultaterne vises som en tidsserie af de mest hyppige bakterier i den/de valgte anlæg.

Opdater plot

Tryk

Opdater plot

for at se valgte anlægsdata.





Juster data vist på grafen ved brug af mange funktioner i menu til højre:

#### Vis som

- Gennemsnit af valgte anlæg (per dato)
- Farvet efter individuelle anlæg

Du kan vælge om resultaterne skal vises som et gennemsnit af alle valgte anlæg eller for hvert anlæg enkeltvis (i forskellige farve). Vælges gennemsnit af valgte anlæg er det vigtigt at bemærke, at gennemsnittet beregnes per dato, dvs prøverne skal være taget på samme dag før

gennemsnit vises. Dette er ofte ikke tilfældet.

# Antal af de mest hyppige bakterier (Genus niveau)



✓ Individuelle plots

Vælg antal af mest hyppige mikroorganismer der skal vises (defa<u>u</u>lt er 4)

Vælg om mikroorganismerne skal plottes hver for sig (default) eller på den samme graf.

Opdater plot

at opdatere plottet.

knap skal trykkes hver gang man ændrer noget i menu til højre for

## >> Genus funktion

Denne option giver mulighed for at visualisere vigtige funktionelle grupper af mikroorganismer sammen. Resultaterne vises som en *tidsserie* af de mest hyppige mikroorganismer i den/de valgte anlæg. Udover mikrobielle data, bliver Slam Volumen Index / Fortyndet Slam Volumen Index (SVI/FSVI) fra det/de valgte anlæg plottet i bunden af siden, når der vælges trådformende bakterier.

Juster data vist på grafen ved brug af indstillingerne i menuen til højre:



Vælg hvilken funktionel gruppe du vil kigge på: trådformede bakterier, ammonium oxiderende bakterier, nitrit oxiderende bakterier, polyfosfat akkumulerende bakterier, glykogen akkumulerende bakterier, acetat producerende bakterier, fermenterende bakterier, denitrificerende bakterier, metan producerende archaea.

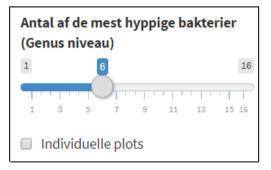
## Vis som

- Gennemsnit af valgte anlæg (per dato)
- Farvet efter individuelle anlæg

Vælg om resultaterne skal vises som et gennemsnit af alle valgte anlæg eller om de skal vises for hvert anlæg individuelt (i forskellige farve). Vælges gennemsnit af valgte anlæg er det vigtigt at bemærke, at gennemsnittet beregnes per dato, dvs prøverne skal være taget på samme dag før gennemsnit vises. Dette er ofte ikke tilfældet.





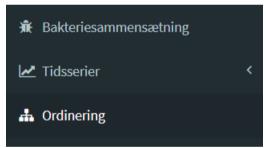


Vælg antal af mest hyppige mikroorganismer der skal vises (default : 6).

Vælg om mikroorganismerne skal plottes hver for sig (default) eller på den samme graf.

✓ Vis årstidsgennemsnit af alle anlæg (sort) Aktiv som default. Fjern markøren for at slette gennemsnitsværdi af SVI/FSVI fra grafen i bunden. Gennemsnittet er udregnet per kvartal.

# **Data visualisering: Ordinering**



Denne funktion viser forskellene mellem prøverne fra et eller flere anlæg ud fra af deres mikrobielle sammensætning. Hvert punkt repræsenterer det mikrobielle samfund i en prøve. Jo tættere punkterne ligger på hinanden, jo mere ens er det mikrobielle samfund i disse prøver.

Ordinering giver visuel sammenligning og kan bruges for at se om jeres anlæg ligner eller er meget

forskelligt fra andre anlæg (hvis man vælger flere anlæg i menu til venstre). Funktionen kan også bruges for at opdage generelle ændringer i mikrobielle samfund i individuelle anlæg. De generelt mest hyppige bakterier i prøverne vil have den største indflydelse på forskellene, der vises i dette plot.

## **General info**

Placér markøren over valgte datapunkter for at se detaljeret info (mikroorganismes navn, dato og værdi).

Øverst i højre hjørne af hver graf finder du en række supplerende værktøjer:



# https://eb-aau.shinyapps.io/midasdashboard/

Bruger: MiDAS2017 Adgangskode: spildevand





Man bruger dem for at gemme et plot ( den bliver gemt i jeres *Hent* mappe), zoom ind og ud ( og nulstille en graf til oprindeligt størrelse ( den bliver gemt i jeres *Hent* mappe), zoom ind

Man kan også klikke eller dobbeltklikke på de enkelte anlæg for at fjerne eller isolere de enkelte anlæg vist på grafen.

Hvis I har spørgsmål, kommentarer eller ideer til hvordan kan vi forbedre MiDAS *Shiny App*, skriv en mail til Marta Nierychlo (mni@bio.aau.dk)