

Entité d'application : - - SEQUENCEUR

Emetteur: PTBM - -

DOCUMENT D'ENREGISTREMENT

V.1

Page: 1/1

euille de résultats Recherche de contamination maternelle Kit PowerPlex 16 ®



Étude de la contamination materno-foetale et de la bonne identité des ADN lors de la réalisation d'un diagnostic prénatal à l'aide du kit PowerPlex ® 16 System

Date du run : 2018-06-20 Nom du projet : ex_abs_concord_mere Utilisateur : Nom prénom Sexe du fœtus : M N° du fœtus : wwwwGGGGMMM N° de la mère : MMMMMMMMMM N° du père : QQQQmmmGGG

Marqueurs	Concordances des ADN maternels et fœtaux	Détails allèles mère et fœtus
CSF1PO	NON	M:10.0, 13.0 F:12.0
		M:10.0, 12.0
D13S317	NON	F:8.0, 11.0
D16S539	16S539 NON	M:12.0, 14.0
		F:10.0, 13.0
D18S51	NON	M:14.0, 17.0 F:15.0
Double	NON	M:29.0, 31.0
D21S11		F:31.2, 32.0
D3S1358	NON	M:13.0, 15.0
		F:14.0, 16.0
D5S818	NON	M:13.0 F:12.0
D7\$820 NON	M:7.0, 12.0	
D73020	INOIN	F:8.0, 10.0
D8S1179	NON	M:10.0 F:11.0, 12.0
FGA	OUI	F.11.0, 12.0
	NON	M:9.0, 11.0
Penta D		F:8.0, 13.0
Penta E	NON	M:15.0, 18.0
		F:5.0, 14.0, 17.0
THO1	NON	M:6.0, 7.0 F:4.0, 9.0
	TPOX NON	M:8.0, 11.0
TPOX		F:7.0, 9.0
vWA	NON	M:17.0, 15.0
		F:16.0, 18.0

Concordance mère/foetus: NON

Marqueurs informatifs non contaminés : Non calculé Marqueurs informatifs contaminés : Non calculé

Concordance père/foetus: OUI

Moyenne des pourcentages de contamination : Non calculé

Analyse non réalisée