

Entité d'application : - - SEQUENCEUR

Emetteur: PTBM - -

## DOCUMENT D'ENREGISTREMENT

**V.1** 

Page : 1/1

Feuille de résultats Recherche de contamination maternelle Kit PowerPlex 16 ®



## Étude de la contamination materno-foetale et de la bonne identité des ADN lors de la réalisation d'un diagnostic prénatal à l'aide du kit PowerPlex ® 16 System

Date du run : 2018-02-23 Nom du projet : ex\_contamine Utilisateur : Nom prénom Sexe du fœtus : M N° du fœtus : wwwwGGGGMMM N° de la mère : MMMMMMMMM N° du père : QQQQQmmmGGG

Marqueurs	Contamination materno-fœtale			
	Informativité	Résultat	Pourcentage de contamination	Détails
CSF1PO	Informatif	Contaminé	15.64%	/
D13S317	Informatif	Contaminé	20.63%	/
D16S539	Informatif	Contaminé	5.83%	/
D18S51	Informatif	Contaminé	25.66%	/
D21S11	Informatif	Contaminé	9.7%	/
D3S1358	Informatif	Contaminé	17.64%	/
D5S818	Informatif	Contaminé	20.78%	/
D7S820	Informatif	Contaminé	13.69%	/
D8S1179	Informatif	Contaminé	16.73%	/
FGA	Informatif	Contaminé	18.47%	/
Penta D	Non informatif	/	1	Mère homozygote
Penta E	Informatif	Contaminé	16.88%	/
THO1	Non informatif		1	Mêmes allèles que la mère
TPOX	Informatif	Contaminé	11.68%	1
vWA	Non informatif		1	Mère homozygote

Concordance mère/foetus: OUI Marqueurs informatifs non contaminés : 0 Marqueurs informatifs contaminés : 12

Concordance père/foetus: OUI Moyenne des pourcentages de contamination : 16.11

L'échantillon est contaminé (conclusion automatique)