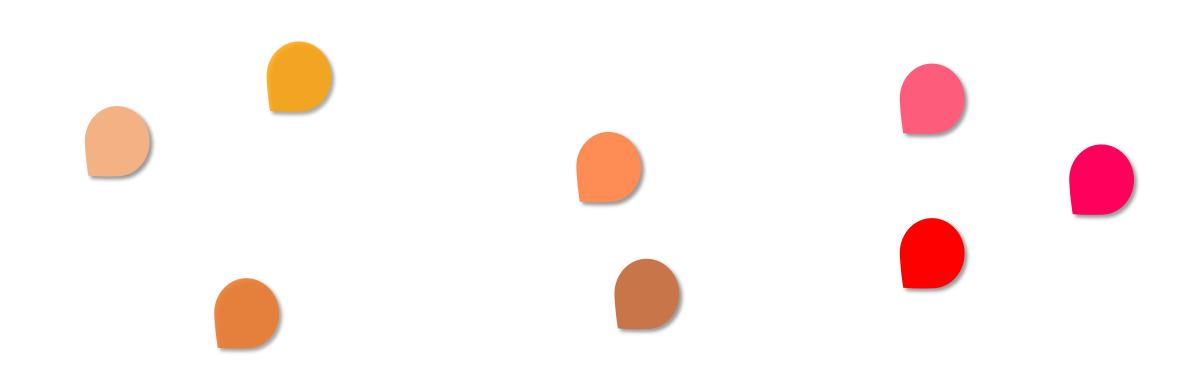
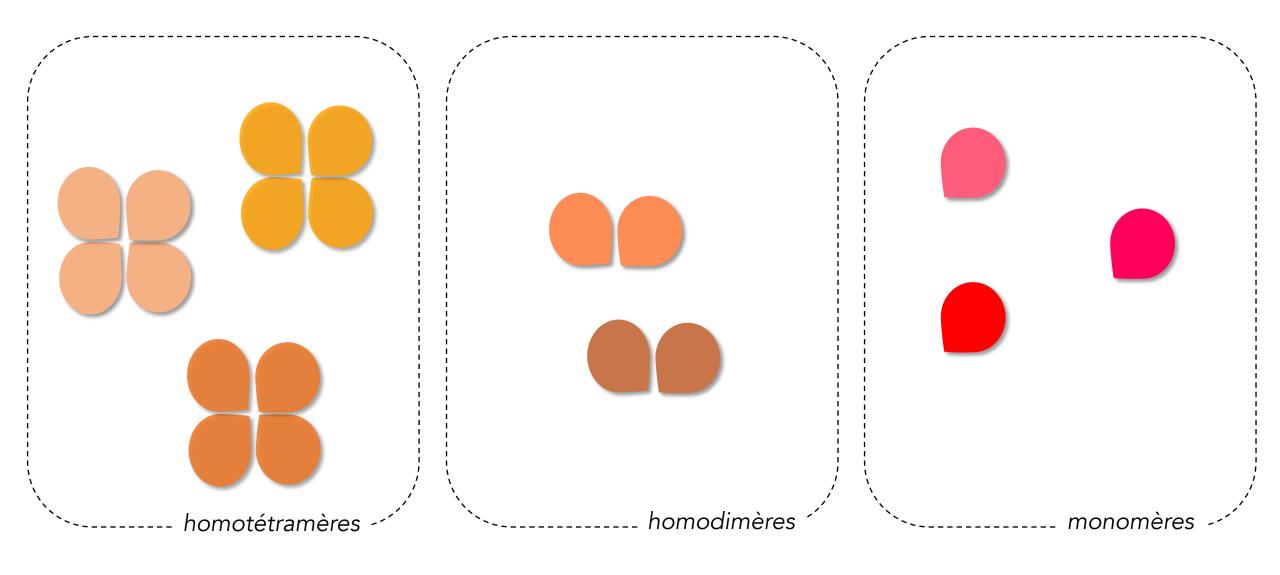
Projet Homodimères/Homotétramères

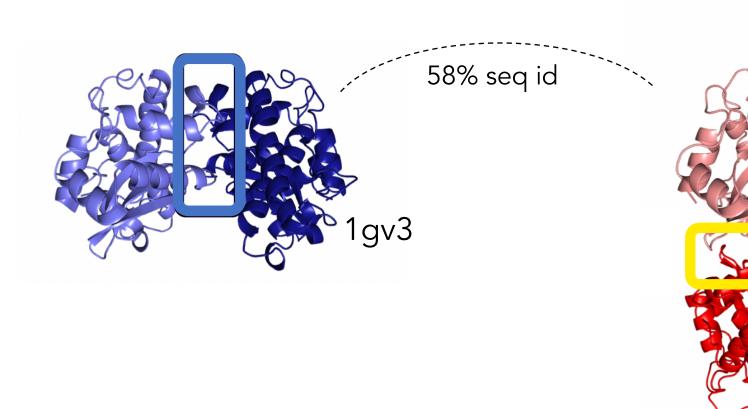
BISII 2021



Evolution des homodimères et homotétramères



Des protéines homologues peuvent avoir des structures quaternaires différentes



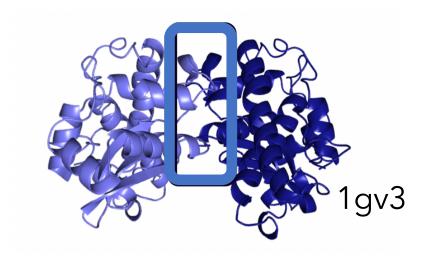
3mds

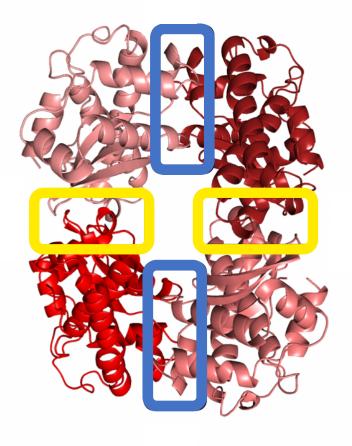
# Homodimères:

- 2 sous-unités identiques
- 1 interface

## Homotétramères:

- 4 sous-unités identiques
- 2 types d'interfaces

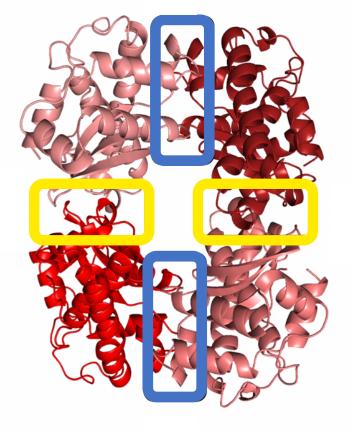




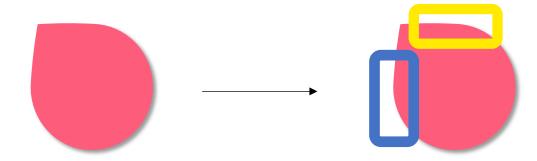
3mds

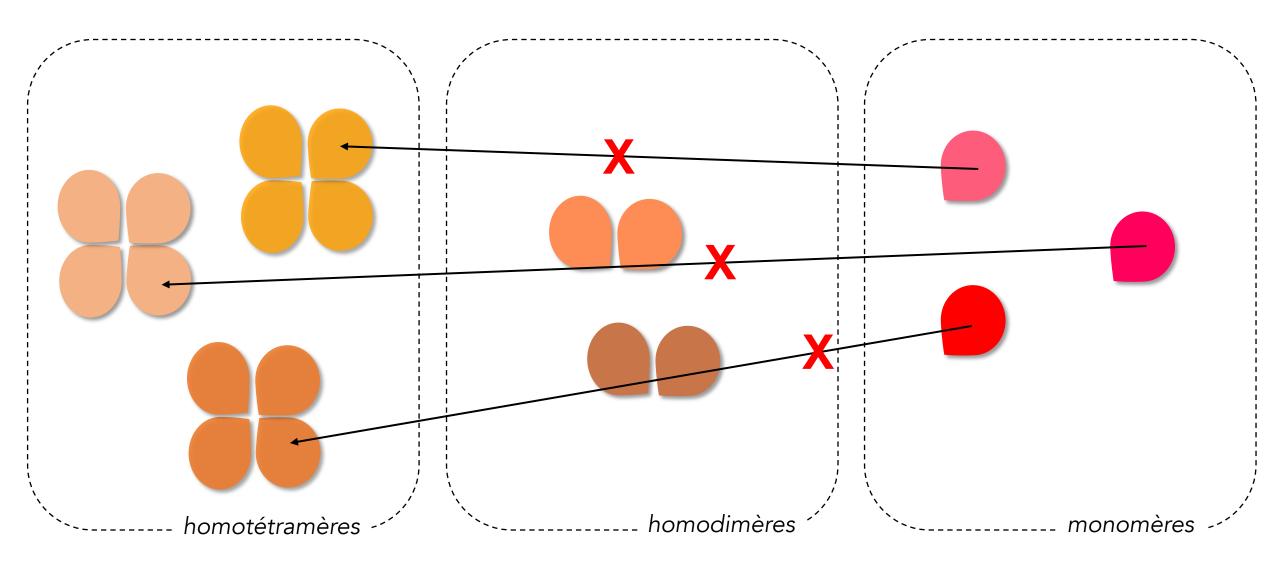




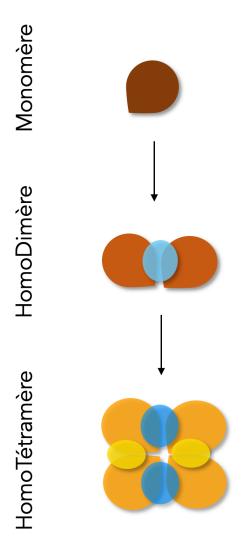


3mds

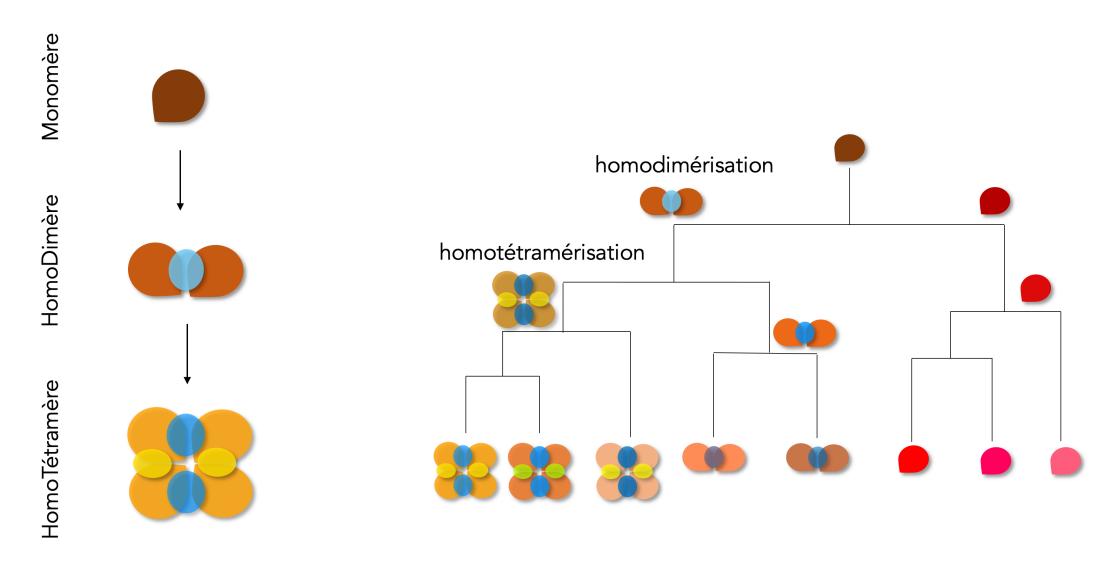




Passage direct Monomère -> Tétramère semble peu probable



Apparition des homotétramères en 2 étapes (à partir du modèle proposé par Levy et al, 2008)



Apparition des homotétramères en 2 étapes (à partir du modèle proposé par Levy et al, 2008)

#### Vous:

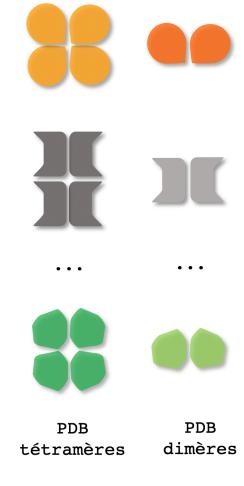
- Comparer les propriétés (structurales, évolutives) des interfaces ancestrales VS récentes
- Présenter vos analyses et résultats afin caractériser les déterminants structuraux de ces différents types d'interfaces ainsi que leurs propriétés évolutives

#### Vous:

- Comparer les propriétés (structurales, évolutives) des interfaces ancestrales VS récentes
- Présenter vos analyses et résultats afin caractériser les déterminants structuraux de ces différents types d'interfaces ainsi que leurs propriétés évolutives

### Nous:

- Fichiers PDB d'une dizaine de de couples dimères/tétramères

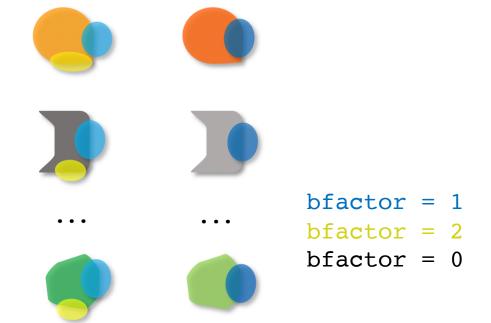


#### Vous:

- Comparer les propriétés (structurales, évolutives) des interfaces ancestrales VS récentes
- Présenter vos analyses et résultats afin caractériser les déterminants structuraux de ces différents types d'interfaces ainsi que leurs propriétés évolutives

### Nous:

- Fichiers PDB d'une dizaine de de couples dimères/tétramères
- Fichiers PDB avec interfaces annotées « ancestrales » ou « récentes » dans le bfactor



interfaces
ancestrales
+ récentes

interfaces
ancestrales

#### Vous:

- Comparer les propriétés (structurales, évolutives) des interfaces ancestrales VS récentes
- Présenter vos analyses et résultats afin caractériser les déterminants structuraux de ces différents types d'interfaces ainsi que leurs propriétés évolutives

### Nous:

- Fichiers PDB d'une dizaine de de couples dimères/tétramères
- Fichiers PDB avec interfaces annotées « ancestrales » ou « récentes » dans le bfactor
- Sessions Pymol avec dimères et tétramères alignés

