

Fallverwaltung Modellvorhaben Genomsequenzierung (github) (PID: 423)

18.11.2024 12:31

Fragebögen	
Fragebogen	Fragebogenname
ID	id
Netzwerk	netzwerk
Status	status
Pruefbericht ↻	pruefbericht
Fallnummer ↻	fallnummer

#	Variable / Feldname	Label <i>Hinweistext</i>	Feld Attribute (Feld-Typ, Prüfung, Auswahlen, Verzweigungslogik, Berechnungen, usw.)														
Fragebogen: ID (id)																	
1	[ record_id ]	ID	text														
2	[ psn ]	Pseudonym	text														
3	[ pat_id ]	SAP-ID	text, Required Feldannotierung: # ID des Patienten im Primärsystem (wird automatisch importiert)														
4	[ fallnummern_desc ]	Fallnummern	descriptive Feldannotierung: @INSTANCETABLE=fallnummer @INSTANCETABLE_VARLIST=case_id @INSTANCETABLE_HIDEINSTANCECOL @INSTANCETABLE_ADDBTNLABEL='Ne Fallnummer'														
5	[ kvnr ]	Abschnittsüberschrift: <i>Krankenversichertennummer</i> KVNR unveränderbarer Teil	text, Required														
6	[ id_complete ]	Abschnittsüberschrift: <i>Form Status</i> Complete?	dropdown <table><tr><td>0</td><td>Incomplete</td></tr><tr><td>1</td><td>Unverified</td></tr><tr><td>2</td><td>Complete</td></tr></table>	0	Incomplete	1	Unverified	2	Complete								
0	Incomplete																
1	Unverified																
2	Complete																
Fragebogen: Netzwerk (netzwerk)																	
7	[ network ]	Netzwerk	dropdown <table><tr><td>1</td><td>UKT-2024-ZE1-2973</td></tr><tr><td>2</td><td>UKT-2024-IM1-2975</td></tr><tr><td>3</td><td>UKT-2024-IM1-2976</td></tr><tr><td>4</td><td>UKT-2024-IM1-2977</td></tr><tr><td>5</td><td>UKT-2024-AH3-2971</td></tr><tr><td>6</td><td>UKT-2024-AH3-2972</td></tr><tr><td>7</td><td>UKT-2024-AH3-2974</td></tr></table>	1	UKT-2024-ZE1-2973	2	UKT-2024-IM1-2975	3	UKT-2024-IM1-2976	4	UKT-2024-IM1-2977	5	UKT-2024-AH3-2971	6	UKT-2024-AH3-2972	7	UKT-2024-AH3-2974
1	UKT-2024-ZE1-2973																
2	UKT-2024-IM1-2975																
3	UKT-2024-IM1-2976																
4	UKT-2024-IM1-2977																
5	UKT-2024-AH3-2971																
6	UKT-2024-AH3-2972																
7	UKT-2024-AH3-2974																

			Feldannotierung: // Liste der internen Bezeichnungen der Netzwerke, bitte anpassen!																
8	[ network_title ]	Netzwerk Titel	text Feldannotierung: // Anzeige der Bezeichnungen der Netzwerke auf Grundlage des Codes des Netzwerks @CALCTEXT(if([network]='1', 'Netzwerk Seltene Erkrankungen', if([network]='2', 'Deutsches Netzwerk für Personalisierte Medizin', if([network]='3', 'Nationales Centrum für Tumorerkrankungen / Deutsches Krebskonsortium', if([network]='4', 'Nationales Netzwerk für genomische Medizin', if([network]='5', 'Deutsches Konsortium Familiärer Brust- und Eierstockkrebs', if([network]='6', 'Deutsches Konsortium für Familiären Darmkrebs', if([network]='7', 'Netzwerk Erbliche Tumorerkrankungen', '))))))))																
9	[ department ]	Abteilung	dropdown <table><tr><td>1</td><td>IM1</td></tr><tr><td>2</td><td>AH3</td></tr><tr><td>3</td><td>ZE1</td></tr></table> Feldannotierung: // interne Bezeichnung der Abteilung, bitte anpassen!	1	IM1	2	AH3	3	ZE1										
1	IM1																		
2	AH3																		
3	ZE1																		
10	[ netzwerk_complet e ]	Abschnittsüberschrift: Form Status Complete?	dropdown <table><tr><td>0</td><td>Incomplete</td></tr><tr><td>1</td><td>Unverified</td></tr><tr><td>2</td><td>Complete</td></tr></table>	0	Incomplete	1	Unverified	2	Complete										
0	Incomplete																		
1	Unverified																		
2	Complete																		
Fragebogen: Status (status)																			
11	[ status_study ]	Status Studienteilnahme	dropdown, Required <table><tr><td>0</td><td>Keine Angabe</td></tr><tr><td>1</td><td>Vorgemerkt</td></tr><tr><td>2</td><td>Rekrutiert</td></tr><tr><td>3</td><td>Aktiv</td></tr><tr><td>4</td><td>Unterbrochen</td></tr><tr><td>5</td><td>Abgebrochen</td></tr><tr><td>6</td><td>Abgeschlossen</td></tr><tr><td>7</td><td>Follow-Up</td></tr></table>	0	Keine Angabe	1	Vorgemerkt	2	Rekrutiert	3	Aktiv	4	Unterbrochen	5	Abgebrochen	6	Abgeschlossen	7	Follow-Up
0	Keine Angabe																		
1	Vorgemerkt																		
2	Rekrutiert																		
3	Aktiv																		
4	Unterbrochen																		
5	Abgebrochen																		
6	Abgeschlossen																		
7	Follow-Up																		

12	[start_study_date]	Beginn Studienbehandlung	text (date_dmy)				
13	[end_study_date]	Ende Studienbehandlung	text (date_dmy)				
14	[bc_date]	Abschnittsüberschrift: <i>Broad Consent / Teilnahmeerklärung</i>  Broad Consent vorgelegt am:	text (date_dmy), Required Feldannotierung: wird manuell eingetragen				
15	[datum_teilnahme]	Abschnittsüberschrift: <i>Teilnahmeerklärung</i>  Datum der Teilnahmeerklärung	text (date_dmy), Required				
16	[version_teilnahme]  Zeige das Feld nur wenn: [datum_teilnahme] <> "	Version der Teilnahmeerklärung	text, Required Feldannotierung: @IF([version_teilnahme] = ",@SETVALUE='BfArM 26.08.2024',")				
17	[particip_4]  Zeige das Feld nur wenn: [datum_teilnahme] <> "	Erklärung zur Teilnahme am Modellvorhaben und Einwilligung zur Genomsequenzierung	radio, Required <table><tr><td>1</td><td>Ja</td></tr><tr><td>0</td><td>Nein</td></tr></table>	1	Ja	0	Nein
1	Ja						
0	Nein						
18	[particip_4_1]  Zeige das Feld nur wenn: [datum_teilnahme] <> "	Einwilligung zur Fallidentifizierung zum fachlichen Austausch unter Behandlern	radio, Required <table><tr><td>1</td><td>Ja</td></tr><tr><td>0</td><td>Nein</td></tr></table>	1	Ja	0	Nein
1	Ja						
0	Nein						
19	[particip_4_2]  Zeige das Feld nur wenn: [datum_teilnahme] <> "	Einwilligung zur Re-Identifizierung der Versichertendaten und zur Kontaktaufnahme bei einem neuen Befund in der Forschung	radio, Required <table><tr><td>1</td><td>Ja</td></tr><tr><td>0</td><td>Nein</td></tr></table>	1	Ja	0	Nein
1	Ja						
0	Nein						
20	[datum_kuendigung_te]	Datum der Kündigung der Teilnahmeerklärung	text (date_dmy)				
21	[kuendigung_seq]  Zeige das Feld nur wenn: [datum_kuendigung_te] <> "	Kündigung der Erklärung zur Teilnahme am Modellvorhaben und Einwilligung zur Genomsequenzierung	radio <table><tr><td>1</td><td>Ja</td></tr><tr><td>0</td><td>Nein</td></tr></table>	1	Ja	0	Nein
1	Ja						
0	Nein						
22	[kuendigung_austausch]  Zeige das Feld nur wenn: [datum_kuendigung_te] <> "	Kündigung der Einwilligung zur Fallidentifizierung zum fachlichen Austausch unter Behandlern	radio <table><tr><td>1</td><td>Ja</td></tr><tr><td>0</td><td>Nein</td></tr></table>	1	Ja	0	Nein
1	Ja						
0	Nein						
23	[kuendigung_kontakt]  Zeige das Feld nur wenn: [datum_kuendigung_te] <> "	Kündigung der Einwilligung zur Re-Identifizierung der Versichertendaten und zur Kontaktaufnahme bei einem neuen Befund in der Forschung	radio <table><tr><td>1</td><td>Ja</td></tr><tr><td>0</td><td>Nein</td></tr></table>	1	Ja	0	Nein
1	Ja						
0	Nein						

24	[ seq_mode ]	Abschnittsüberschrift: Sequenzierung Sequenzierungsart	dropdown <table><tr><td>0</td><td>Keine</td></tr><tr><td>1</td><td>WGS</td></tr><tr><td>2</td><td>WES</td></tr><tr><td>3</td><td>Panel</td></tr></table>	0	Keine	1	WGS	2	WES	3	Panel
0	Keine										
1	WGS										
2	WES										
3	Panel										
25	[ seq_state ]	Status der Sequenzierung	dropdown <table><tr><td>1</td><td>angemeldet</td></tr><tr><td>2</td><td>gestartet</td></tr><tr><td>3</td><td>abgeschlossen</td></tr><tr><td>4</td><td>abgebrochen</td></tr></table>	1	angemeldet	2	gestartet	3	abgeschlossen	4	abgebrochen
1	angemeldet										
2	gestartet										
3	abgeschlossen										
4	abgebrochen										
26	[ sample_dispatch_date ]  Zeige das Feld nur wenn: [seq_state] > 0	Datum Versand Anforderung und Blutprobe	text (date_dmy)								
27	[ sample_arrival_date ]  Zeige das Feld nur wenn: [seq_state] > 1	Datum Probeneingang	text (date_dmy)								
28	[ gen_finding_date ]  Zeige das Feld nur wenn: [seq_state] > 2	Datum Genetischer Befund	text (date_dmy)								
29	[ cancelled_date ]  Zeige das Feld nur wenn: [seq_state] > 3	Datum Abgebrochen	text (date_dmy)								
30	[ case_state ]	Abschnittsüberschrift: Status Fallstatus	dropdown, Required <table><tr><td>1</td><td>offen</td></tr><tr><td>2</td><td>abgerechnet</td></tr><tr><td>3</td><td>follow-up</td></tr><tr><td>4</td><td>lost-to-followup</td></tr></table>	1	offen	2	abgerechnet	3	follow-up	4	lost-to-followup
1	offen										
2	abgerechnet										
3	follow-up										
4	lost-to-followup										
31	[ billing_date ]  Zeige das Feld nur wenn: [case_state] = '2'	Abrechnungsdatum	text (date_dmy), Required								
32	[ case_lost_followup_date ]  Zeige das Feld nur wenn: [case_state] = '4'	Datum Lost-to-followup	text (date_dmy), Required								

33	[pruefberichte_des c]	Abschnittsüberschrift: <i>Prüfberichte</i>	descriptive Feldannotierung: @INSTANCETABLE=pruefbericht @INSTANCETABLE_HIDEINSTANCECOL @INSTANCETABLE_ADDBTNLABEL='Neu Prüfbericht'								
34	[status_complete]	Abschnittsüberschrift: <i>Form Status</i> Complete?	dropdown <table><tr><td>0</td><td>Incomplete</td></tr><tr><td>1</td><td>Unverified</td></tr><tr><td>2</td><td>Complete</td></tr></table>	0	Incomplete	1	Unverified	2	Complete		
0	Incomplete										
1	Unverified										
2	Complete										
Fragebogen: <b>Pruefbericht</b> (pruefbericht)											
35	[case_id_vn]	Fallnummer	text, Required Feldannotierung: @FORMINSTANCE=fallnummer								
36	[report_t_vn]	Vorgangsnummer	text, Required Feldannotierung: # Prüfbericht: localCaseID								
37	[report_data_type]	Typ der Daten	dropdown, Required <table><tr><td>G</td><td>genomisch</td></tr><tr><td>K</td><td>klinisch</td></tr></table> Feldannotierung: Prüfbericht: dataCategory	G	genomisch	K	klinisch				
G	genomisch										
K	klinisch										
38	[report_type]	Typ der Meldung	dropdown, Required <table><tr><td>0</td><td>Erstmeldung</td></tr><tr><td>1</td><td>Nachtrag</td></tr><tr><td>2</td><td>Korrektur</td></tr><tr><td>3</td><td>Löschung</td></tr></table> Feldannotierung: Prüfbericht: submissionType	0	Erstmeldung	1	Nachtrag	2	Korrektur	3	Löschung
0	Erstmeldung										
1	Nachtrag										
2	Korrektur										
3	Löschung										
39	[report_date]	Datum der Datenübertragung	text (date_dmy), Required Feldannotierung: Prüfbericht: submissionDate								
40	[report_dq]	Ergebnis der Qualitätskontrolle	dropdown, Required <table><tr><td>0</td><td>Nicht bestanden</td></tr><tr><td>1</td><td>Bestanden</td></tr></table> Feldannotierung: Prüfbericht: dataQualityCheckPassed	0	Nicht bestanden	1	Bestanden				
0	Nicht bestanden										
1	Bestanden										
41	[confirm_code]	Abschnittsüberschrift: <i>Meldebestätigung</i> Code der Meldebestätigung	text Feldannotierung: Alphanumerischer Code der Meldebestätigung (10 Zeichen)								
42	[confirm_date]	Datum der Meldebestätigung	text (date_dmy)								

43	[ pruefbericht_comple te ]	Abschnittsüberschrift: Form Status Complete?	dropdown <table><tr><td>0</td><td>Incomplete</td></tr><tr><td>1</td><td>Unverified</td></tr><tr><td>2</td><td>Complete</td></tr></table>	0	Incomplete	1	Unverified	2	Complete
0	Incomplete								
1	Unverified								
2	Complete								
Fragebogen: Fallnummer (fallnummer)									
44	[ case_id ]	Fallnummer	text, Required Feldannotierung: Fallnummer des Patienten im Primärsystem: manuell / API						
45	[ fallnummer_comple te ]	Abschnittsüberschrift: Form Status Complete?	dropdown <table><tr><td>0</td><td>Incomplete</td></tr><tr><td>1</td><td>Unverified</td></tr><tr><td>2</td><td>Complete</td></tr></table>	0	Incomplete	1	Unverified	2	Complete
0	Incomplete								
1	Unverified								
2	Complete								