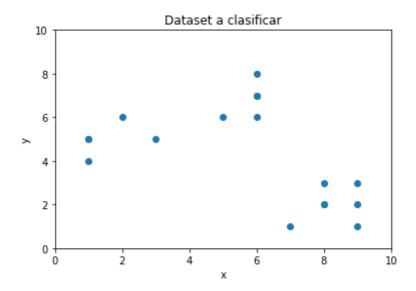
El método del codo y el factor de la silueta del clustering

```
In [3]:
          import pandas as pd
          import numpy as np
          import matplotlib.pyplot as plt
          from sklearn.cluster import KMeans
          from sklearn import metrics
          from scipy.spatial.distance import cdist
          from sklearn.metrics import silhouette_samples, silhouette_score
          import multiprocessing as mp
          import os
 In [6]:
          mp.cpu_count()
 Out[6]:
 In [7]:
          os.environ['OMP_NUM_THREADS']='1.0'
 In [8]:
          mp.cpu_count()
 Out[8]:
 In [9]:
          x1 = np.array([3,1,1,2,1,6,6,6,5,6,7,8,9,8,9,9,8])
          x2 = np.array([5,4,5,6,5,8,6,7,6,7,1,2,1,2,3,2,3])
          X = np.array(list(zip(x1,x2))).reshape(len(x1),2)
In [10]:
         array([[3, 5],
Out[10]:
                 [1, 4],
                 [1, 5],
                 [2, 6],
                 [1, 5],
                 [6, 8],
                 [6, 6],
                 [6, 7],
                 [5, 6],
                 [6, 7],
                 [7, 1],
                 [8, 2],
                 [9, 1],
                 [8, 2],
                 [9, 3],
                 [9, 2],
                 [8, 3]])
In [11]:
          plt.plot()
          plt.xlim([0,10])
          plt.ylim([0,10])
          plt.title("Dataset a clasificar")
          plt.xlabel("x")
          plt.ylabel("y")
          plt.scatter(x1, x2) #El x1 es el eje X y el x2 es el eje y
          plt.show()
```



```
In [26]:
          max k = 10 ##máximo número de clusters que vamos a crear
          K = range(1, max_k)
          color_palette = [plt.cm.nipy_spectral(float(i)/max_k) for i in K]
          print(color_palette[:])
          print(color_palette[0])
         [(0.5306882352941177, 0.0, 0.5973843137254902, 1.0), (0.0, 0.0, 0.8667, 1.0), (0.0, 0.5947725)
         490196079, 0.8667, 1.0), (0.0, 0.6667, 0.5333, 1.0), (0.0, 0.7385313725490196, 0.0, 1.0), (0.
         0, 1.0, 0.0, 1.0), (0.9359156862745098, 0.9280725490196079, 0.0, 1.0), (1.0, 0.6, 0.0, 1.0),
         (0.8640843137254902, 0.0, 0.0, 1.0)]
         (0.5306882352941177, 0.0, 0.5973843137254902, 1.0)
In [27]:
          centroid = [sum(X)/len(X) for i in K]
          print(centroid)
          [array([5.58823529, 4.29411765]), array([5.58823529, 4.29411765]), array([5.58823529, 4.29411
         765]), array([5.58823529, 4.29411765]), array([5.58823529, 4.29411765]), array([5.58823529,
         4.29411765]), array([5.58823529, 4.29411765]), array([5.58823529, 4.29411765]), array([5.5882
         3529, 4.29411765])]
In [14]:
          sst = sum(np.min(cdist(X, centroid, "euclidean"), axis=1))
          print(sst)
         58.78095505364269
In [29]:
          for k in range(1,10):
              kmeanModel = KMeans(n_clusters=k).fit(X)
              centers = pd.DataFrame(kmeanModel.cluster_centers_)
              labels = kmeanModel.labels
              print(kmeanModel), print(labels)
          print(centers)
         C:\ProgramData\Anaconda3\lib\site-packages\sklearn\cluster\_kmeans.py:881: UserWarning: KMean
         s is known to have a memory leak on Windows with MKL, when there are less chunks than availab
         le threads. You can avoid it by setting the environment variable OMP_NUM_THREADS=1.
           warnings.warn(
         KMeans(n_clusters=1)
         KMeans(n_clusters=2)
         [0\ 0\ 0\ 0\ 0\ 0\ 0\ 0\ 0\ 1\ 1\ 1\ 1\ 1\ 1\ 1]
         KMeans(n_clusters=3)
         [0\ 0\ 0\ 0\ 0\ 2\ 2\ 2\ 2\ 2\ 1\ 1\ 1\ 1\ 1\ 1]
         KMeans(n_clusters=4)
         [1 3 3 1 3 2 2 2 2 2 0 0 0 0 0 0 0]
         KMeans(n_clusters=5)
```

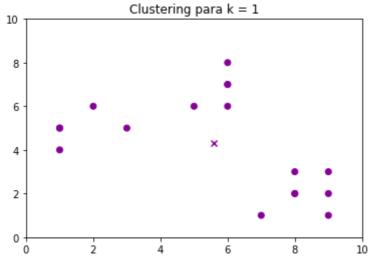
```
[0 3 3 0 3 2 2 2 2 2 4 5 5 5 1 5 1]
         KMeans(n_clusters=7)
         [5 2 2 5 2 4 1 4 1 4 0 3 6 3 3 6 3]
         KMeans()
         [6 2 2 7 2 0 3 0 3 0 5 5 4 5 1 4 1]
         KMeans(n clusters=9)
         [4 1 1 7 1 0 3 0 3 0 8 2 6 2 5 6 5]
         0 6.0 7.333333
         1 1.0 4.666667
         2 8.0 2.000000
         3 5.5 6.000000
         4 3.0 5.000000
         5 8.5 3.000000
         6 9.0 1.500000
         7 2.0 6.000000
         8 7.0 1.000000
In [30]:
          print(labels)
         [4 1 1 7 1 0 3 0 3 0 8 2 6 2 5 6 5]
In [32]:
          max_k = 10 ##máximo número de clusters que vamos a crear
          K = range(1, max_k)
          ssw = [] ## Suma de los cuadrados internos
          color_palette = [plt.cm.nipy_spectral(float(i)/max_k) for i in K]#Color Manager
          centroid = [sum(X)/len(X) for i in K] #El centroide de siempre replicado tantas veces como K
          sst = sum(np.min(cdist(X, centroid, "euclidean"), axis=1))#Calcula la distancia entre
          #cada uno de los puntos del data set y el centroide por filas, axis = 1.
          for k in K:
              kmeanModel = KMeans(n clusters=k).fit(X)
              centers = pd.DataFrame(kmeanModel.cluster_centers_)
              labels = kmeanModel.labels #Habrá tantos labels como puntos en el df.
              #Entonces cada punto tendrá un color, este es el array de colores pra cada punto.
              #Medir la distancia cada elemento a varicentro
              ssw_k = sum(np.min(cdist(X, kmeanModel.cluster_centers_, "euclidean"), axis=1))
              ssw.append(ssw k)
              label_color = [color_palette[i] for i in labels]
              #Labels son las etiquetas de los clústers, por ende, funciona como el
              #índice dentro del array de paleta de colores color palette
              ##Fabricaremos una silueta para cada cluster
              ## Por seguridad, no hacemos silueta si k=1 o k=len(X)
              if 1<k<len(X):</pre>
                  ##Crear un sublot de una fila y dos columnas
                  ##Silueta de un lado y segmentación del cluster por otro
                  fig, (axis1, axis2) = plt.subplots(1,2)#Filas y columnas
                  fig.set_size_inches(20,8)#Tamaño del plor golbal
                  #El primer subplot contendrá la silueta, que puede tener valores desde  -1 a 1
                  #En nuestro caso, ya controlamos que los valores están entre -0.1 y 1
                  axis1.set_xlim([-0.1,1.0])
                  #El número de clusters a insertar determinará el tamaño de cada barra
                  #El coeficiente de (n clusters+1)*10 será el espacio en blanco que dejaremos
                  #entre siluetas individuales de cada cluster para separarlas.
                  sep = 10 #10 es el factor de separación
                  axis1.set_ylim([0, len(X)+(k+1)*sep])
                  silhouette_avg = silhouette_score(X, labels)#Coeficiente de silueta
                  #Recordar que los labels van cambiando por cada K, van naciendo
                  #nuevos clusters y por ende nuevos labels y nuevos socres.
```

[1 4 4 1 4 2 2 2 2 2 3 3 3 3 0 0 0]

KMeans(n_clusters=6)

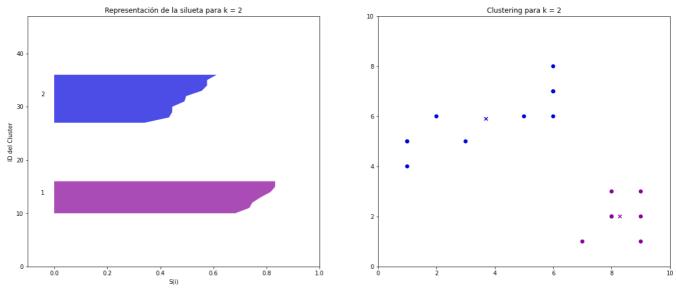
```
#La función score no funciona para K=1 o k=len(X)
    print("* Para k = ", k, " el promedio de la silueta es de: ", silhouette_avg)
    sample silhouette values = silhouette samples(X,labels) #Calucla las siluetas,
    #0JO, calcula por cada vez que k avanza las siluetas que se forman, MUY IMPORTANTE
    y_lower = sep
    for i in range(k): #Este for va a ir incrementandosé en cantidad
        #cada vez que k incremente en uno. O sea que va a ejecutarse
        #tantas veces como clústers se vayan creando por iteración.
        #Agregamos la silueta del cluster i-ésimo
        ith_cluster_sv = sample_silhouette_values[labels == i]
        #Labels: array de índices que indica qué elementos del dataset corresponden
        #a cada clúster, se modifica por el for anterior, que es el que se incrementa
        #cada vez que k aumenta, y el for de i recorre rango de k entonces
        #para cada valor de label que sea igual a i tenemos un clúster.
        print(" - Para i= ", i+1, " la silueta del cluster vale: ", np.mean(ith_cluster)
        #Ordenamos descendientemente las siluetas del cluster i-ésimo.
        ith_cluster_sv.sort()
        #Calculamos donde colocar la primera silueta en el eje vertical
        ith_cluster_size = ith_cluster_sv.shape[0] #N° filas del cluster
        y_upper = y_lower + ith_cluster_size #Irá cambiando por cada cluster
        #Elegimos el color del cluster
        color = color_palette[i]
        #Construimos las figuras, con el rango y_lower e y_upper,
        #luego con las yies desde 0 hasta ith cluster sv, el color
        #i-ésimo y finalmente una transparencia de alpha = 0.7
        axis1.fill_betweenx(np.arange(y_lower, y_upper),
                          0, ith_cluster_sv, facecolor = color, alpha = 0.7)
        #Etiquetamos dicho cluster con el número en el centro,
        #los primeros tres parámetros antes de str son para ajustar el texto
        axis1.text(-0.05, y_lower + 0.5 * ith_cluster_size, str(i+1))
        #Calculamos el nuevo y_lower para el siguiente cluster del gráfico
        y_lower = y_upper + sep #dejamos vacías 10 posiciones sin muestra
    axis1.set_title("Representación de la silueta para k = %s" %str(k))
    axis1.set xlabel("S(i)")
    axis1.set_ylabel("ID del Cluster")
    ##Fin de la representación de la silueta
##Plot de los k-means con los puntos respectivos.
## Recordar que seguimos dentro del for principal para cada k
plt.plot()
plt.xlim([0,10])
plt.ylim([0,10])
plt.title("Clustering para k = %s" %str(k))
plt.scatter(x1, x2, c=label_color)
#Pintamos los varicentros con centers[0] para las X y centers[1] para las Y
plt.scatter(centers[0], centers[1], c=color_palette[0:k], marker = "x")
plt.show()
```

C:\ProgramData\Anaconda3\lib\site-packages\sklearn\cluster_kmeans.py:881: UserWarning: KMean s is known to have a memory leak on Windows with MKL, when there are less chunks than availab le threads. You can avoid it by setting the environment variable OMP_NUM_THREADS=1. warnings.warn(



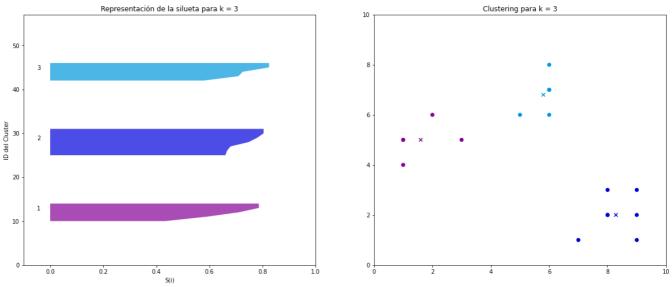
* Para k = 2 el promedio de la silueta es de: 0.6113424368705715

- Para i= 1 la silueta del cluster vale: 0.7746251901389686
- Para i= 2 la silueta del cluster vale: 0.49704450958269375



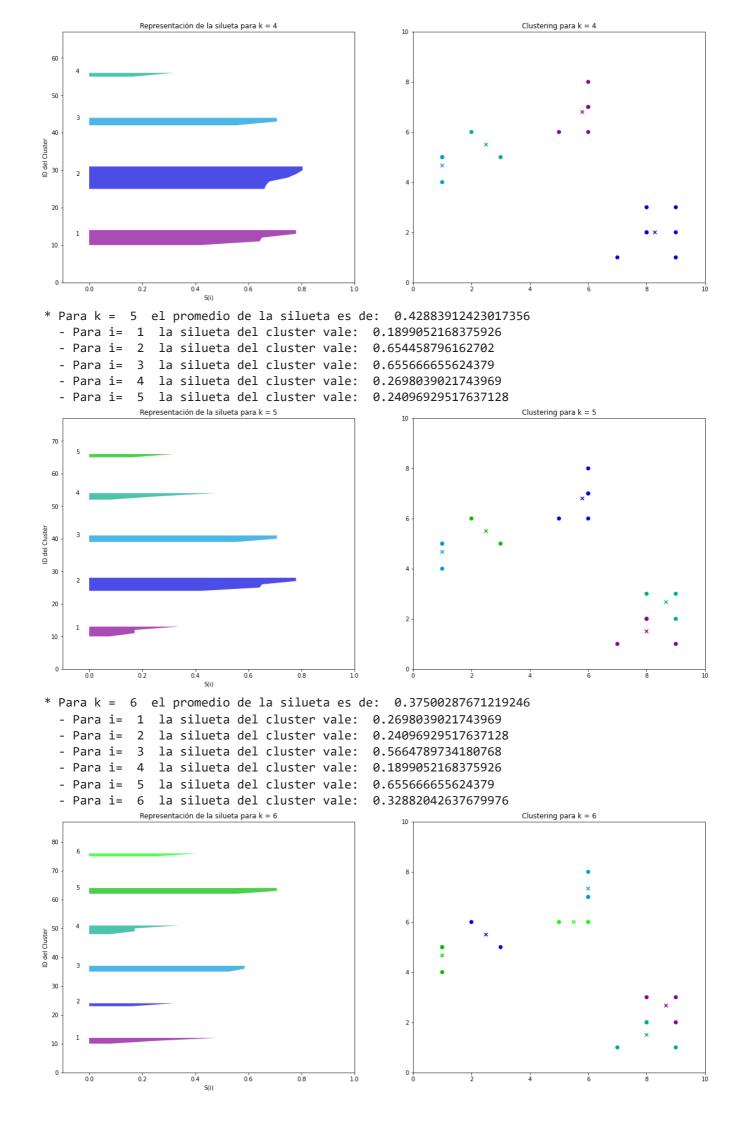
* Para k = 3 el promedio de la silueta es de: 0.7122079383287169

- Para i= 1 la silueta del cluster vale: 0.6609508863896014
- Para i= 2 la silueta del cluster vale: 0.7345257364682265
- Para i= 3 la silueta del cluster vale: 0.7322200728725188



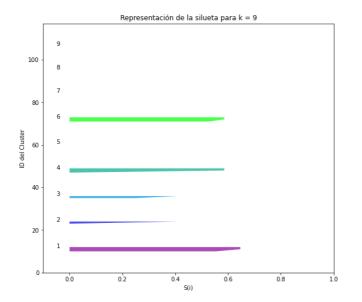
* Para k = 4 el promedio de la silueta es de: 0.6389948643127632

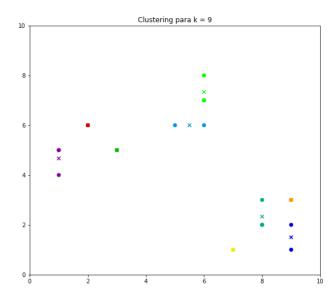
- Para i= 1 la silueta del cluster vale: 0.654458796162702
- Para i= 2 la silueta del cluster vale: 0.7345257364682265
- Para i= 3 la silueta del cluster vale: 0.655666655624379
- Para i= 4 la silueta del cluster vale: 0.24096929517637128



```
* Para k = 7 el promedio de la silueta es de: 0.37055812537654054
  - Para i= 1 la silueta del cluster vale: 0.655666655624379
  - Para i= 2 la silueta del cluster vale: 0.14773975649110374
  - Para i= 3 la silueta del cluster vale: 0.5664789734180768
  - Para i= 4 la silueta del cluster vale: 0.0
  - Para i= 5 la silueta del cluster vale: 0.350084177231389
  - Para i= 6 la silueta del cluster vale: 0.24096929517637128
  - Para i= 7 la silueta del cluster vale: 0.32882042637679976
             Representación de la silueta para k = 7
                                                                    Clustering para k = 7
 60
 20
* Para k = 8 el promedio de la silueta es de: 0.37560176813183055
  - Para i= 1 la silueta del cluster vale: 0.24096929517637128
  - Para i= 2 la silueta del cluster vale: 0.20382042637679978
  - Para i=
             3 la silueta del cluster vale: 0.5664789734180768
  - Para i= 4 la silueta del cluster vale: 0.655666655624379
  - Para i= 5 la silueta del cluster vale: 0.39052429175126996
  - Para i= 6 la silueta del cluster vale: 0.0
  - Para i= 7 la silueta del cluster vale:
                                              0.32882042637679976
    Para i= 8 la silueta del cluster vale:
                                              0.0
              Representación de la silueta para k=8
                                                                    Clustering para k = 8
 80
ID del Cluster
 20
                                    0.8
* Para k = 9 el promedio de la silueta es de: 0.34011594848992555
  - Para i= 1 la silueta del cluster vale: 0.6152265411044983
  - Para i= 2 la silueta del cluster vale: 0.20382042637679978
  - Para i= 3 la silueta del cluster vale: 0.32882042637679976
  - Para i= 4 la silueta del cluster vale: 0.39052429175126996
  - Para i= 5 la silueta del cluster vale: 0.0
  - Para i= 6 la silueta del cluster vale: 0.5664789734180768
  - Para i= 7
                la silueta del cluster vale: 0.0
  - Para i= 8 la silueta del cluster vale: 0.0
```

- Para i= 9 la silueta del cluster vale: 0.0





```
In [68]: #Representación del codo
  plt.plot(K, ssw, "ro-")
  plt.xlabel("k")
  plt.ylabel("SSw(k)")
  plt.title("La técnica del codo para encontrar el k óptimo")
  plt.show()
```

```
La técnica del codo para encontrar el k óptimo

60

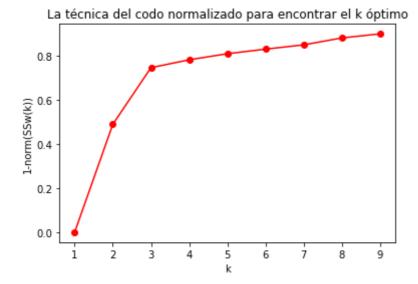
40

20

10

1 2 3 4 5 6 7 8 9
```

```
In [67]:
#Representación del codo normalizado
plt.plot(K, 1-ssw/sst, "ro-")
plt.xlabel("k")
plt.ylabel("1-norm(SSw(k))")
plt.title("La técnica del codo normalizado para encontrar el k óptimo")
plt.show()
```



El k óptimo es igual a 3, donde el clústering deja de ser súper creciente para achatarse y pasar a crecer paulatinamente.

In []:	