МИНОБРНАУКИ РОССИИ САНКТ-ПЕТЕРБУРГСКИЙ ГОСУДАРСТВЕННЫЙ ЭЛЕКТРОТЕХНИЧЕСКИЙ УНИВЕРСИТЕТ «ЛЭТИ» ИМ. В.И. УЛЬЯНОВА (ЛЕНИНА)

Кафедра МОЭВМ

ОТЧЕТ

по учебной практической работе

Тема: Генетические алгоритмы

	Самойлов З. А. Кирильцев Д. А. Березовская В. В
Студенты гр. 0381	Соколов Д. В.
Преподаватель	Жангиров Т. Р.

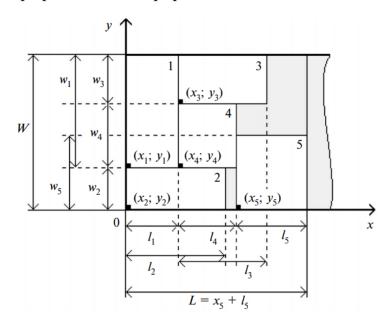
Санкт-Петербург

Задание:

Задача раскроя

Дана полубесконечная лента ткани фиксированный ширины, из нее необходимо вырезать прямоугольные участки ткани заданных размеров. Необходимо разместить прямоугольники таким образом, чтобы минимизировать длину используемой ленты и количество отходов.

Графическая интерпретация:

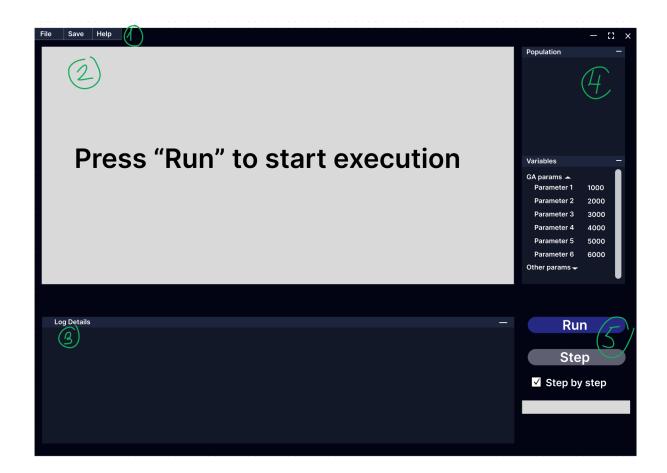


Входные данные:

- Ширина ленты W
- Количество прямоугольников и их размеры 1 и w

GUI

Скетч GUI, который планируется реализовать, можно детально рассмотреть на **figma**. В представленной схеме(находится на figma или можно найти на github в папке design) продемонстрировано поэтапное использование разработанного приложения, ниже подробно разобраны все компоненты GUI.



1. **Menu bar** — меню, состоящее из кнопок **file, save, help.** Первая позволяет создать новый или загрузить в программу файл, из которого будут считываться входные данные, вторая — сохранить результат работы, третья — выводит инструкцию по использованию приложения. Взаимодействие с данными объектами происходит по нажатию ЛКМ, после чего выпадает, например, список действий.



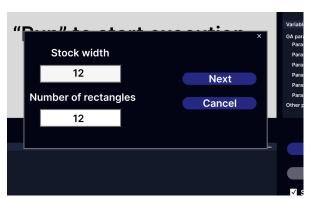
- 2. Блок демонстрации работы алгоритма.
- 3. Окно, выводящее текстовые логи с пояснениями к ГА.

4. Блок **Population** с одновременным отображением особей популяции с выделением лучшей особи зелёным цветом, блок **Variables** — параметры, при которых в данный момент работает алгоритм.



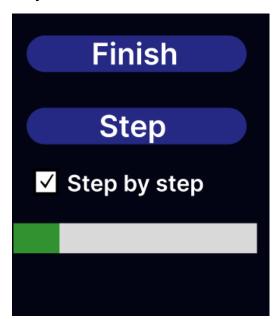
5. Кнопки **Run**, **Step** и индикатор выполнения.

По нажатию кнопки запуска во всплывающем окне запрашиваются входные данные у пользователя, если они не были загружены через файл.





Затем можно запросить у программы самостоятельное выполнение поэтапно, если поставить галочку в **Step by step**, либо самостоятельно с помощью кнопки **Step** проделать это. Также есть возможность перейти сразу к завершению работы программы, нажав **Finish**(после запуска кнопка **Run** меняется на **Finish**)



Генетический алгоритм

Нами было выбрано четыре генетических алгоритмов:

- 1. Канонический ГА
- 2. Genitor
- 3. Модель миграции
- 4. Модель диффузии (Островная модель)

Данный набор алгоритмов был выбран для дальнейшего сравнения и определения лучшего для решения задачи 2DCSP.

Канонический алгоритм, несмотря на свою простоту, предоставляет очень большую базу для модификаций, позволяя настраивать свои параметры в зависимости от полученных экспериментальных данных.

Genitor предлагает решение, которое на алгоритмическом уровне отличается от канонической модели, поэтому представляет собой интерес сравнение двух видов ГА между собой.

Migration model и Island model позволяют ускорить вычисления за счет распараллеливания операторов ГА и обработки более маленьких популяций одновременно, поэтому было бы интересно выяснить поможет ли нам такой подход быстрее решить 2DCSP или однопоточных алгоритмов будет достаточно.

Представление особи - список индексов прямоугольников по порядку их раскроя на ленте (декодирования) слева направо.

Используемые метрики качества:

- 1. Время сходимости. (в поколениях)
- 2. Площадь обрезков

Особенности мутации и кроссинговера:

- 1) Канонический алгоритм
 - а) Одноточечная мутация.
 - b) Одноточечный кроссинговер.
- 2) Genitor
 - а) Мутация для вещественных особей.
 - b) Промежуточная рекомбинация (Intermediate recombination)
- 3) Island model
 - a) Canonical island (Типы мутаций и кроссинговера на острове идентичны пункту 1)
 - b) Genitor island (Типы мутаций и кроссинговера на острове идентичны пункту 2)
- 4) Migration model
 - a) За основу взят Genitor. (Типы мутаций и кроссинговера на острове идентичны пункту 2)

Архитектура программы