Codebuch Fragebogendefinition

Fallverwaltung Modellvorhaben Genomsequenzierung Extern (PID: 423)

10.10.2024 16:59

Fragebögen		
Fragebogen	Fragebogenname	
Id	id	
Netzwerk	netzwerk	
Status	status	
Pruefbericht	pruefbericht	
Fallnummer	fallnummer	

#	Variable / Feldname	Label Hinweistext	Feld Attribute (Feld-Typ, Prüfung, Auswahlen, Verzweigungslogik, Berechnungen, usw.)
Frageb	ogen: Id (id)		
1	[record_id]	ID	text
2	[pat_id]	SAP-ID	text, Required Feldannotierung: # ID des Patienten im Primärsystem (wird automatisch importiert) @READONLY
3	[fallnummern_desc]	Fallnummern	descriptive Feldannotierung: @INSTANCETABLE=fallnummer @INSTANCETABLE_VARLIST=case_id @INSTANCETABLE_HIDEINSTANCECOL @INSTANCETABLE_ADDBTNLABEL='Ne
4	[kvnr]	Abschnittsüberschrift: Krankenversichertennummer	text, Required
		KVNR unveränderbarer Teil	
5	[id_complete]	Abschnittsüberschrift: Form Status Complete?	dropdown 0 Incomplete 1 Unverified 2 Complete
Frageb	ogen: Netzwerk (r	1	
6	[network]	Netzwerk	dropdown 1 UKT-2024-ZE1-2973 2 UKT-2024-IM1-2975 3 UKT-2024-IM1-2976 4 UKT-2024-IM1-2977 5 UKT-2024-AH3-2971 6 UKT-2024-AH3-2972 7 UKT-2024-AH3-2974

1 von 5 10.10.2024, 16:59

				8 ohne Zuordnung 9 UKT-2023-IM1-2739 10 UKT-2017-NE6-2572 Feldannotierung: // Liste der internen Bezeichungen der Netzwerke, bitte anpassen!
	7	[network_title]	Netzwerk Titel	text Feldannotierung: // Anzeige der Bezeichnungen der Netzwerke auf Grundlage des Codes des Netzwerks @CALCTEXT(if([network]='1', 'Netzwerk Seltene Erkrankungen', if([network]='2', 'Deutsches Netzwerk für Personalisierte Medizin', if([network]='3', 'Nationales Centrum für Tumorerkrankungen / Deutsches Krebskonsortium', if([network]='4', 'Nationales Netzwerk für genomische Medizin', if([network]='5', 'Deutsches Konsortium Familiärer Brust- und Eierstockkrebs', if([network]='6', 'Deutsches Konsortium für Familiären Darmkrebs', if([network]='7', 'Netzwerk Erbliche Tumorerkrankungen', ''))))))))))
	8	[department]	Abteilung	dropdown 1 IM1 2 AH3 3 ZE1 Feldannotierung: // interne Bezeichnung der Abteilung, bitte anpassen!
	9	<pre>[netzwerk_complet e]</pre>	Abschnittsüberschrift: Form Status Complete?	dropdown 0 Incomplete 1 Unverified 2 Complete
Frag	gebo	ogen: Status (stat	ıs)	
	10	[status_study]	Status Studienteilnahme	dropdown, Required 0 Keine Angabe 1 Vorgemerkt 2 Rekrutiert 3 Aktiv 4 Unterbrochen 5 Abgebrochen

2 von 5

			
			6 Abgeschlossen 7 Follow-Up
11	[start_study_date]	Beginn Studienbehandlung	text (date_dmy)
12	[end_study_date]	Ende Studienbehandlung	text (date_dmy)
13	[bc_date]	Abschnittsüberschrift: Broad Consent / Teilnahmeerklärung Broad Consent vorgelegt am:	text (date_dmy) Feldannotierung: wird manuell eingetragen
14	[particip_4]	4. Erklärung zur Teilnahme am Modellvorhaben und Zustimmung zur Genomsequenzierung	dropdown, Required 1 ja 0 nein Feldannotierung: # Infos aus Teilnahmeerklärung Frage 4 (Import aus PMD UKBGENOM) @READONLY
15	[particip_4_1]	4.1 Einwilligung zur Fallidentifizierung zum fachlichen Austausch unter Behandlern	dropdown, Required 1 ja 0 nein Feldannotierung: # Infos aus Teilnahmeerklärung Frage 4.1 (Import aus PMD UKBGENOM) @READONLY
16	[particip_4_2]	4.2 Einwilligung zur Re-Identifizierung Ihrer Daten und zur Kontaktaufnahme bei einem Befund in der Forschung	dropdown, Required 1 ja 0 nein Feldannotierung: # Infos aus Teilnahmeerklärung Frage 4.2 (Import aus PMD UKBGENOM) @READONLY
17	[seq_mode]	Abschnittsüberschrift: Sequenzierung Sequenzierungsart	dropdown 0 Keine 1 WGS 2 WES 3 Panel
18	[seq_state]	Status der Sequenzierung	dropdown 1 angemeldet 2 gestartet 3 abgeschlossen 4 abgebrochen
19	<pre>[sample_dispatch_d ate] Zeige das Feld nur wenn:</pre>	Datum Versand Anforderung und Blutprobe	text (date_dmy)

3 von 5 10.10.2024, 16:59

	[seq_state] > 0		
2	[sample_arrival_da te] Zeige das Feld nur wenn:	Datum Probeneingang	text (date_dmy)
	[seq_state] > 1		
2	Zeige das Feld nur wenn: [seq_state] > 2	Datum Genetischer Befund	text (date_dmy)
2	<pre>Zeige das Feld nur wenn: [seq_state] > 3</pre>	Datum Abgebrochen	text (date_dmy)
2	[case_state]	Abschnittsüberschrift: <i>Status</i> Fallstatus	dropdown, Required 1 offen 2 abgerechnet 3 follow-up 4 lost-to-followup
2	Zeige das Feld nur wenn: [case_state] = '2'	Abrechnungsdatum	text (date_dmy), Required
2	[case_lost_fu_dat e] Zeige das Feld nur wenn: [case_state] = '4'	Datum Lost-to-followup	text (date_dmy), Required
2	26 [status_complete]	Abschnittsüberschrift: Form Status Complete?	dropdown 0 Incomplete 1 Unverified 2 Complete
Frage	ebogen: Pruefbericht	(pruefbericht)	
2	[case_id_vn]	Fallnummer	text, Required Feldannotierung: @FORMINSTANCE=fallnummer
2	28 [report_t_vn]	Vorgangsnummer	text, Required Feldannotierung: # Prüfbericht: localCaseID
2	[report_data_type]	Typ der Daten	dropdown, Required G genomisch K klinisch Feldannotierung: Prüfbericht:

4 von 5 10.10.2024, 16:59

			dataCategory
30	[report_type]	Typ der Meldung	dropdown, Required 0 Erstmeldung 1 Nachtrag 2 Korrektur 3 Löschung Feldannotierung: Prüfbericht: submissionType
31	[report_date]	Datum der Datenübertragung	text (date_dmy), Required Feldannotierung: Prüfbericht: submissionDate
32	[report_dq]	Ergebnis der Qualitätskontrolle	dropdown, Required 0 Nicht bestanden 1 Bestanden Feldannotierung: Prüfbericht: dataQualityCheckPassed
33	[confirm_code]	Abschnittsüberschrift: Meldebestätigung Code der Meldebestätigung	text Feldannotierung: Alphanumerischer Code der Meldebestätigung (10 Zeichen)
34	[confirm_date]	Datum der Meldebestätigung	text (date_dmy)
35	<pre>[pruefbericht_comp lete]</pre>	Abschnittsüberschrift: Form Status Complete?	dropdown 0 Incomplete 1 Unverified 2 Complete
Fragebo	ogen: Fallnummer	(fallnummer)	
36	[case_id]	Fallnummer	text, Required Feldannotierung: Fallnummer des Patienten im Primärsystem: manuell / API
37	<pre>[fallnummer_comple te]</pre>	Abschnittsüberschrift: Form Status Complete?	dropdown 0 Incomplete 1 Unverified 2 Complete

5 von 5 10.10.2024, 16:59