# Co-diseño de soluciones de software para los desafíos de América Latina y el Caribe en enfermedades infecciosas

Catalina González Uribe Septiembre 15 de 2023



# **Epiverse**TRACELAC

Construyendo un ecosistema para el Desarrollo de Software para analítica y modelamiento durante epidemias







Canada





## ¿Cómo nos preparamos para futuras epidemias y crisis sanitarias?

Epiverse es una iniciativa colaborativa global para desarrollar un ecosistema de análisis de datos confiable dedicado a adelantarse a la próxima crisis de salud pública.



#### Contexto

- Es urgente el desarrollo de herramientas análiticas interoperables para fortalecer la comprension y la predicción de epidemias de enfermedades infecciosas.
- En Latinoamerica se cuenta con capacidades analíticas limitadas para el análisis de patrones epidemiologicos.
- Son pocas las oportunidades de aprendizaje y los materiales de enseñanza que sean en español.

#### Contexto

- Manejo de grandes volúmenes de información.
- Necesidad de generar evidencia para la toma de decisiones de manera rápida.
- Aprendizajes del trabajo intersectorial e interdisciplinar:
  - Salud pública y epidemiología
  - Geografía
  - Ingeniería
  - Ciencia de datos

#### Reto

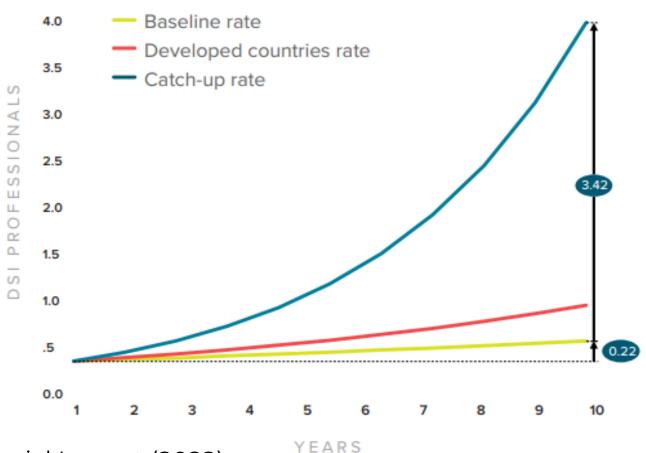
La analítica de datos es un componente esencial de la salud pública contemporánea y es necesario pensar en las personas que trabajan en este campo como parte del recurso humano necesario para la respuesta a epidemias.

#### Analítica de datos -> Toma de decisiones

- Conocimiento por parte de los tomadores de decisión
- Infraestructura básica
- Colaboración y confianza

#### Reto

Brecha de científicos de datos a nivel global



Data.org. Workforce Wanted Data Talent for Social Impact (2022).

#### Reto

Desarrollar herramientas de software sensibles a los contextos sociotécnicos de nuestra región y basadas en procesos de co-diseño interdisciplinar y basadas en las necesidades de las comunidades de usuarios.



#### TRACE-LAC

Caracterización del sistema sociotécnico

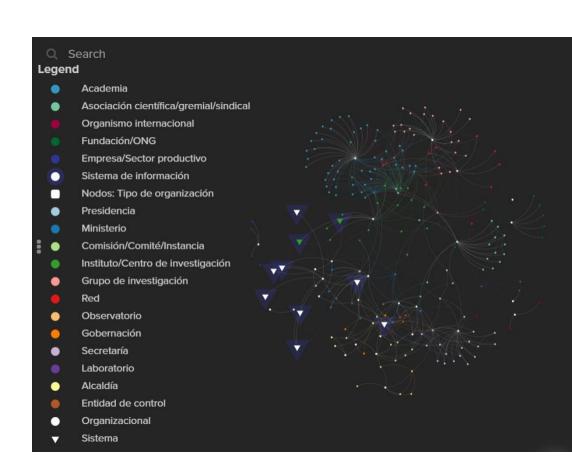
Desarrollo de herramientas de software Entrenamiento en R y en modelamiento

### Mapa de actores

Proveer un universo de actores e infraestructuras para la identificación de nichos.

Construir una herramienta visual: heurística, de exploración y de comunicación.





#### Caracterización del sistema socio-técnico

#### ¿Qué usuarios y qué contextos?

- Políticas públicas y regulación
- Talento Humano
- Acceso y uso de datos
- Disponibilidad de infrastructura
- Culturas organizacionales
- Escala y transferencia

Interseccionalidad (género, etnicidad, edad, residencia)

## Co-desarrollo





#### Co-desarrollo de Software



#### DESCRIPCIÓN



Es una herramienta digital que permite consultar de manera fácil y confiable la información que se requiere para estudios de epidemiología disponible en varias bases de datos oficiales de Colombia y correlacionarlos para su análisis y toma de decisiones.



Este paquete ofrece herramientas estadísticas y de
visualización para el análisis de
indicadores demográficos,
comportamiento espacio-temporal, y caracterización de los
brotes de las enfermedades
transmitidas por vectores
(ETVs) de Colombia.



Es una herramienta que permite hacer simulaciones de agentes para la interacción entre humanos y mosquitos por medio de poblaciones sintéticas a partir de territorios reales.

#### **FUNCIONALIDAD**

**Búsqueda:** Información socioeconómica, climática, uso del suelo y entomológica.

Descarga: datos consultados.

Correlación: cruce de variables asociadas a la transmisión de enfermedades. Reporte y visualización de datos: funciones básicas de resumen y graficación para obtener evidencias.

**Demográfico:** grupos vulnerables a partir de los casos notificados y datos del censo poblacional.

Espaciotemporal: identificación de hotspots (índice local de Moran) basado en tasas de incidencia y tiempos de desplazamiento entre municipios.

Canal endémico: Creación y visualización de acuerdo a parámetros reportados por el usuario.

Alerta temprana: indicadores de riesgo.

**Configuración:** inicializar los datos básicos para el modelo.

**Simulación:** Interacción entre humanos y mosquitos para verificar los cambios de posibles intervenciones en los contagios.

Calibración: parámetros de contagio que pueden ser específicos a cada territorio.

**Reporte:** Reporte de resultados obtenidos en la simulación y calibración.

## Nuestro equipo



Diana Fajardo Pulido Coordinadora Científica



Natalia Niño
Coinvestigadora
Coordinadora científica



Adriana Buitrago Coinvestigadora



Juan Umaña EpiCo



Maria C. Tavera ColOpenData



Geraldine Gómez
Coordinadora Desarrollo de
Software



Jaime Pavlich
Coinvestigador



Candida Díaz Síntesis de evidencia



Andrea C. Peña Pasante



Zulma M. Cucunubá Investigadora principal



Catalina González-Uribe Investigadora Principal



Juan Manuel
Cordovez
Investigador Principal



Julian Otero



Andrés Moreno Coinvestigador



Miller Díaz Investigador cualitativo



Laura Gomez Coordinadora de entrenamiento



Maria Paula Forero Medico rural



Mauricio Santos Coinvestigador



David Quevedo vaccineff



Nicolás Torres serofoi



Juan F. Montenegro Análisis de datos



Lina Juliana Mateus Coordinadora de cominucaiones



CIERRE DE INSCRIPCIONES: 18 DE SEPTIEMBRE

# Epiverse TRACELAC





Catalina González Uribe <a href="mailto:cgonzalez@uniandes.edu.co">cgonzalez@uniandes.edu.co</a>