

Fallverwaltung Modellvorhaben Genomsequenzierung Extern (PID: 423)

10.10.2024 15:45

Fragebögen	
Fragebogen	Fragebogenname
Stammdaten	stammdaten
Netzwerk	netzwerk
Status	status
Prüfbericht	prfbericht
Fallnummer ↻	fallnummer

	#	Variable / Feldname	Label <i>Hinweistext</i>	Feld Attribute (Feld-Typ, Prüfung, Auswahlen, Verzweigungslogik, Berechnungen, usw.)										
Fragebogen: Stammdaten (stammdaten)														
	1	[record_id]	ID	text										
	2	[pat_id]	SAP-ID	text, Required Feldannotierung: # ID des Patienten im Primärsystem (wird automatisch importiert) @READONLY										
	3	[fallnummern_desc]	Fallnummern	descriptive Feldannotierung: @INSTANCETABLE=fallnummer @INSTANCETABLE_VARLIST=case_id @INSTANCETABLE_HIDEINSTANCECOL @INSTANCETABLE_ADDBTNLABEL='Ne Fallnummer'										
	4	[kvnr]	Abschnittsüberschrift: <i>Krankenversichertennummer</i> KVNR unveränderbarer Teil	text, Required Feldannotierung: # Import aus Clinical Data Lake (NCIR/VERNR)										
	5	[kvnr_ik]	KVNR Institutionskennzeichen	text, Required Feldannotierung: // notwendig? @HIDDEN										
	6	[stammdaten_comple te]	Abschnittsüberschrift: <i>Form Status</i> Complete?	dropdown <table><tr><td>0</td><td>Incomplete</td></tr><tr><td>1</td><td>Unverified</td></tr><tr><td>2</td><td>Complete</td></tr></table>	0	Incomplete	1	Unverified	2	Complete				
0	Incomplete													
1	Unverified													
2	Complete													
Fragebogen: Netzwerk (netzwerk)														
	7	[network]	Netzwerk	dropdown <table><tr><td>1</td><td>UKT-2024-ZE1-2973</td></tr><tr><td>2</td><td>UKT-2024-IM1-2975</td></tr><tr><td>3</td><td>UKT-2024-IM1-2976</td></tr><tr><td>4</td><td>UKT-2024-IM1-2977</td></tr><tr><td>5</td><td>UKT-2024-AH3-2971</td></tr></table>	1	UKT-2024-ZE1-2973	2	UKT-2024-IM1-2975	3	UKT-2024-IM1-2976	4	UKT-2024-IM1-2977	5	UKT-2024-AH3-2971
1	UKT-2024-ZE1-2973													
2	UKT-2024-IM1-2975													
3	UKT-2024-IM1-2976													
4	UKT-2024-IM1-2977													
5	UKT-2024-AH3-2971													

				<table><tr><td>6</td><td>UKT-2024-AH3-2972</td></tr><tr><td>7</td><td>UKT-2024-AH3-2974</td></tr><tr><td>8</td><td>ohne Zuordnung</td></tr><tr><td>9</td><td>UKT-2023-IM1-2739</td></tr><tr><td>10</td><td>UKT-2017-NE6-2572</td></tr></table> <p>Feldannotierung: // Liste der internen Bezeichnungen der Netzwerke, bitte anpassen!</p>	6	UKT-2024-AH3-2972	7	UKT-2024-AH3-2974	8	ohne Zuordnung	9	UKT-2023-IM1-2739	10	UKT-2017-NE6-2572
6	UKT-2024-AH3-2972													
7	UKT-2024-AH3-2974													
8	ohne Zuordnung													
9	UKT-2023-IM1-2739													
10	UKT-2017-NE6-2572													
	8	[network_title]	Netzwerk Titel	text Feldannotierung: // Anzeige der Bezeichnungen der Netzwerke auf Grundlage des Codes des Netzwerks @CALCTEXT(if([network]='1', 'Netzwerk Seltene Erkrankungen', if([network]='2', 'Deutsches Netzwerk für Personalisierte Medizin', if([network]='3', 'Nationales Centrum für Tumorerkrankungen / Deutsches Krebskonsortium', if([network]='4', 'Nationales Netzwerk für genomische Medizin', if([network]='5', 'Deutsches Konsortium Familiärer Brust- und Eierstockkrebs', if([network]='6', 'Deutsches Konsortium für Familiären Darmkrebs', if([network]='7', 'Netzwerk Erbliche Tumorerkrankungen', '')))))))))										
	9	[department]	Abteilung	dropdown <table><tr><td>1</td><td>IM1</td></tr><tr><td>2</td><td>AH3</td></tr><tr><td>3</td><td>ZE1</td></tr></table> <p>Feldannotierung: // interne Bezeichnung der Abteilung, bitte anpassen!</p>	1	IM1	2	AH3	3	ZE1				
1	IM1													
2	AH3													
3	ZE1													
	10	[netzwerk_complet e]	Abschnittsüberschrift: <i>Form Status</i> Complete?	dropdown <table><tr><td>0</td><td>Incomplete</td></tr><tr><td>1</td><td>Unverified</td></tr><tr><td>2</td><td>Complete</td></tr></table>	0	Incomplete	1	Unverified	2	Complete				
0	Incomplete													
1	Unverified													
2	Complete													
Fragebogen: Status (status)														
	11	[status_study]	Status Studienteilnahme	dropdown, Required <table><tr><td>0</td><td>Keine Angabe</td></tr><tr><td>1</td><td>Vorgemerkt</td></tr><tr><td>2</td><td>Rekrutiert</td></tr><tr><td>3</td><td>Aktiv</td></tr></table>	0	Keine Angabe	1	Vorgemerkt	2	Rekrutiert	3	Aktiv		
0	Keine Angabe													
1	Vorgemerkt													
2	Rekrutiert													
3	Aktiv													

				<table><tr><td>4</td><td>Unterbrochen</td></tr><tr><td>5</td><td>Abgebrochen</td></tr><tr><td>6</td><td>Abgeschlossen</td></tr><tr><td>7</td><td>Follow-Up</td></tr></table>	4	Unterbrochen	5	Abgebrochen	6	Abgeschlossen	7	Follow-Up
4	Unterbrochen											
5	Abgebrochen											
6	Abgeschlossen											
7	Follow-Up											
	12	[start_study_date]	Beginn Studienbehandlung	text (date_dmy)								
	13	[end_study_date]	Ende Studienbehandlung	text (date_dmy)								
	14	[bc_date]	Abschnittsüberschrift: <i>Broad Consent / Teilnahmeerklärung</i> Broad Consent vorgelegt am:	text (date_dmy) Feldannotierung: wird manuell eingetragen								
	15	[particip_4]	4. Erklärung zur Teilnahme am Modellvorhaben und Zustimmung zur Genomsequenzierung	dropdown, Required <table><tr><td>1</td><td>ja</td></tr><tr><td>0</td><td>nein</td></tr></table> Feldannotierung: # Infos aus Teilnahmeerklärung Frage 4 (Import aus PMD UKBGENOM) @READONLY	1	ja	0	nein				
1	ja											
0	nein											
	16	[particip_4_1]	4.1 Einwilligung zur Fallidentifizierung zum fachlichen Austausch unter Behandlern	dropdown, Required <table><tr><td>1</td><td>ja</td></tr><tr><td>0</td><td>nein</td></tr></table> Feldannotierung: # Infos aus Teilnahmeerklärung Frage 4.1 (Import aus PMD UKBGENOM) @READONLY	1	ja	0	nein				
1	ja											
0	nein											
	17	[particip_4_2]	4.2 Einwilligung zur Re-Identifizierung Ihrer Daten und zur Kontaktaufnahme bei einem Befund in der Forschung	dropdown, Required <table><tr><td>1</td><td>ja</td></tr><tr><td>0</td><td>nein</td></tr></table> Feldannotierung: # Infos aus Teilnahmeerklärung Frage 4.2 (Import aus PMD UKBGENOM) @READONLY	1	ja	0	nein				
1	ja											
0	nein											
	18	[seq_mode]	Abschnittsüberschrift: <i>Sequenzierung</i> Sequenzierungsart	dropdown <table><tr><td>0</td><td>Keine</td></tr><tr><td>1</td><td>WGS</td></tr><tr><td>2</td><td>WES</td></tr><tr><td>3</td><td>Panel</td></tr></table>	0	Keine	1	WGS	2	WES	3	Panel
0	Keine											
1	WGS											
2	WES											
3	Panel											
	19	[seq_state]	Status der Sequenzierung	dropdown <table><tr><td>1</td><td>angemeldet</td></tr><tr><td>2</td><td>gestartet</td></tr><tr><td>3</td><td>abgeschlossen</td></tr><tr><td>4</td><td>abgebrochen</td></tr></table>	1	angemeldet	2	gestartet	3	abgeschlossen	4	abgebrochen
1	angemeldet											
2	gestartet											
3	abgeschlossen											
4	abgebrochen											

	20	[versand_anforderung_date] Zeige das Feld nur wenn: [seq_state] > 0	Datum Versand Anforderung und Blutprobe	text (date_dmy)								
	21	[probeneingang_date] Zeige das Feld nur wenn: [seq_state] > 1	Datum Probeneingang	text (date_dmy)								
	22	[befund_date] Zeige das Feld nur wenn: [seq_state] > 2	Datum Genetischer Befund	text (date_dmy)								
	23	[abebrochen_date] Zeige das Feld nur wenn: [seq_state] > 3	Datum Abgebrochen	text (date_dmy)								
	24	[case_state]	Abschnittsüberschrift: <i>Status</i> Fallstatus	dropdown, Required <table><tr><td>1</td><td>offen</td></tr><tr><td>2</td><td>abgerechnet</td></tr><tr><td>3</td><td>follow-up</td></tr><tr><td>4</td><td>lost-to-followup</td></tr></table>	1	offen	2	abgerechnet	3	follow-up	4	lost-to-followup
1	offen											
2	abgerechnet											
3	follow-up											
4	lost-to-followup											
	25	[billing_date] Zeige das Feld nur wenn: [case_state] = '2'	Abrechnungsdatum	text (date_dmy), Required								
	26	[case_lost_fu_date] Zeige das Feld nur wenn: [case_state] = '4'	Datum Lost-to-followup	text (date_dmy), Required								
	27	[status_complete]	Abschnittsüberschrift: <i>Form Status</i> Complete?	dropdown <table><tr><td>0</td><td>Incomplete</td></tr><tr><td>1</td><td>Unverified</td></tr><tr><td>2</td><td>Complete</td></tr></table>	0	Incomplete	1	Unverified	2	Complete		
0	Incomplete											
1	Unverified											
2	Complete											
Fragebogen: Prüfbericht (prfbericht)												
	28	[case_id_vn]	Fallnummer	text, Required Feldannotierung: @FORMINSTANCE=fallnummer								
	29	[report_t_vn]	Vorgangsnummer	text, Required Feldannotierung: # Prüfbericht: localCaseID								

	30	[report_data_type]	Typ der Daten	dropdown, Required <table><tr><td>G</td><td>genomisch</td></tr><tr><td>K</td><td>klinisch</td></tr></table> Feldannotierung: Prüfbericht: dataCategory	G	genomisch	K	klinisch				
G	genomisch											
K	klinisch											
	31	[report_type]	Typ der Meldung	dropdown, Required <table><tr><td>0</td><td>Erstmeldung</td></tr><tr><td>1</td><td>Nachtrag</td></tr><tr><td>2</td><td>Korrektur</td></tr><tr><td>3</td><td>Löschung</td></tr></table> Feldannotierung: Prüfbericht: submissionType	0	Erstmeldung	1	Nachtrag	2	Korrektur	3	Löschung
0	Erstmeldung											
1	Nachtrag											
2	Korrektur											
3	Löschung											
	32	[report_date]	Datum der Datenübertragung	text (date_dmy), Required Feldannotierung: Prüfbericht: submissionDate								
	33	[report_dq]	Ergebnis der Qualitätskontrolle	dropdown, Required <table><tr><td>0</td><td>Nicht bestanden</td></tr><tr><td>1</td><td>Bestanden</td></tr></table> Feldannotierung: Prüfbericht: dataQualityCheckPassed	0	Nicht bestanden	1	Bestanden				
0	Nicht bestanden											
1	Bestanden											
	34	[confirm_code]	Abschnittsüberschrift: <i>Meldebestätigung</i> Code der Meldebestätigung	text Feldannotierung: Alphanumerischer Code der Meldebestätigung (10 Zeichen)								
	35	[confirm_date]	Datum der Meldebestätigung	text (date_dmy)								
	36	[prfbericht_comple te]	Abschnittsüberschrift: <i>Form Status</i> Complete?	dropdown <table><tr><td>0</td><td>Incomplete</td></tr><tr><td>1</td><td>Unverified</td></tr><tr><td>2</td><td>Complete</td></tr></table>	0	Incomplete	1	Unverified	2	Complete		
0	Incomplete											
1	Unverified											
2	Complete											
Fragebogen: Fallnummer (fallnummer)												
	37	[case_id]	Fallnummer	text, Required Feldannotierung: Fallnummer des Patienten im Primärsystem: manuell / API								
	38	[fallnummer_comple te]	Abschnittsüberschrift: <i>Form Status</i> Complete?	dropdown <table><tr><td>0</td><td>Incomplete</td></tr><tr><td>1</td><td>Unverified</td></tr><tr><td>2</td><td>Complete</td></tr></table>	0	Incomplete	1	Unverified	2	Complete		
0	Incomplete											
1	Unverified											
2	Complete											