



CHU
Hôpitaux de
Bordeaux

Entité d'application : - - SEQUENCEUR
Emetteur : PTBM - -

V.1

DOCUMENT D'ENREGISTREMENT

Page : 1/1

Feuille de résultats Recherche de contamination maternelle Kit PowerPlex 16 ®



Étude de la contamination materno-foetale et de la bonne identité des ADN lors de la réalisation d'un diagnostic prénatal à l'aide du kit PowerPlex ® 16 System

Date du run : 2019-01-29 Nom du projet : ex_abs_concord_pere Utilisateur : Nom prénom
Sexe du fœtus : M N° du fœtus : wwwGGGGMMM N° de la mère : MMMMMMMMMMMM N° du père : QQQQQmmmGGG

Marqueurs	Contamination materno-foetale				Concordance des ADN	
	Informativité	Résultat	Contamination	Détails Mère/Fœtus	Père/Fœtus	Détails allèles père et fœtus
CSF1PO	Non informatif	/	/	Echo	NON	P:8.0, 10.0 F:9.0, 11.0
D13S317	Non informatif	/	/	Mêmes allèles que la mère	NON	P:10.0 F:11.0, 12.0
D16S539	Non informatif	/	/	Echo	NON	P:9.0, 12.0 F:11.0, 13.0
D18S51	Informatif	Non contaminé	/	/	NON	P:14.0, 16.0 F:13.0
D21S11	Non informatif	/	/	Mère homozygote	NON	P:28.0, 33.2 F:29.0, 32.2
D3S1358	Informatif	Non contaminé	/	/	NON	P:13.0, 15.0 F:16.0
D5S818	Informatif	Non contaminé	/	/	NON	P:10.0, 12.0 F:9.0, 11.0
D7S820	Non informatif	/	/	Mêmes allèles que la mère	NON	P:9.0 F:10.0, 13.0
D8S1179	Non informatif	/	/	Echo	NON	P:15.0 F:13.0, 14.0
FGA	Informatif	Non contaminé	/	/	NON	P:24.0 F:20.0, 21.0
Penta D	Non informatif	/	/	Mêmes allèles que la mère	NON	P:9.0, 14.0 F:10.0, 13.0
Penta E	Informatif	Non contaminé	/	/	NON	P:11.0, 13.0 F:10.0, 12.0
TH01	Informatif	Non contaminé	/	/	NON	P:8.0 F:6.0, 9.0
TPOX	Non informatif	/	/	Mère homozygote	NON	P:9.0, 11.0 F:8.0
vWA	Informatif	Non contaminé	/	/	NON	P:18.0 F:16.0, 17.0

Concordance mère/foetus: OUI

Marqueurs informatifs non contaminés : 7

Marqueurs informatifs contaminés : 0

Concordance père/foetus: NON

Moyenne des pourcentages de contamination : 0

L'échantillon n'est pas contaminé (conclusion automatique)

Paramètres: Nombre minimum de marqueurs contaminés: 0; Hauteur de pic discriminant un allèle contaminé d'un allèle normal: 42