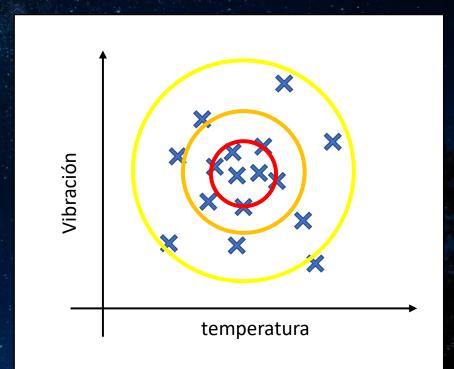
Gaussian Mixture Models

Gaussian Models

- Un modo más "Soft" podría ser modelando cada cluster como una gaussiana.
- Ahora cada patrón no está dentro o fuera del cluster, sino que pertenece con cierta probabilidad.
- La media de la distribución podría considerarse el centro del cluster.
- Se agrega la matriz de covarianza.



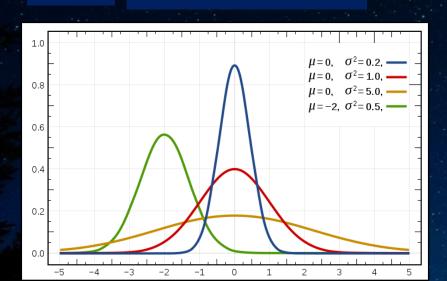
Función Gaussiana

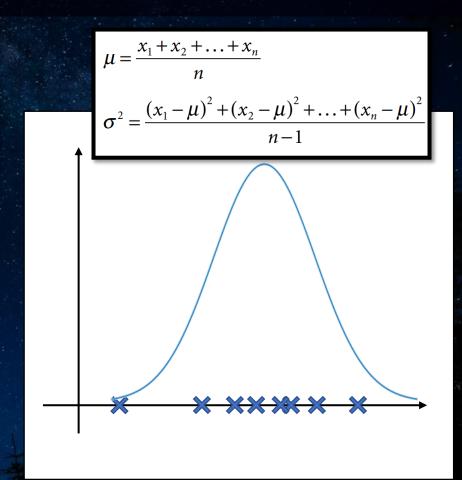
En el caso de una dimensión:

$$\mathcal{N}(x|\mu,\sigma^2) = \frac{1}{(2\pi\sigma^2)^{1/2}} \exp\left\{-\frac{1}{2\sigma^2}(x-\mu)^2\right\}$$

Media

Desviación estándar



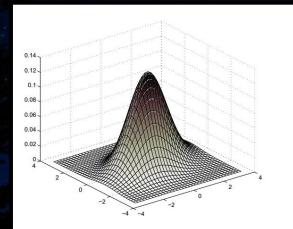


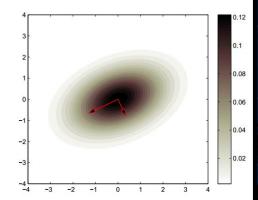
Función Gaussiana

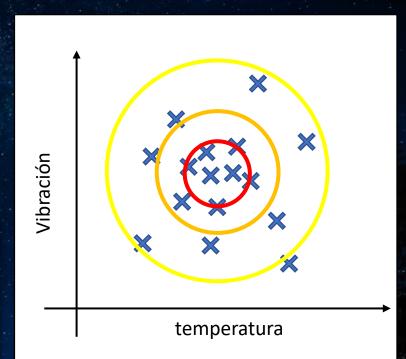
En el caso n-dimensional:

$$\mathcal{N}(\mathbf{x}|\boldsymbol{\mu}, \boldsymbol{\Sigma}) = \frac{1}{(2\pi)^{D/2}} \frac{1}{|\boldsymbol{\Sigma}|^{1/2}} \exp\left\{-\frac{1}{2} (\mathbf{x} - \boldsymbol{\mu})^{\mathrm{T}} \boldsymbol{\Sigma}^{-1} (\mathbf{x} - \boldsymbol{\mu})\right\}$$

Matriz de covarianza







Gaussian Mixture Models

La probabilidad de un dato x está dada por:

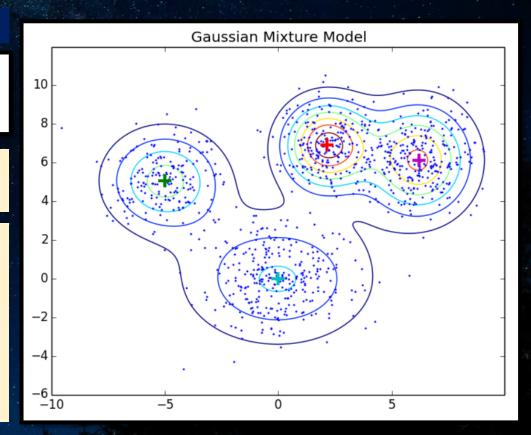
$$p(x) = \sum_{j=1}^{K} w_j \cdot N(x \mid \mu_j, \Sigma_j) \sum_{j=1}^{K} w_j = 1$$

$$\sum_{j=1}^{K} w_j = 1$$

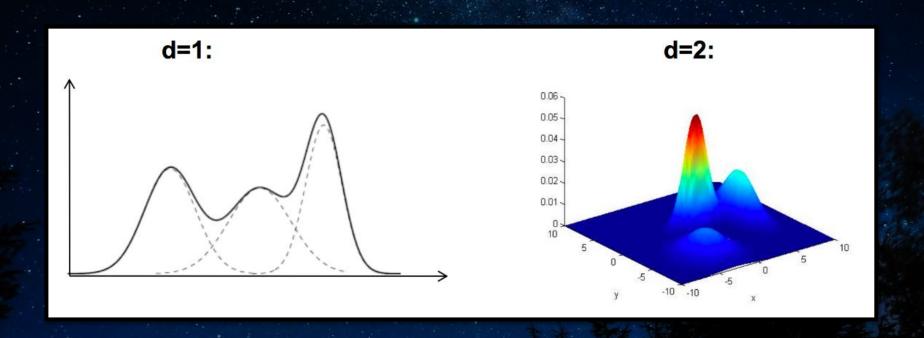
K= número de gaussianas.

wj= peso que se le da a cada función.

- Es posible utilizar la probabilidad general de un nuevo punto para detectar anomalías.
- También podemos utilizar el modelo como en k-mean, para identificar clusters, simplemente nos quedamos con la mayor probabilidad.



Gaussian Mixture Models



GMM – Algoritmo EM

¿Cómo encontrar los parámetros?

El algoritmo más clásico para optimizar los parámetros de la mixtura es el conocido como "EM" (Expectation-Maximization). El objetivo es maximizar el likelihood (verosimilitud).

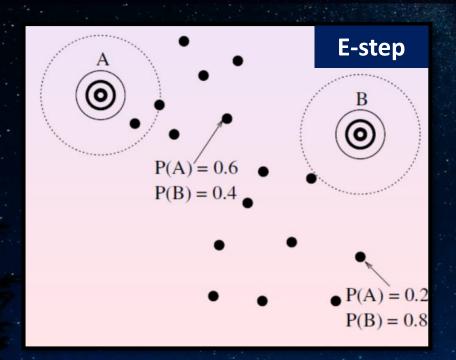
Definir cantidad de gaussianas.

En cada iteración:

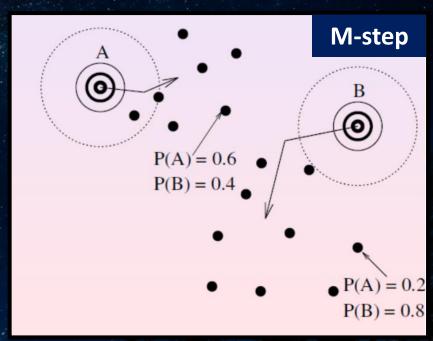
E-step: Estima la probabilidad de cada dato al conjunto de distribuciones.

M-step: recalcular media y desviación de las gaussianas.

GMM – Algoritmo EM



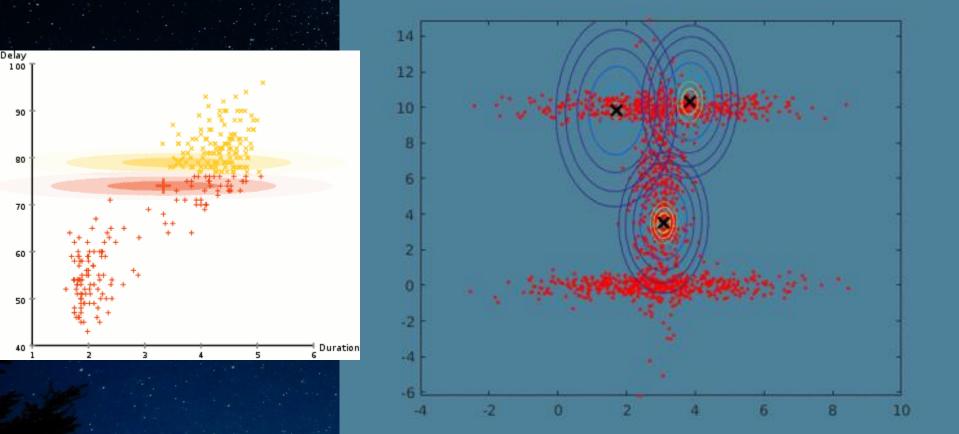
$$P(X_i \in C_k) = p(C_k|X_i) = \frac{p(C_k)p(X_i|C_k)}{p(X_i)}$$



$$\mu_{A} = \frac{w_{1}x_{1} + w_{2}x_{2} + \dots + w_{n}x_{n}}{w_{1} + w_{2} + \dots + w_{n}}$$

$$\sigma_{A}^{2} = \frac{w_{1}(x_{1} - \mu)^{2} + w_{2}(x_{2} - \mu)^{2} + \dots + w_{n}(x_{n} - \mu)^{2}}{w_{1} + w_{2} + \dots + w_{n}}$$

GMM – Algoritmo EM



GMM vs K-means

Gaussian Mixture Models es una generalización de k-means.

- Lloyd (K-means) intenta minimizar $(x \mu_k)^2$
- EM intenta minimizar $\frac{(x-\mu_k)^2}{\sigma^2}$
- El denominador agrega un modo de medir distancias ponderadas.
- Ambos susceptibles a óptimos locales.

GMM en Sklearn

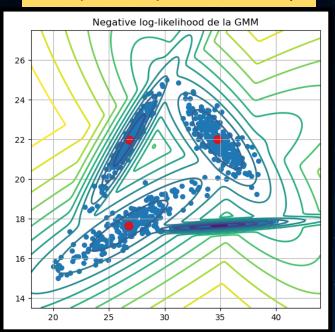
```
from sklearn.mixture import GaussianMixture
model = GaussianMixture(n_components=K) # crea el modelo
model.fit(data) # entrena el modelo con EM
scores= model.score_samples(data) # log(verosimilitud) de cada patrón
labels= model.predict(data) # etiqueta de cada dato (clusters)
probs= model.predict_proba(data) # probabilidades para cada cluster -> sum(probs)==1
```

GMM – Definir número de componentes

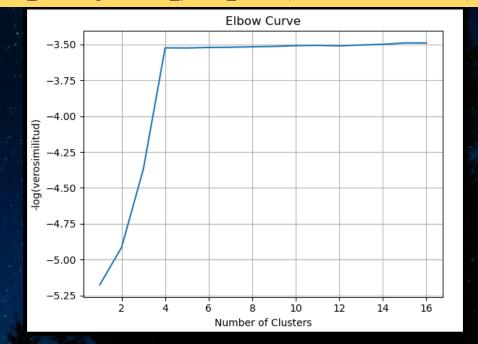
Mismo problema que en K-means.

No es trivial definir cantidad de componentes.

AA_utils.graficar_GMM(
data, modelo, labels=False)



AA_utils.graficar_punto_elbow(data, 16, GMM=True)

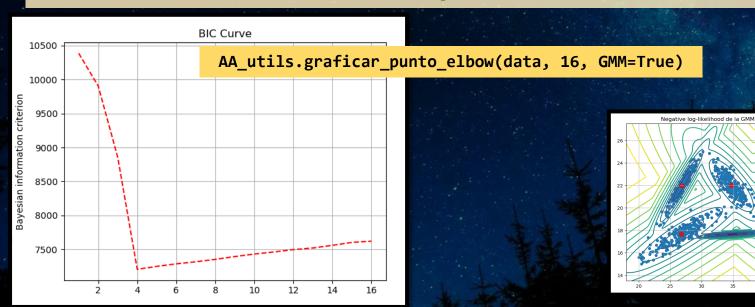


GMM - BIC

Bayesian information criterion (BIC) es un criterio para selección de modelos. Cuando más chico mejor.

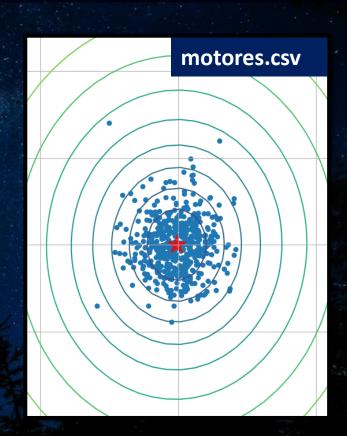
$$BIC = k \log(n) - 2 \log(\mathcal{L})$$

 \mathcal{L} = Verosimilitud, n= # datos, k= parámetros a estimar en el modelo



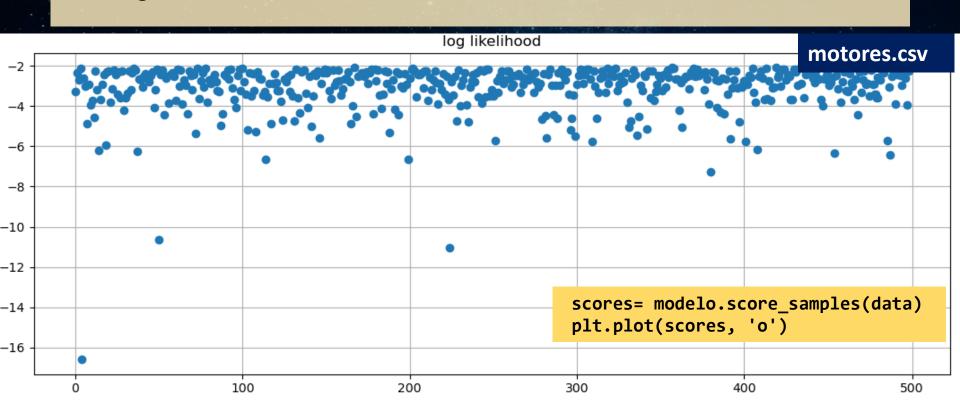
GMM – Detección de anomalías

- Supongamos que queremos detectar anomalías sin tenerlas etiquetadas.
- Utilizamos aprendizaje NO supervisado.
- Encontrar valores fuera de lo "normal".



GMM – Detección de anomalías

Log likelihood de cada elemento de mi dataset.



GMM – Detección de anomalías

• Establecemos una línea de corte (umbral) para decir que un dato es anómalo: Por ejemplo $\,\mu-4\sigma\,$ (Es arbitrario)

