11.串

(b1) 串匹配

邓俊辉

deng@tsinghua.edu.cn

串匹配

```
% grep <pattern> <text>
```

❖ Pattern matching

detection: P是否出现?

location: 首次 在哪里 出现?

counting: 共有几次出现?

enumeration: 各出现 在哪里 ?

//本章主要讨论的问题

//find /c "2013" students.txt

//find "2013" students.txt

串匹配

◆歧义: T = " 1001 1011 0 101 1 0 11 1001 "

P = " 1011 "

❖ 应用: 文本编辑器、数据库检索、C++模板匹配、模式识别、搜索引擎、...

❖应用: 生物序列分析(biological sequence analysis)

通常不能完全匹配

——alignment:最接近的匹配在什么位置?

HBA_HUMAN vs. HBB_HUMAN

G SAQ VK G H G K K V A D A L T N A V A H V D D M P N A L S A L S D L H A H

G N P K V K A H G K K V L G A F S D G L A H L D N L K G T F A T L S E L H C D

算法评测

- ❖如何客观地测量与评估串匹配算法的性能?具体采用什么标准与策略?
- ❖ 随机T + 随机P ?不妥!

匹配成功的概率 = n/2^m << 100,000 / 2¹⁰⁰ < 10⁻²⁵

如此,将无法对算法做充分测试

❖ 随机T , 对成功、失败的匹配 分别 测试

成功:在T中,随机取出长度为m的 子串 作为P;分析平均复杂度

失败:采用 随机 的P;统计平均复杂度