

Netzwerk Seltene Erkrankungen (ohne Daten aus Fallmanagement) (PID: 526)

12.12.2024 11:26

Fragebögen	
Fragebogen	Fragebogenname
Pseudonym	pseudonym
III Daten Der Einwilligung Und Teilnahmeerklaerung	iii_daten_der_einwilligung_und_teilnahmeerklaerung
IV. Allgemeine Daten zum Modellvorhaben	iv_allgemeine_daten_zum_modellvorhaben
V. Klinische Daten mit Bezug zur Teilnahme am Modellvorhaben	v_klinische_daten_mit_bezug_zur_teilnahme_am_model
VI. Klinische Daten zu Vorbefunden	vi_klinische_daten_zu_vorbefunden
VII. Klinische Daten zur Nachverfolgung	vii_klinische_daten_zur_nachverfolgung
Forschungseinwilligungen ↻	forschungseinwilligungen
HPO ↻	hpo
Studien ↻	studien
Therapieempfehlungen ↻	therapieempfehlungen
Varianten ↻	varianten
Klinisches Management ↻	klinisches_management
Genetische Vorbefunde ↻	genetische_vorbefunde
Wiedervorstellungen ↻	wiedervorstellungen

	#	Variable / Feldname	Label <i>Hinweistext</i>	Feld Attribute (Feld-Typ, Prüfung, Auswahlen, Verzweigungslogik, Berechnungen, usw.)						
Fragebogen: Pseudonym (pseudonym)										
	1	[ psn ]	Pseudonym	text						
	2	[ pseudonym_complet e ]	Abschnittsüberschrift: <i>Form Status</i>  Complete?	dropdown <table><tr><td>0</td><td>Incomplete</td></tr><tr><td>1</td><td>Unverified</td></tr><tr><td>2</td><td>Complete</td></tr></table>	0	Incomplete	1	Unverified	2	Complete
0	Incomplete									
1	Unverified									
2	Complete									
Fragebogen: III Daten Der Einwilligung Und Teilnahmeerklaerung (iii_daten_der_einwilligung_und_teilnahmeerklaerung)										
	3	[ pat_id ]	Abschnittsüberschrift: <i>Teilnahme Modellvorhaben</i>  Versicherter (Patienten- Identifikationsnummer bzw. Pseudonym)	text, Required						
	4	[ leistungserbringe r ]	Leistungserbringer	dropdown, Required <table><tr><td>1</td><td>ZSE A-Zentrum</td></tr><tr><td>2</td><td>arcT</td></tr><tr><td>3</td><td>ZSNE pädiatrisch</td></tr></table>	1	ZSE A-Zentrum	2	arcT	3	ZSNE pädiatrisch
1	ZSE A-Zentrum									
2	arcT									
3	ZSNE pädiatrisch									

				<table><tr><td>4</td><td>ZSNE adult</td></tr><tr><td>5</td><td>ZSPT</td></tr><tr><td>6</td><td>ZLKGKF</td></tr><tr><td>7</td><td>ZSA</td></tr><tr><td>8</td><td>IMGAG</td></tr></table>	4	ZSNE adult	5	ZSPT	6	ZLKGKF	7	ZSA	8	IMGAG
4	ZSNE adult													
5	ZSPT													
6	ZLKGKF													
7	ZSA													
8	IMGAG													
	5	[forschung_einwill_desc]	Abschnittsüberschrift: <i>Forschungseinwilligung</i>	descriptive Feldannotierung: @INSTANCETABLE=forschungseinwilligung @INSTANCETABLE_HIDEINSTANCECOL=1 @INSTANCETABLE_ADDBTNLABEL='Neu Einwilligung'										
	6	[iii_daten_der_einwilligung_und_teilnahmeerklaerung_complete]	Abschnittsüberschrift: <i>Form Status</i>  Complete?	dropdown <table><tr><td>0</td><td>Incomplete</td></tr><tr><td>1</td><td>Unverified</td></tr><tr><td>2</td><td>Complete</td></tr></table>	0	Incomplete	1	Unverified	2	Complete				
0	Incomplete													
1	Unverified													
2	Complete													
<b>Fragebogen: IV. Allgemeine Daten zum Modellvorhaben (iv_allgemeine_daten_zum_modellvorhaben)</b>														
	7	[gender]	Geschlecht	dropdown, Required <table><tr><td>male</td><td>Männlich</td></tr><tr><td>female</td><td>Weiblich</td></tr><tr><td>other</td><td>Divers</td></tr><tr><td>unknown</td><td>Unbekannt</td></tr></table>	male	Männlich	female	Weiblich	other	Divers	unknown	Unbekannt		
male	Männlich													
female	Weiblich													
other	Divers													
unknown	Unbekannt													
	8	[birthdate]	Geburtsdatum <i>01-MM-YYYY</i>	text (date_dmy), Required										
	9	[ags]	Amtlicher Gemeindeschlüssel (5-stellig)	text, Required <table><tr><td>SIMPLE:AGS_5</td><td>SIMPLE:AGS_5</td></tr></table>	SIMPLE:AGS_5	SIMPLE:AGS_5								
SIMPLE:AGS_5	SIMPLE:AGS_5													
	10	[grunderkrankung]	Grunderkrankung, kurze klinische Beschreibung und Fragestellung Fallkonferenz	notes, Required Feldannotierung: // NO_EXPORT										
	11	[aufnahme_mvh]	Abschnittsüberschrift: <i>Vorstellung des Versicherten zur Teilnahme am Modellvorhaben</i>  Entscheidung der multidisziplinären Fallkonferenz im Bereich der Diagnostik zur Aufnahme des Versicherten in das Modellvorhaben <i>FK prüft, ob Indikation für Genomseq. gegeben ist oder nicht</i>	yesno, Required <table><tr><td>1</td><td>Ja</td></tr><tr><td>0</td><td>Nein</td></tr></table>	1	Ja	0	Nein						
1	Ja													
0	Nein													
	12	[datum_fallkonferenz]  Zeige das Feld nur wenn: [aufnahme_mvh] <> ""	Datum der Fallkonferenz <i>Fallkonferenz 1</i>	text (date_dmy), Required										

13	[ fallkonferenz_grund ]  Zeige das Feld nur wenn: [aufnahme_mv] = '0' and [datum_fallkonferenz] <> ''	Begründung der negativen Entscheidung (keine Genomsequenzierung)	dropdown, Required <table><tr><td>1</td><td>Zieldiagnostik empfohlen</td></tr><tr><td>2</td><td>wahrscheinlich psychosomatische Erkrankung</td></tr><tr><td>3</td><td>wahrscheinlich häufige Erkrankung</td></tr><tr><td>4</td><td>wahrscheinlich nicht genetische Ursache</td></tr><tr><td>5</td><td>anderer Grund</td></tr></table>	1	Zieldiagnostik empfohlen	2	wahrscheinlich psychosomatische Erkrankung	3	wahrscheinlich häufige Erkrankung	4	wahrscheinlich nicht genetische Ursache	5	anderer Grund
1	Zieldiagnostik empfohlen												
2	wahrscheinlich psychosomatische Erkrankung												
3	wahrscheinlich häufige Erkrankung												
4	wahrscheinlich nicht genetische Ursache												
5	anderer Grund												
14	[ iv_allgemeine_daten_zum_modellvorhaben_complete ]	Abschnittsüberschrift: <i>Form Status</i> Complete?	dropdown <table><tr><td>0</td><td>Incomplete</td></tr><tr><td>1</td><td>Unverified</td></tr><tr><td>2</td><td>Complete</td></tr></table>	0	Incomplete	1	Unverified	2	Complete				
0	Incomplete												
1	Unverified												
2	Complete												
<b>Fragebogen: V. Klinische Daten mit Bezug zur Teilnahme am Modellvorhaben (v_klinische_daten_mit_bezug_zur_teilnahme_am_model)</b>													
15	[ hpo_desc ]	Abschnittsüberschrift: <i>Phänotypisierung</i>	descriptive Feldannotierung: @INSTANCETABLE=hpo @INSTANCETABLE_HIDEINSTANCECOL @INSTANCETABLE_ADDBTNLABEL='Neu HPO Code'										
16	[ klin_datum_fallkonferenz ]	Abschnittsüberschrift: <i>Entscheidung der multidisziplinären Fallkonferenz</i>  Datum Fallkonferenz	text (date_dmy), Required										
17	[ diagnostik_empfehlung ]  Zeige das Feld nur wenn: [klin_datum_fallkonferenz] <> ''	der Empfehlung zugrundeliegende Genomdiagnostik	dropdown, Required <table><tr><td>1</td><td>Einzelgenom</td></tr><tr><td>2</td><td>Duogenom</td></tr><tr><td>3</td><td>Triogenom</td></tr></table>	1	Einzelgenom	2	Duogenom	3	Triogenom				
1	Einzelgenom												
2	Duogenom												
3	Triogenom												
18	[ bewertung_gen_diagnostics ]  Zeige das Feld nur wenn: [klin_datum_fallkonferenz] <> ''	Bewertung der genetischen Diagnostik	dropdown <table><tr><td>unsolved</td><td>keine genetische Diagnosestellung</td></tr><tr><td>unclear</td><td>Genetische Verdachtsdiagnose</td></tr><tr><td>3</td><td>weiterführende genetische Diagnostik empfohlen</td></tr><tr><td>solved</td><td>Genetische Diagnose gesichert</td></tr><tr><td>partially-solved</td><td>klinischer Phänotyp nur partiell gelöst</td></tr></table>	unsolved	keine genetische Diagnosestellung	unclear	Genetische Verdachtsdiagnose	3	weiterführende genetische Diagnostik empfohlen	solved	Genetische Diagnose gesichert	partially-solved	klinischer Phänotyp nur partiell gelöst
unsolved	keine genetische Diagnosestellung												
unclear	Genetische Verdachtsdiagnose												
3	weiterführende genetische Diagnostik empfohlen												
solved	Genetische Diagnose gesichert												
partially-solved	klinischer Phänotyp nur partiell gelöst												
19	[ diag_icd10 ]  Zeige das Feld nur wenn:	Abschnittsüberschrift: <i>Diagnose</i>  Diagnose ICD-10	text <table><tr><td>SIMPLE:ICD-10-GM</td><td>SIMPLE:ICD-10-GM</td></tr></table>	SIMPLE:ICD-10-GM	SIMPLE:ICD-10-GM								
SIMPLE:ICD-10-GM	SIMPLE:ICD-10-GM												

		[klin_datum_fallkonferenz] <> "		
20	[diag_icd10_ver]	ICD10 Version Zeige das Feld nur wenn: [klin_datum_fallkonferenz] <> "	text Feldannotierung: @IF([diag_icd10_ver] = ",@SETVALUE='2025',")	
21	[diag_orphacode]	Diagnose Orphanet (ORPHAcode) Zeige das Feld nur wenn: [klin_datum_fallkonferenz] <> "	text BIOPORTAL:ORDO BIOPORTAL:ORDO	
22	[diag_orphacode_ver]	ORPHAcode Version Zeige das Feld nur wenn: [klin_datum_fallkonferenz] <> "	text Feldannotierung: @IF([diag_orphacode_ver] = ",@SETVALUE='4.5',")	
23	[diag_se_code]	[Alpha]-ID-SE-Code Zeige das Feld nur wenn: [klin_datum_fallkonferenz] <> "	text	
24	[diag_gmfcs]	Diagnose GMFCS Zeige das Feld nur wenn: [klin_datum_fallkonferenz] <> "	dropdown 1 I 2 II 3 III 4 IV 5 V	
25	[empfehlung_studie]	Abschnittsüberschrift: <i>Empfehlung zu der Teilnahme an einer klinischen Studie</i> Empfehlung zu der Teilnahme an einer klinischen Studie Zeige das Feld nur wenn: [klin_datum_fallkonferenz] <> "	yesno, Required 1 Ja 0 Nein	
26	[studie_desc]	Studien Zeige das Feld nur wenn: [klin_datum_fallkonferenz] <> " and [empfehlung_studie] = '1'	descriptive Feldannotierung: @INSTANCETABLE=studien @INSTANCETABLE_HIDEINSTANCECOL @INSTANCETABLE_ADDBTNLABEL='Neu Studie'	
27	[empfhg_beratung]	Abschnittsüberschrift: <i>Empfehlung zur humangenetischen Beratung</i> Empfehlung humangenetische Beratung Zeige das Feld nur wenn: [klin_datum_fallkonferenz] <> "	yesno, Required 1 Ja 0 Nein	

		erenz] <> "								
	28	[ empf_reeval ]  Zeige das Feld nur wenn: [klin_datum_fallkonferenz] <> "	Abschnittsüberschrift: <i>Empfehlung zur diagnostischen Re-Evaluation</i>  Empfehlung Re-Evaluation	yesno, Required <table><tr><td>1</td><td>Ja</td></tr><tr><td>0</td><td>Nein</td></tr></table>	1	Ja	0	Nein		
1	Ja									
0	Nein									
	29	[ empf_therapie ]  Zeige das Feld nur wenn: [klin_datum_fallkonferenz] <> "	Abschnittsüberschrift: <i>Empfehlung einer Therapie</i>  Therapieempfehlung	yesno, Required <table><tr><td>1</td><td>Ja</td></tr><tr><td>0</td><td>Nein</td></tr></table>	1	Ja	0	Nein		
1	Ja									
0	Nein									
	30	[ therapie_desc ]  Zeige das Feld nur wenn: [klin_datum_fallkonferenz] <> " and [empf_therapie] = '1'		descriptive Feldannotierung: @INSTANCETABLE=therapieempfehlung @INSTANCETABLE_HIDEINSTANCECOL @INSTANCETABLE_ADDBTNLABEL='Neu Therapieempfehlung'						
	31	[ empf_klinisches_man ]  Zeige das Feld nur wenn: [klin_datum_fallkonferenz] <> "	Abschnittsüberschrift: <i>weitere Empfehlung zum klinischen Management</i>  Empfehlungen klinisches Management	yesno, Required <table><tr><td>1</td><td>Ja</td></tr><tr><td>0</td><td>Nein</td></tr></table>	1	Ja	0	Nein		
1	Ja									
0	Nein									
	32	[ klin_manag_desc ]  Zeige das Feld nur wenn: [klin_datum_fallkonferenz] <> " and [empf_klinisches_man] = '1'		descriptive Feldannotierung: @INSTANCETABLE=klinisches_managen @INSTANCETABLE_HIDEINSTANCECOL @INSTANCETABLE_ADDBTNLABEL='Neu Empfehlung'						
	33	[ v_klinische_daten_mit_bezug_zur_teilnahme_am_model_complete ]	Abschnittsüberschrift: <i>Form Status</i>  Complete?	dropdown <table><tr><td>0</td><td>Incomplete</td></tr><tr><td>1</td><td>Unverified</td></tr><tr><td>2</td><td>Complete</td></tr></table>	0	Incomplete	1	Unverified	2	Complete
0	Incomplete									
1	Unverified									
2	Complete									
Fragebogen: VI. Klinische Daten zu Vorbefunden (vi_klinische_daten_zu_vorbefunden)										
	34	[ gen_vorbefunde_desc ]	Abschnittsüberschrift: <i>fallrelevante, genetische Vorbefunde</i>	descriptive Feldannotierung: @INSTANCETABLE=genetische_vorbefu @INSTANCETABLE_HIDEINSTANCECOL @INSTANCETABLE_ADDBTNLABEL='Neu genetischer Vorbefund'						
	35	[ anzahl_stat_behandlungen ]	Abschnittsüberschrift: <i>fallrelevante Vorthherapie</i>  Anzahl der stationären Behandlungen in den letzten fünf Jahren	text (integer), Required						
	36	[ dauer_stat_vorthherapie ]	Geschätzte Dauer der stationären fallrelevante Vorthherapie in Tagen	text (integer), Required						

37	[ datum_kontakt_zs e ]	Monat und Jahr des ersten Kontakts mit einem spezialisierten Zentrum für Seltene Erkrankungen 01-MM-YYYY	text (date_dmy), Required						
38	[ vi_klinische_date n_zu_vorbefunden_c omplete ]	Abschnittsüberschrift: <i>Form Status</i> Complete?	dropdown <table><tr><td>0</td><td>Incomplete</td></tr><tr><td>1</td><td>Unverified</td></tr><tr><td>2</td><td>Complete</td></tr></table>	0	Incomplete	1	Unverified	2	Complete
0	Incomplete								
1	Unverified								
2	Complete								
<b>Fragebogen: VII. Klinische Daten zur Nachverfolgung (vii_klinische_daten_zur_nachverfolgung)</b>									
39	[ wiedervorst_desc ]	Abschnittsüberschrift: <i>Dokumentation Wiedervorstellungen</i>	descriptive Feldannotierung: @INSTANCETABLE=wiedervorstellungen @INSTANCETABLE_ADDBTNLABEL='Neu Wiedervorstellung' @INSTANCETABLE_HIDEINSTANCECOL						
40	[ vitalstatus ]	Abschnittsüberschrift: <i>Allgemeiner Status zur klinischen Nachverfolgung</i> Vitalstatus beim letzten Kontakt	dropdown, Required <table><tr><td>1</td><td>alive</td></tr><tr><td>2</td><td>dead</td></tr></table>	1	alive	2	dead		
1	alive								
2	dead								
41	[ datum_kontakt ]  Zeige das Feld nur wenn: [vitalstatus] <> "	Datum des letzten Kontakts	text (date_dmy), Required						
42	[ datum_verstorben ]  Zeige das Feld nur wenn: [vitalstatus] = '2'	Sterbemonat und Sterbejahr 01-MM-YYYY	text (date_dmy)						
43	[ vii_klinische_dat en_zur_nachverfolg ung_complete ]	Abschnittsüberschrift: <i>Form Status</i> Complete?	dropdown <table><tr><td>0</td><td>Incomplete</td></tr><tr><td>1</td><td>Unverified</td></tr><tr><td>2</td><td>Complete</td></tr></table>	0	Incomplete	1	Unverified	2	Complete
0	Incomplete								
1	Unverified								
2	Complete								
<b>Fragebogen: Forschungseinwilligungen (forschungseinwilligungen)</b>									
44	[ datum_einwillig_f orsch ]	Datum der Forschung-Einwilligung	text (date_dmy)						
45	[ vers_einwillig_fo rsch ]  Zeige das Feld nur wenn: [datum_einwillig_for sch] <> "	Version der Forschung-Einwilligung	dropdown, Required <table><tr><td>1</td><td>Kinder v.1.7.2</td></tr><tr><td>2</td><td>Erwachsene v1.6d</td></tr></table>	1	Kinder v.1.7.2	2	Erwachsene v1.6d		
1	Kinder v.1.7.2								
2	Erwachsene v1.6d								
46	[ umfang_einwillig ]  Zeige das Feld nur wenn: [datum_einwillig_for	Umfang der Forschung-Einwilligung <i>JSON</i>	notes, Required						

		sch] <> "										
	47	[ datum_einwillig_f_wid ]	Datum des Widerrufs der Forschung-Einwilligung	text (date_dmy)								
	48	[ umfang_einwillig_f_wid ]  Zeige das Feld nur wenn: [ datum_einwillig_f_wid ] <> "	Umfang des Widerrufs der Forschung-Einwilligung <i>JSON</i>	notes, Required								
	49	[ forschungseinwilligungen_complete ]	Abschnittsüberschrift: <i>Form Status</i> Complete?	dropdown <table border="1"> <tr><td>0</td><td>Incomplete</td></tr> <tr><td>1</td><td>Unverified</td></tr> <tr><td>2</td><td>Complete</td></tr> </table>	0	Incomplete	1	Unverified	2	Complete		
0	Incomplete											
1	Unverified											
2	Complete											
<b>Fragebogen: HPO (hpo)</b>												
	50	[ hpo ]	Phänotypisierung auf der Grundlage der HPO	text, Required <table border="1"> <tr><td>BIOPORTAL:HP</td><td>BIOPORTAL:HP</td></tr> </table>	BIOPORTAL:HP	BIOPORTAL:HP						
BIOPORTAL:HP	BIOPORTAL:HP											
	51	[ version_hpo ]	Version HP Ontology	text, Required Feldannotierung: @DEFAULT='2.2'								
	52	[ beginn_symptome ]	Beginn Symptome <i>01-MM-YYYY</i>	text (date_dmy), Required								
	53	[ hpo_complete ]	Abschnittsüberschrift: <i>Form Status</i> Complete?	dropdown <table border="1"> <tr><td>0</td><td>Incomplete</td></tr> <tr><td>1</td><td>Unverified</td></tr> <tr><td>2</td><td>Complete</td></tr> </table>	0	Incomplete	1	Unverified	2	Complete		
0	Incomplete											
1	Unverified											
2	Complete											
<b>Fragebogen: Studien (studien)</b>												
	54	[ studien_register ]	Studien-Register	dropdown <table border="1"> <tr><td>1</td><td>NCT</td></tr> <tr><td>2</td><td>DRKS</td></tr> <tr><td>3</td><td>Eudra-CT</td></tr> <tr><td>4</td><td>other</td></tr> </table> Feldannotierung: // mehr Studien?	1	NCT	2	DRKS	3	Eudra-CT	4	other
1	NCT											
2	DRKS											
3	Eudra-CT											
4	other											
	55	[ studienname ]	Studienname	text								
	56	[ studien_id ]	Studien-ID	text								
	57	[ studien_complete ]	Abschnittsüberschrift: <i>Form Status</i> Complete?	dropdown <table border="1"> <tr><td>0</td><td>Incomplete</td></tr> <tr><td>1</td><td>Unverified</td></tr> <tr><td>2</td><td>Complete</td></tr> </table>	0	Incomplete	1	Unverified	2	Complete		
0	Incomplete											
1	Unverified											
2	Complete											
<b>Fragebogen: Therapieempfehlungen (therapieempfehlungen)</b>												
	58	[ therapie_art ]	Art der empfohlenen Therapie	dropdown, Required <table border="1"> <tr><td>symptomatic-</td><td>Symptomatische</td></tr> </table>	symptomatic-	Symptomatische						
symptomatic-	Symptomatische											

				therapy	nicht-medikamentöse Therapie (Fördermaßnahmen)						
				symptomatic-medication-administration	Symptomatische medikamentöse Therapie (bspw. antispastische Medikation)						
				symptomatic-intervention	Symptomatische interventionelle Therapie (Operationen, Injektionen)						
				causal-medication-administration	Kausale Therapie (medikamentös)						
				causal-intervention	Kausale Therapie (interventionell)						
	59	[ therapie_beschreibung ]	Beschreibung der empfohlenen Therapie	text, Required							
	60	[ variante1 ]	Abschnittsüberschrift: zugrundeliegende genetische Variante(n) Variante 1	text Feldannotierung: @FORMINSTANCE=varianten							
	61	[ variante2 ]	Variante 2	text Feldannotierung: @FORMINSTANCE=varianten							
	62	[ variante3 ]	Variante 3	text Feldannotierung: @FORMINSTANCE=varianten							
	63	[ variante4 ]	Variante 4	text Feldannotierung: @FORMINSTANCE=varianten							
	64	[ variante5 ]	Variante 5	text Feldannotierung: @FORMINSTANCE=varianten							
	65	[ therapieempfehlung_complete ]	Abschnittsüberschrift: Form Status Complete?	dropdown <table><tr><td>0</td><td>Incomplete</td></tr><tr><td>1</td><td>Unverified</td></tr><tr><td>2</td><td>Complete</td></tr></table>		0	Incomplete	1	Unverified	2	Complete
0	Incomplete										
1	Unverified										
2	Complete										
Fragebogen: Varianten (varianten)											
	66	[ variante ]	Variante	text, Required							
	67	[ lok_variante ]	Lokalisation der Variante	dropdown, Required <table><tr><td>coding-region</td><td>Coding Region</td></tr><tr><td>splicing-region</td><td>Splicing Region</td></tr></table>		coding-region	Coding Region	splicing-region	Splicing Region		
coding-region	Coding Region										
splicing-region	Splicing Region										



				<table><tr><td>regulatory-region</td><td>Regulatory Region</td></tr><tr><td>intronic</td><td>Intronic</td></tr><tr><td>intergenic</td><td>Intergenic</td></tr></table>	regulatory-region	Regulatory Region	intronic	Intronic	intergenic	Intergenic								
regulatory-region	Regulatory Region																	
intronic	Intronic																	
intergenic	Intergenic																	
68	[ <b>typ_variante</b> ]	Typ	dropdown, Required	<table><tr><td>1</td><td>Kausale Variante</td></tr><tr><td>2</td><td>Zusatzbefunde</td></tr><tr><td>3</td><td>Verdachtsvariante</td></tr></table>	1	Kausale Variante	2	Zusatzbefunde	3	Verdachtsvariante								
1	Kausale Variante																	
2	Zusatzbefunde																	
3	Verdachtsvariante																	
69	[ <b>varianten_complet</b> <b>e</b> ]	Abschnittsüberschrift: <i>Form Status</i> Complete?	dropdown	<table><tr><td>0</td><td>Incomplete</td></tr><tr><td>1</td><td>Unverified</td></tr><tr><td>2</td><td>Complete</td></tr></table>	0	Incomplete	1	Unverified	2	Complete								
0	Incomplete																	
1	Unverified																	
2	Complete																	
<b>Fragebogen: Klinisches Management (klinisches_management)</b>																		
70	[ <b>klinisches_manage</b> <b>ment</b> ]	Beschreibung klinisches Management	dropdown, Required	<table><tr><td>disease-specific-ambulatory-care</td><td>Indikatorerkrankungsspe Ambulanz</td></tr><tr><td>university-ambulatory-care</td><td>Andere Hochschulambu</td></tr><tr><td>local-crd</td><td>Eigenes ZSE</td></tr><tr><td>other-crd</td><td>Anderes ZSE</td></tr><tr><td>other-ambulatory-care</td><td>Andere Ambulanz</td></tr><tr><td>gp</td><td>Hausarzt</td></tr><tr><td>specialist</td><td>Niedergelassener Fachar</td></tr></table>	disease-specific-ambulatory-care	Indikatorerkrankungsspe Ambulanz	university-ambulatory-care	Andere Hochschulambu	local-crd	Eigenes ZSE	other-crd	Anderes ZSE	other-ambulatory-care	Andere Ambulanz	gp	Hausarzt	specialist	Niedergelassener Fachar
disease-specific-ambulatory-care	Indikatorerkrankungsspe Ambulanz																	
university-ambulatory-care	Andere Hochschulambu																	
local-crd	Eigenes ZSE																	
other-crd	Anderes ZSE																	
other-ambulatory-care	Andere Ambulanz																	
gp	Hausarzt																	
specialist	Niedergelassener Fachar																	
71	[ <b>klinisches_manage</b> <b>ment_complete</b> ]	Abschnittsüberschrift: <i>Form Status</i> Complete?	dropdown	<table><tr><td>0</td><td>Incomplete</td></tr><tr><td>1</td><td>Unverified</td></tr><tr><td>2</td><td>Complete</td></tr></table>	0	Incomplete	1	Unverified	2	Complete								
0	Incomplete																	
1	Unverified																	
2	Complete																	
<b>Fragebogen: Genetische Vorbefunde (genetische_vorbefunde)</b>																		
72	[ <b>art_diagnostik</b> ]	Art der Diagnostik	dropdown, Required	<table><tr><td>1</td><td>Array</td></tr><tr><td>2</td><td>Einzelgentestung</td></tr><tr><td>3</td><td>Panel</td></tr><tr><td>4</td><td>Chromosomenanalyse</td></tr><tr><td>5</td><td>Exomanalyse</td></tr><tr><td>6</td><td>andere</td></tr></table>	1	Array	2	Einzelgentestung	3	Panel	4	Chromosomenanalyse	5	Exomanalyse	6	andere		
1	Array																	
2	Einzelgentestung																	
3	Panel																	
4	Chromosomenanalyse																	
5	Exomanalyse																	
6	andere																	

73	[ datum_diagnostik ]	Datum der Diagnostik	text (date_dmy), Required										
74	[ ergebnis_diagnostik ]	Ergebnis der Diagnostik	dropdown <table><tr><td>1</td><td>Phänotyp nicht komplett geklärt</td></tr><tr><td>2</td><td>Strukturvariante mit unklarem Bruchpunkt</td></tr><tr><td>3</td><td>heterozygote Variante bei genetischer Erkrankung</td></tr><tr><td>4</td><td>keine pathogene Variante detektiert</td></tr><tr><td>5</td><td>sonstige</td></tr></table>	1	Phänotyp nicht komplett geklärt	2	Strukturvariante mit unklarem Bruchpunkt	3	heterozygote Variante bei genetischer Erkrankung	4	keine pathogene Variante detektiert	5	sonstige
1	Phänotyp nicht komplett geklärt												
2	Strukturvariante mit unklarem Bruchpunkt												
3	heterozygote Variante bei genetischer Erkrankung												
4	keine pathogene Variante detektiert												
5	sonstige												
75	[ genetische_vorbefund_complete ]	Abschnittsüberschrift: <i>Form Status</i> Complete?	dropdown <table><tr><td>0</td><td>Incomplete</td></tr><tr><td>1</td><td>Unverified</td></tr><tr><td>2</td><td>Complete</td></tr></table>	0	Incomplete	1	Unverified	2	Complete				
0	Incomplete												
1	Unverified												
2	Complete												
<b>Fragebogen: Wiedervorstellungen (wiedervorstellungen)</b>													
76	[ datum_wiedervorst ]	Datum	text (date_dmy), Required										
77	[ hpo_wiedervorst ]	Phänotypisierung auf der Grundlage der HPO	text Feldannotierung: @FORMINSTANCE=hpo										
78	[ hpo_wiedervorst_aend ]	Änderung des HPO	dropdown, Required <table><tr><td>1</td><td>neu hinzugekommen</td></tr><tr><td>2</td><td>verbessert</td></tr><tr><td>3</td><td>verschlechtert</td></tr><tr><td>4</td><td>weggefallen</td></tr></table>	1	neu hinzugekommen	2	verbessert	3	verschlechtert	4	weggefallen		
1	neu hinzugekommen												
2	verbessert												
3	verschlechtert												
4	weggefallen												
79	[ gmfcs_wiedervorst_aend ]	GMFCS	dropdown <table><tr><td>1</td><td>I</td></tr><tr><td>2</td><td>II</td></tr><tr><td>3</td><td>III</td></tr><tr><td>4</td><td>IV</td></tr><tr><td>5</td><td>V</td></tr></table>	1	I	2	II	3	III	4	IV	5	V
1	I												
2	II												
3	III												
4	IV												
5	V												
80	[ diagnose_wiedervorst ]	Diagnosestellung erfolgt	yesno, Required <table><tr><td>1</td><td>Ja</td></tr><tr><td>0</td><td>Nein</td></tr></table>	1	Ja	0	Nein						
1	Ja												
0	Nein												
81	[ ergaenz_wiedervorst ]	Ergänzende Daten zum Verlauf der Erkrankung	text, Required										
82	[ wiedervorstellung_complete ]	Abschnittsüberschrift: <i>Form Status</i> Complete?	dropdown <table><tr><td>0</td><td>Incomplete</td></tr><tr><td>1</td><td>Unverified</td></tr><tr><td>2</td><td>Complete</td></tr></table>	0	Incomplete	1	Unverified	2	Complete				
0	Incomplete												
1	Unverified												
2	Complete												

