TP systèmes immunitaires artificiels Programmation du problème du voyageur de commerce

1 Le problème du voyageur de commerce

Un voyageur de commerce doit visiter n villes données en passant par chaque ville exactement une fois. Il commence par une ville quelconque et termine en retournant à la ville de départ. Les distances entre les villes sont connues. Quel chemin faut-il choisir afin de minimiser la distance parcourue? La notion de distance peut-être remplacée par d'autres notions comme le temps qu'il met ou l'argent qu'il dépense : dans tous les cas, on parle de coût.



1.1 Algorithmes déterministes

Il existe des algorithmes déterministes permettant de trouver la solution optimale pour n villes, mais la complexité de ces algorithmes est de l'ordre de O(n!). Ces algorithmes sont très gourmands en puissance de calcul. Par exemple, il a faut plus d'une journée à un puissant super-calculateur pour trouver la solution optimale pour 2392 villes.

1.2 Algorithmes d'approximation

Les algorithmes d'approximation permettent de trouver une solution dont le coût est proche du coût de la solution optimale. Ils ont l'avantage de permettre en un temps raisonnable de trouver une solution. De ce fait, ils ne sont à utiliser que dans les cas où une solution aprochée est acceptable.

Il existe de nombreux algorithmes d'approximation pour résoudre le problème du voyageur de commerce. Ainsi, il existe des méthodes utilisant les algorithmes génétiques, le recuit simulé, les colonies de fourmis, ... et les systèmes immunitaires artificiels.

Nous nous proposons ici de programmer une résolution du problème du voyageur de commerce à l'aide d'un système immunitaire artificiel utilisant l'algorithme par sélection clonale.

2 Structure de données proposée

Ville Ville		
2 ints : coordonnées dans le plan		
Carte		
tableau de villes (NBVILLES cases)		
nbVilles (NBVILLES)		
Remarque : case i <=> ville no i (les indices commencent à 0)		
Anticorps		
parcours : tableau d'indices de villes (NBVILLES cases)		
nbVilles (NBVILLES)		
coût		
Ex: 4 1 0 3		
→ Représente la ville no 1		
individus clones		
TAILLEPOP NBCLONES avec TAILLEPOP * N% nbClones Population		
tableau de pointeurs sur anticorps (taille du tableau : TAILLEPOP + NBCLONES)		

3 Travail à effectuer

Un squelette de programme est donné. Il comporte les fichiers .h/.c suivants :

- geo.h/geo.c : gestion de la géographie, c'est-à-dire des villes et de la carte.
- anticorps.h/anticorps.c : gestion des anticorps.
- population.h/population.c : gestion de la population.
- ais.c : le programme principal avec la déclaration de la carte et de la population.
 On trouve aussi la boucle d'itérations (générations).

- params.h: fichier de configuration où l'on trouve le nombre de villes (NBVILLES).
 On trouve également dans ce fichier des valeurs par défaut de certains paramètres:
 - ♦ TAILLEPOP : taille de la population (sans les clones)
 - \diamond ${\tt N}$: lors de la sélection des meilleurs individus pour le clonage, ${\tt N}$ représente le % de la population considérée.
 - \Longrightarrow NBCLONES
 - $\diamond~D$: lors de l'injection de nouveaux individus, D représente le % de la population remplacée.
 - \Longrightarrow NBNOUVEAUX
 - ♦ NBGENERATIONS, le nombre de générations (le nombre de tours de boucle!).
 - NBGENERATIONSINJECTION, le nombre de tours de boucle après lequel il faut faire une injection de sang frais (injection de nouveaux individus).

Remarque:

les valeurs (par défaut) de TAILLEPOP, N, D, NBGENERATIONS et NBGENERATIONSINJECTION peuvent être remplacées par les valeurs des arguments passés au niveau de la ligne de commande.

Ainsi, si on a dans params.h:

#define	TAILLEPOP	100
#define	N	50
#define	D	20
#define	NBGENERATIONS	100
#define	NBGENERATIONSINJECTION	20

Exemples de lancement du programme ais:

```
$ ais
TAILLEPOP=100
N=50 => nbClones=50
D=20 => nbNouveaux=20
NBGENERATIONS=100
NBGENERATIONSINJECTION=20
...
$ ais 300 80 20 500 30
TAILLEPOP=300
N=80 => nbClones=240
D=20 => nbNouveaux=60
NBGENERATIONSINJECTION=30
...
$
```

- random.h/random.c: quelques fonctions pour la génération de nombres aléatoires.
- gnuplot.h/gnuplot.c : quelques fonctions pour envoyer des ordres d'affichage à gnuplot.

3.1 Compléter le code de certaines fonctions

Les codes de certaines fonctions clés de l'algorithme ne sont pas donnés. Ainsi, il faut compléter :

- muteAc; dans le fichier anticorps.c
- mutationClones, selectionMeilleursEtClonesMutes, remplacementMoinsBons et mutationMonBons ; dans le fichier population.c
- la boucle d'itération dans le main ; dans le fichier ais.c

3.2 Evaluation de l'influence des paramètres

Avec votre programme (ou avec les exécutables ais8, ais16 et ais30), évaluer l'influence des différents paramètres (nombre d'individus, nombre de générations, etc...).

3.3 Rédaction d'un compte rendu + Fichiers

Un compte rendu de votre travail devra être rendu. Il faudra également rendre le code informatique de votre travail.

Pour créer une archive d'un répertoire REP :