Algorytmy i struktury danych

Laboratorium 5

Termin wysłania (MS Teams): 07 czerwca 2021 godz. 13:14

Tematy, których dotyczy ta lista zadań, omawiane będą na kolejnych wykładach. Przed rozpoczęciem pracy nad zadaniami warto wcześniej zapoznać się z rozdziałami 3, 4 oraz 5.1 w podręczniku *Algorithms* S. Dasgupty et al. [2]. W podręczniku *Introduction to Algorithms* Th. Cormena et al. [1] tematyce algorytmów grafowych poświęcona jest cała część VI, obejmująca rozdziały od 22 do 26. W obu tych książkach znajdą Państwo również przykładowe pseudokody algorytmów, które należy zaimplementować i przetestować.

Zadanie dodatkowe (**Zadanie 5.***) zostanie opublikowane jako osobna lista zadań (lista 5D). Literatura do zadania dodatkowego podana zostanie w jego opisie.

Zadanie 1. [15%]

Napisz program, który implementuje działanie kolejki priorytetowej. Struktura powinna umożliwiać przechowywanie wartości typu int wraz z ich priorytetem, będącym nieujemną liczbą całkowitą, przy czym najwyższym priorytetem jest wartość 0. Program nie powinien wymagać żadnych parametrów uruchomienia, a na standardowym wejściu przyjmuje dodatnią liczbę całkowitą M (liczba operacji), a następnie (w liniach od 2 do M+1) jedną z operacji:

- insert x p wstaw do struktury wartość x o priorytecie p,
- empty wypisz wartość 1 (true) dla pustej struktury, wartość 0 (false) w p.p.
- **top** wypisz wartość o najwyższym priorytecie lub pustą linię w przypadku braku elementów w strukturze,
- **pop** wypisz wartość o najwyższym priorytecie, a następnie usuń ją ze struktury (wypisz pustą linię w przypadku braku elementów w strukturze),
- **priority** x p dla każdego elementu o wartości x obecnego w strukturze ustawia priorytet p, jeśli jest on wyższy od aktualnego priorytetu danego elementu
- **print** wypisuje w jednej linii zawartość struktury w postaci (x_i, p_i) , gdzie x_i to kolejne wartości przechowywane w kolejce, a p_i to odpowiadające im priorytety.

Dla liczby elementów w kolejce n koszt operacji musi wynosić $O(\log n)$ dla wszystkich poleceń za wyjątkiem **print**. Przetestuj implementację na wybranych przez siebie przykładowych danych, np. dla tablicy n=1000 liczb całkowitych (z możliwymi powtórzeniami) wraz z ich priorytetami (np. wybieranymi losowo z ustalonego zakresu od 0 do P < n).

Krótka charakterystyka wybranych implementacji kolejek priorytetowych podana jest w rozdziale 4.5 w [2] (str. 125–127). Kopce binarne i bazujące na nich kolejki priorytetowe omówione są w rozdziale 6 w [1]. Nieco bardziej zaawansowana struktura danych, nazywana kopcem Fibonacciego, omówiona jest w rozdziale 19 w [1].

Zadanie 2. [25%]

Korzystając ze struktury zaimplementowanej w **Zadaniu 1.** lub kopca Fibonacciego, zaimplementuj program realizujący algorytm Djikstry, który dla podanego grafu skierowanego G=(V,E) znajduje najkrótsze ścieżki z wybranego wierzchołka $\tilde{v}\in V$ do każdego $v\in V$.

Program nie powinien wymagać żadnych parametrów wywołania. Po uruchomieniu programu, na standardowym wejściu podajemy definicję grafu G oraz wierzchołek startowy \tilde{v} . Kolejno wczytywane są:

- liczba wierzchołków n = |V| (przyjmujemy, że wierzchołki są etykietowane kolejnymi liczbami naturalnymi ze zbioru $\{1, \dots n\}$),
- liczba krawędzi m=|E| (krawędzie są postaci (u,v,w), gdzie u to źródło krawędzi, v jest wierzchołkiem docelowym, a w wagą krawędzi; zakładamy, że wagi są nieujemnymi liczbami rzeczywistymi, ale niekoniecznie spełniona jest nierówność trójkąta; ponadto przyjmujemy, iż ścieżka z u do u zawsze istnieje i ma koszt 0),
- kolejno m definicji krawędzi w postaci u v w,
- ullet etykieta wierzchołka startowego \tilde{v} .

Na standardowym wyjściu powinno zostać wypisane n linii, w formacie id_celu waga_drogi, natomiast na standardowym wyjściu błędów powinny być wypisane dokładne ścieżki (tzn. wierzchołki pośrednie i wagi) do każdego z wierzchołków docelowych oraz czas działania programu w milisekundach.

Przetestuj swoją implementację algorytmu Dijkstry. Przykładowe dane testowe (definicja grafu bez etykiety wierzchołka startowego) znajdują się w dołączonych plikach g8.txt, g250.txt, g1000.txt oraz g10000.txt.

Algorytm Dijkstry (wraz z pseudokodem oraz najważniejszymi własnościami) omówiony jest w rozdziale 4.4 w [2] oraz w rozdziale 24.3 w [1].

Zadanie 3. [35%]

Korzystając ze struktury z **Zadania 1**, zaimplementuj algorytmy znajdujące dla podanego nieskierowanego grafu spójnego G=(V,E) minimalne drzewo rozpinające. Program powinien umożliwiać wykonanie algorytmu Prima (parametr wywołania -p) oraz algorytmu Kruskala (parametr wywołania -k). Niezależnie od parametru uruchomienia, dane wejściowe przyjmują postać:

- ullet liczba wierzchołków n=|V| (przyjmujemy, że wierzchołki są etykietowane kolejnymi liczbami naturalnymi ze zbioru $\{1,\,\ldots,\,n\}$),
- liczba krawędzi m=|E| (krawędzie są postaci $(\{u,v\},w)$, gdzie $u\in V$ i $v\in V$ są połączonymi wierzchołkami, a w wagą krawędzi; zakładamy, że wagi są nieujemnymi liczbami rzeczywistymi, ale niekoniecznie spełniona jest nierówność trójkąta; ponadto przyjmujemy, że krawędź z u do u zawsze istnieje i ma koszt 0),
- kolejno m definicji krawędzi w postaci u v w.

Na standardowym wyjściu w kolejnych liniach powinny zostać wypisane krawędzie u v w tworzące drzewo rozpinające (wypisując krawędzie nieskierowane przyjmujemy konwencję, że u < v) oraz łączna waga wyznaczonego drzewa rozpinającego.

Przetestuj swoje implementacje algorytmów Prima i Kruskala. Możesz wygenerować własne dane testowe (kilka grafów różnych rozmiarów, od kilku do kilkudziesięciu tysięcy wierzchołków) lub stworzyć je w oparciu o przykładowe dane testowe z **Zadania 2.** (pamiętaj, że grafy z poprzedniego zadania były skierowane, tj. rozróżnialiśmy krawędzie (u,v,w) z u do v oraz (v,u,w) z v do u; w tym zadaniu rozważamy grafy nieskierowane).

Problem wyznaczania minimalnego drzewa rozpinającego (ang. *minimum spanning tree, MST*) oraz klasyczne algorytmy Prima i Kruskala omówione są w rozdziale 5.1 w [2] i w rozdziale 23 w [1].

Zadanie 4. [25%]

Rozważmy pełny graf nieskierowany (klikę) $K_n=(V_n,E_n)$ o n wierzchołkach, gdzie $V_n=\{1,\ldots,n\}$ jest zbiorem wierzchołków, a $E=\{(\{u,v\},w)\colon u,v\in V\ \land\ u\neq v\ \land\ w\in\mathbb{R}_+\}$ zbiorem krawędzi z dodatnimi wagami (mamy $|E|=m=\frac{n(n-1)}{2}$). Zakładamy, że wagi krawędzi **spełniają** nierówność

trójkąta. Zaimplementuj algorytmy, w których startując z dowolnego wierzchołka, trawersujemy krawędzie do czasu odwiedzenia wszystkich wierzchołków, zgodnie z następującymi strategiami.

- 1. Proste błądzenie losowe (ang. $simple\ random\ walk$) w każdym kolejnym kroku, znajdując się w wierzchołku $u\in V$, losujemy niezależnie z jednakowym prawdopodobieństwem równym $\frac{1}{n-1}$ jedną z n-1 krawędzi, którą następnie przechodzimy do kolejnego wierzchołka. Jeśli wylosowana krawędź to $(\{u,v\},w)$, to w kolejnym kroku znajdujemy się w wierzchołku v, gdzie powtarzamy całą procedurę.
- 2. Strategia zachłanna będąc w wierzchołku $u \in V$, wybieramy krawędź $(\{u,v\},w)$ o najniższej wadze spośród krawędzi prowadzących do wciąż nieodwiedzonych wierzchołków. Następnie przechodzimy do wierzchołka v i powtarzamy procedurę.
- 3. Wykorzystując algorytmy z **Zadania 3**, budujemy minimalne drzewo rozpinające T, a następnie na jego podstawie konstruujemy *cykl Hamiltona* w klice K_n , tj. taki cykl, w którym każdy wierzchołek (oprócz początkowego) odwiedzany jest dokładnie raz. Eksploracja kliki polega na przechodzeniu kolejnych krawędzi wyznaczanego cyklu Hamiltona (za wyjątkiem ostatniej nie wymagamy powrotu do wierzchołka, w którym zaczynaliśmy eksplorację).

Cykl ten możemy otrzymać w następujący sposób – dublujemy każdą z krawędzi w drzewie T, tworząc graf T^* , który jest grafem eulerowskim (tzn. grafem, w którym istnieje cykl Eulera – taki cykl, który przechodzi przez każdą krawędź dokładnie raz). Następnie wyznaczamy w grafie T^* cykl Eulera. Eksplorując graf K_n , przechodzimy ścieżką wyznaczoną przez pierwsze wystąpienie każdego z wierzchołków ze zbioru V na cyklu Eulera w T^* . Innymi słowy, usuwamy ponowne wystąpienia wszystkich wierzchołków na cyklu Eulera w T^* , trawersując krawędzie grafu K_n wyznaczone przez kolejne pary pozostałych wierzchołków.

Zaimplementuj powyższą strategię w możliwie efektywny sposób (patrz np. rozdział 35.2.1 w [1]). Sprawdź czy drzewa zbudowane przy użyciu algorytmu Prima dają zawsze te same wyniki co zbudowane przy użyciu algorytmu Kruskala.

Na standardowym wejściu podawane są kolejno:

- liczba wierzchołków n = |V|,
- m definicji krawędzi w postaci u v w.

Wybór wierzchołka startowego powinien być dokonywany przez algorytm (np. wybór losowego lub ustalonego wierzchołka).

Na standardowym wyjściu powinny zostać wypisane trzy linie (kolejno dla strategii błądzenia losowego, wyboru krawędzi o najniższej wadze, minimalnego drzewa rozpinającego) postaci: k W M t, gdzie k oznacza liczbę wykonanych kroków podczas odwiedzania wierzchołków, W – łączny koszt trasy, M – zużytą dodatkową pamięć (np. na pamiętanie odwiedzonych już wierzchołków), a t – czas działania algorytmu (wraz z preprocessingiem, np. budowaniem drzewa). Na standardowym wyjściu błędów powinny być drukowane pełne trasy wykonane dla każdej strategii.

Wykonaj testy dla grafów K_n , gdzie $n \in \{5, 50, 500, 5000, 50000, 500000\}$. Przy generowaniu wag krawędzi pamiętaj, aby spełniały one nierówność trójkąta. W przypadku błądzenia losowego wykonaj K niezależnych powtórzeń (np. K = 20/50/100) i dodatkowo wyznacz średnią liczbę kroków \overline{k} oraz średni łączny koszt trasy \overline{W} dla każdego n. Spróbuj wyznaczyć asymptotyczne oszacowanie średniej liczby kroków wykonywanych przez błądzenie losowe.

Dodatkowe uwagi i literatura Zagadnienie eksploracji grafów jest jednym z fundamentalnych, intensywnie badanych problemów algorytmicznych. W zależności od rozważanych scenariuszy i dostępnych zasobów, istnieje szereg różnych algorytmów dla problemu eksploracji, które znajdują liczne zastosowania. Jednymi z elementarnych, klasycznych technik są algorytmy przeszukiwania grafów wgłąb (ang. depth-first search, DFS) oraz wszerz (ang. breadth-first search, BFS), por. rozdziały 3.2, 3.3 i 4.2 w [2] oraz 22.2 i 22.3 w [1]. Algorytmy te zostaną szczegółowo omówione na wykładzie.

W zadaniu dodatkowym (**Zadanie 5.*** z listy 5D) pokazane zostaną przykłady prostych technik eksploracji nieznanego grafu sieci przez mobilnego agenta w środowisku rozproszonym.

Strategie z punktu 2. (strategia zachłanna) i 3. (algorytm bazujący na MST) są ściśle związane z innym bardzo znanym problemem algorytmicznym dla grafów, nazywanym problemem komiwojażera (ang. traveling salesman problem, TSP), por. np. rozdział 35.2 w [1] lub 8.1 w [2]. Problem ten polega na znalezieniu – dla zadanego grafu pełnego K_n o n wierzchołkach z dodatnimi wagami krawędzi – cyklu Hamiltona o najmniejszym koszcie (zdefiniowanym jako suma wag krawędzi tworzących ten cykl). TSP jest problemem NP-zupełnym, co w praktyce oznacza, że nie spodziewamy się istnienia efektywnego algorytmu (tj. deterministycznego algorytmu działającego w czasie wielomianowym względem n) rozwiązującego ten problem. Strategia 2. dostarcza pewnej heurystyki, aczkolwiek w ogólności nie gwarantuje ona uzyskania rozwiązania bliskiego optymalnemu. W przypadku, gdy wagi krawędzi grafu spełniają nierówność trójkąta, algorytm 3. jest algorytmem $\frac{1}{2}$ -aproksymacyjnym, tj. zwrócone rozwiązanie (cykl Hamiltona) ma co najwyżej 2 razy większy koszt niż rozwiązanie optymalne. Pewna modyfikacja strategii 3, znana jako algorytm Christofidesa, jest algorytmem $\frac{1}{3}$ -aproksymacyjnym, tj. gwarantuje uzyskanie rozwiązania co najwyżej $\frac{3}{2}$ razy gorszego od optimum (o ile wagi krawędzi spełniają nierówność trójkata). Elementy teorii złożoności obliczeniowej (w ujęciu nieco bardziej algorytmicznym) obejmujące charakterystykę klas P oraz NP i omówienie wybranych problemów NP-zupełnych można znaleźć w rozdziale 34 w [1] oraz w rozdziale 8 w [2]. Tematy te zostaną szczegółowo omówione na kursie *Teoria* obliczeń i złożoność obliczeniowa (II stopień, specjalność Algorytmika; na studiach I stopnia elementy złożoności obliczeniowej pojawiają się na kursie wybieralnym Teoretyczne podstawy informatyki).

Błądzenie losowe na grafach jest jednym z fundamentalnych przykładów łańcuchów Markowa – bardzo ważnej klasy procesów stochastycznych. Elementy teorii łańcuchów Markowa oraz ich zastosowanie w informatyce do projektowania oraz badania algorytmów dla szeregu problemów obliczeniowych przedstawione są m.in. w [3, 4, 5].

Literatura

- [1] Thomas H. Cormen, Charles E. Leiserson, Ronald L. Rivest, and Clifford Stein. *Introduction to Algorithms*. The MIT Press, 3rd edition, 2009.
- [2] Sanjoy Dasgupta, Christos H. Papadimitriou, and Umesh Vazirani. *Algorithms*. McGraw-Hill, Inc., USA, 1st edition, 2006.
- [3] Olle Häggström. *Finite Markov Chains and Algorithmic Applications*. Cambridge University Press, 3rd edition, 2002.
- [4] David A. Levin, Yuval Peres, and Elizabeth L. Wilmer. *Markov Chains and Mixing Times*. American Mathematical Society, 1st edition, 2009.
- [5] Michael Mitzenmacher and Eli Upfal. *Probability and Computing. Randomized Algorithms and Probabilistic Analysis*. Cambridge University Press, 2005.