

Entité d'application : - - SEQUENCEUR

Emetteur: PTBM - -

DOCUMENT D'ENREGISTREMENT

**V.1** 

Page: 1/1

euille de résultats Recherche de contamination maternelle Kit PowerPlex 16 ®



## Étude de la contamination materno-foetale et de la bonne identité des ADN lors de la réalisation d'un diagnostic prénatal à l'aide du kit PowerPlex ® 16 System

Date du run : 2019-01-29 Nom du projet : ex\_abs\_concord\_total Utilisateur : Nom prénom Sexe du fœtus : M N° du fœtus : wwwwGGGGMMM N° de la mère : MMMMMMMMMM N° du père : QQQQmmmGGG

Marqueurs	Concordance des ADN maternels et fœtaux	Détails allèles mère et fœtus	Concordance des ADN paternels et fœtaux	Détails allèles père et fœtus
CSF1PO	NON	M:10.0, 18.0 F:9.0, 11.0	NON	P:2.0, 10.0 F:9.0, 11.0
D13S317	NON	M:14.0, 13.0 F:11.0, 12.0	OUI	/
D16S539	NON	M:10.0, 14.0 F:11.0, 13.0	NON	P:9.0, 18.0 F:11.0, 13.0
D18S51	NON	M:17.0, 17.0 F:13.0	NON	P:15.0, 16.0 F:13.0
D21S11	OUI	1	NON	P:22.0, 33.2 F:29.0, 32.2
D3S1358	NON	M:16.0, 17.0 F:15.0	NON	P:13.0, 16.0 F:15.0
D5S818	NON	M:11.0, 13.0 F:9.0, 18.0	NON	P:3.0, 12.0 F:9.0, 18.0
D7S820	NON	M:10.0, 13.0 F:14.0, 16.0	NON	P:10.0 F:14.0, 16.0
D8S1179	NON	M:12.0, 11.0 F:13.0, 14.0	OUI	1
FGA	NON	M:22.0, 24.0 F:20.0, 21.0	OUI	1
Penta D	OUI	1	NON	P:9.0, 11.0 F:10.0, 13.0
Penta E	OUI	1	NON	P:16.0, 13.0 F:10.0, 12.0
THO1	OUI	1	NON	P:6.0 F:7.0, 9.0
ТРОХ	OUI	1	NON	P:9.0, 11.0 F:8.0
vWA	NON	M:6.0, 18.0 F:16.0, 17.0	OUI	/

Concordance mère/foetus: NON

Concordance père/foetus: NON

Analyse non réalisée

Marqueurs informatifs non contaminés : Non calculé Marqueurs informatifs contaminés : Non calculé

Moyenne des pourcentages de contamination : Non calculé

Paramètres: Nombre minimum de marqueurs contaminés: 4; Hauteur de pic discriminant un allèle contaminé d'un allèle normal: 42