Fallverwaltung Modellvorhaben Genomsequenzierung (github) (PID: 423) 17.07.2025 15:04

Fragebögen		
Fragebogen	Fragebogenname	
ID	id	
Netzwerk	netzwerk	
Status	status	
Pruefbericht	pruefbericht	

#	Variable / Feldname	Label Hinweistext	Feld Attribute (Feld-Typ, Prüfung, Auswahlen, Verzweigungslogik, Berechnungen, usw.)
Fra	gebogen: ID (id)		
1	[record_id]	ID	text
2	[psn]	Pseudonym	text
3	[pat_id]	SAP-ID	text, Required Feldannotierung: # ID des Patienten im Primärsystem (wird automatisch importiert)
4	[case_id]	Fallnummer	text, Required Feldannotierung: Fallnummer des Patienten im Primärsystem: manuell / API
5	[kvnr]	Abschnittsüberschrift: Krankenversichertennummer	text, Required
		KVNR unveränderbarer Teil	
6	[coveragetype]	Krankenversicherungsträger	dropdown, Required
			GKV gesetzliche Krankenversicherung
			PKV private Krankenversicherung
			BG Berufsgenossenschaft
			SEL Selbstzahler
			SOZ Sozialamt
			GPV gesetzliche Pflegeversicherung
			PPV private Pflegeversicherung
			BEI Beihilfe
			SKT sonstiger Kostenträger
			UNK unknown
7	[ik]	Institutionskennzeichen der KV	text (integer)
8	[id_complete]	Abschnittsüberschrift: Form Status Complete?	dropdown 0 Incomplete

			1 Unverified
			2 Complete
Fra	gebogen: Netzwer	k (netzwerk)	
9	[network]	Netzwerk	dropdown 1 UKT-2024-ZE1-2973 2 UKT-2024-IM1-2975 3 UKT-2024-IM1-2976 4 UKT-2024-IM1-2977 5 UKT-2024-AH3-2971 6 UKT-2024-AH3-2972 7 UKT-2024-AH3-2974
			Feldannotierung: // Liste der internen Bezeichungen der Netzwerke, bitte anpassen!
10	[network_title]	Netzwerk Titel	text Feldannotierung: // Anzeige der Bezeichnungen der Netzwerke auf Grundlage des Codes des Netzwerks @CALCTEXT(if([network]='1', 'Netzwerk Seltene Erkrankungen', if([network]='2', 'Deutsches Netzwerk für Personalisierte Medizin', if([network]='3', 'Nationales Centrum für Tumorerkrankungen / Deutsches Krebskonsortium', if([network]='4', 'Nationales Netzwerk für genomische Medizin', if([network]='5', 'Deutsches Konsortium Familiärer Brust- und Eierstockkrebs', if([network]='6', 'Deutsches Konsortium für Familiären Darmkrebs', if([network]='7', 'Netzwerk Erbliche Tumorerkrankungen', '')))))))))))
11	[department]	Abteilung	dropdown 1 IM1 2 AH3 3 ZE1 Feldannotierung: // interne Bezeichnung der Abteilung, bitte anpassen!

12	<pre>[netzwerk_complet e]</pre>	Abschnittsüberschrift: Form Status Complete?	dropdown 0 Incomplete 1 Unverified 2 Complete
Frag	gebogen: Status (s	status)	
13	[status_study]	Status Studienteilnahme	dropdown, Required 0 Keine Angabe 1 Vorgemerkt 2 Rekrutiert 3 Aktiv 4 Unterbrochen 5 Abgebrochen 6 Abgeschlossen 7 Follow-Up
14	[start_study_date]	Beginn Studienbehandlung	text (date_dmy)
15	[end_study_date]	Ende Studienbehandlung	text (date_dmy)
16	[bc_date]	Abschnittsüberschrift: Broad Consent / Teilnahmeerklärung Broad Consent vorgelegt am:	text (date_dmy), Required Feldannotierung: wird manuell eingetragen
17	[bc_signed]	Broad Consent unterzeichnet:	radio, Required 1 Ja 0 Nein
18	[datum_teilnahme]	Abschnittsüberschrift: <i>Teilnahmeerklärung</i> Datum der Teilnahmeerklärung	text (date_dmy), Required
19	[mvconsentpresente ddate]	Datum der Aushändigung	text (date_dmy), Required
20	<pre>[version_teilnahm e] Zeige das Feld nur wenn: [datum_teilnahme] <> "</pre>	Version der Teilnahmeerklärung	text, Required Feldannotierung: @IF([version_teilnahme] = ",@SETVALUE='BfArM 26.08.2024',")
21	[particip_4] Zeige das Feld nur wenn: [datum_teilnahme] <> "	Erklärung zur Teilnahme am Modellvorhaben und Einwilligung zur Genomsequenzierung	radio, Required 1 Ja 0 Nein
22	[particip_4_1] Zeige das Feld nur wenn: [datum_teilnahme] <> "	Einwilligung zur Fallidentifizierung zum fachlichen Austausch unter Behandlern	radio, Required 1 Ja 0 Nein

23	[particip_4_2] Zeige das Feld nur wenn: [datum_teilnahme] <> "	Einwilligung zur Re-Identifizierung der Versichertendaten und zur Kontaktaufnahme bei einem neuen Befund in der Forschung	radio, Required 1 Ja 0 Nein
24	[datum_kuendigung_ te]	Datum der Kündigung der Teilnahmeerklärung	text (date_dmy)
25	[kuendigung_seq] Zeige das Feld nur wenn: [datum_kuendigung _te] <> "	Kündigung der Erklärung zur Teilnahme am Modellvorhaben und Einwilligung zur Genomsequenzierung	radio 1 Ja 0 Nein
26	<pre>[kuendigung_austau sch] Zeige das Feld nur wenn: [datum_kuendigung _te] <> "</pre>	Kündigung der Einwilligung zur Fallidentifizierung zum fachlichen Austausch unter Behandlern	radio 1 Ja 0 Nein
27	<pre>[kuendigung_kontak t] Zeige das Feld nur wenn: [datum_kuendigung _te] <> "</pre>	Kündigung der Einwilligung zur Re- Identifizierung der Versichertendaten und zur Kontaktaufnahme bei einem neuen Befund in der Forschung	radio 1 Ja 0 Nein
28	[seq_mode]	Abschnittsüberschrift: Sequenzierung Sequenzierungsart	dropdown 0 Keine 1 WGS 2 WES 3 Panel
29	[seq_state]	Status der Sequenzierung	dropdown 1 angemeldet 2 gestartet 3 abgeschlossen 4 abgebrochen
30	<pre>[sample_dispatch_d ate] Zeige das Feld nur wenn: [seq_state] > 0</pre>	Datum Versand Anforderung und Blutprobe	text (date_dmy)
31	<pre>[sample_arrival_da te] Zeige das Feld nur wenn: [seq_state] > 1</pre>	Datum Probeneingang	text (date_dmy)

32	[gen_finding_date]	Datum Genetischer Befund	text (date_dmy)
	Zeige das Feld nur wenn: [seq_state] > 2		
33	[cancelled_date]	Datum Abgebrochen	text (date_dmy)
	Zeige das Feld nur wenn: [seq_state] > 3		
34	[case_state]	Abschnittsüberschrift: <i>Status</i> Fallstatus	dropdown, Required 1 offen 2 abgerechnet 3 follow-up 4 lost-to-followup
35	<pre>[billing_date] Zeige das Feld nur wenn: [case_state] = '2'</pre>	Abrechnungsdatum	text (date_dmy), Required
36	[case_lost_fu_dat e] Zeige das Feld nur	Datum Lost-to-followup	text (date_dmy), Required
	wenn: [case_state] = '4'		
37	<pre>[pruefberichte_des c]</pre>	Abschnittsüberschrift: Prüfberichte	descriptive Feldannotierung: @INSTANCETABLE=pruefbericht @INSTANCETABLE_HIDEINSTANCECOL @INSTANCETABLE_ADDBTNLABEL='Ne
38	[status_complete]	Abschnittsüberschrift: Form Status Complete?	dropdown 0 Incomplete 1 Unverified 2 Complete
Fra	gebogen: Pruefber	icht (pruefbericht)	
39	[report_t_vn]	Vorgangsnummer	text, Required Feldannotierung: # Prüfbericht: localCaseID
40	[report_data_type]	Typ der Daten	dropdown, Required G genomisch K klinisch Feldannotierung: Prüfbericht:
41	[report_type]	Typ der Meldung	dataCategory dropdown, Required 0 Erstmeldung

			1 Nachtrag 2 Korrektur 3 Löschung Feldannotierung: Prüfbericht: submissionType
42	[report_date]	Datum der Datenübertragung	text (date_dmy), Required Feldannotierung: Prüfbericht: submissionDate
43	[report_dq]	Ergebnis der Qualitätskontrolle	dropdown, Required 0 Nicht bestanden 1 Bestanden Feldannotierung: Prüfbericht: dataQualityCheckPassed
44	[confirm_code]	Abschnittsüberschrift: <i>Meldebestätigung</i> Code der Meldebestätigung	text Feldannotierung: Alphanumerischer Code der Meldebestätigung (10 Zeichen)
45	[confirm_date]	Datum der Meldebestätigung	text (date_dmy)
46	<pre>[pruefbericht_comp lete]</pre>	Abschnittsüberschrift: Form Status Complete?	dropdown 0 Incomplete 1 Unverified 2 Complete