# Algorytmy i Struktury Danych Egzamin 1, zadania A i B (28 czerwca 2024r.)

## Format rozwiązań

Wysłać należy tylko jeden plik: egz1a.py lub egz1b.py

Plik można wysyłać wielokrotnie, liczy się ostatnia wersja zapisana w systemie.

Rozwiązanie zadania musi się składać z krótkiego opisu algorytmu (wraz z uzasadnieniem poprawności) oraz jego implementacji. Zarówno opis algorytmu jak i implementacja powinny się znajdować w tym samym pliku Pythona (rozszerzenie .py). Opis powinien być na początku pliku w formie komentarza (w pierwszej linii w komentarzu powinno być imię i nazwisko studenta). Opis nie musi być długi—wystarczy kilka zdań, jasno opisujących ideę algorytmu. Implementacja musi być zgodna z szablonem kodu źródłowego dostarczonym wraz z zadaniem. Niedopuszczalne jest w szczególności:

- 1. zmienianie nazwy funkcji implementującej algorytm, listy jej argumentów, lub nazwy pliku z rozwiązaniem,
- 2. wypisywanie na ekranie jakichkolwiek napisów innych niż wypisywane przez dostarczony kod (ew. napisy dodane na potrzeby diagnozowania błędów należy usunąć przed wysłaniem zadania).

#### Dopuszczalne jest natomiast:

- 1. korzystanie z następujących elementarnych struktur danych: krotka, lista, kolejka collections.degue, kolejka priorytetowa (queue.PriorityQueue),
- 2. korzystanie z wbudowanych funkcji sortujących (można założyć, że mają złożoność  $O(n\log n)$ ),
- 3. korzystanie z zaawansowanych struktur danych (np. słowników czy zbiorów).

Wszystkie inne algorytmy lub struktury danych wymagają implementacji przez studenta. Dopuszczalne jest oczywiście implementowanie dodatkowych funkcji pomocniczych w pliku z szablonem rozwiązania.

Zadania niezgodne z powyższymi ograniczeniami otrzymają ocenę 0 punktów. Rozwiązania w innych formatach (np. .ZIP, .PDF, .DOC, .PNG, .JPG) z definicji nie będą sprawdzane i otrzymają ocenę 0 punktów, nawet jeśli będą poprawne.

```
Szablon rozwiązania: egz1a.py
```

Złożoność akceptowalna (1.0pkt):  $O(VE \log V)$  lub  $O(V^3)$ 

Złożoność wzorcowa (+3.0pkt):  $O(E \log V)$ 

Gdzie V to liczba wierzchołków w grafie a E to liczba krawędzi. Należy założyć, że liczba rowerów jest co najwyżej rzędu O(V).

Duathlon na orientację polega na tym, że zawodnik najpierw biegnie ze startu s do wybranego przez siebie roweru (dowolnego z wielu dostępnych), a następnie jedzie na tym rowerze do mety t (może też biec prosto do mety, nie biorąc roweru). Gdy zawodnik wybierze jakiś rower, to nie może go już zmienić (ale nie musi w danym punkcie brać roweru, nawet jak jest dostępny). Luiza Silnoręka startuje w takich zawodach i chce zaplanować to najszybsze pokonanie trasy. Trasa reprezentowana jest jako graf ważony, w którym wirezchołki to punkty orientacyjne (wliczając w to start s i metę t) a krawędzie to ścieżki, którymi można się między tymi punktami poruszać. Każda krawędź (ścieżka) ma czas wyrażony w minutach, jaki Luiza potrzebuje, żeby ją przebiec (są to zawsze liczby naturalne). W każdym punkcie orientacyjnym może być jeden, kilka, lub zero rowerów. Każdy rower opisany jest przez dwie liczby naturalne, p i q. Wiadomo, że jeśli Luiza potrzebuje x minut aby przebyć pewną ścieżkę, to na rowerze opisanym przez p i q przejedzie ją w czasie  $x \cdot \frac{p}{q}$  (o ile możnaby oczekiwać, że p < q, to niektóre rowery są tak niewygodne, że ten warunek nie zachodzi).

Proszę zaimplementować funkcję armstrong(B, G, s, t), która otrzymuje na wejściu listę B opisującą dostępne rowery, graf G opisujący trasę, oraz numery wierzchołków s i t, a zwraca najmniejszą liczbę minut (zaokrągloną w dół), jaką Luiza potrzebuje na pokonanie trasy duathlonu.

Lista B zawiera trójki postaci (i, p, q), gdzie i to numer wierzchołka, w którym jest rower o parametrach p i q. W danym wierzchołku może być kilka rowerów i wówczas trójka z tą samą wartością i pojawia się w danych kilka razy.

Graf G ma wierzchołki o numerach od 0 do n-1, jest nieskierowany i jest reprezentowany przez listę krawędzi. Każda krawędź to trójka w postaci (u, v, w), gdzie u i v to numery wierzchołków, które łączy, a w to liczba minut, przez którą Luiza przebiega tę krawędź.

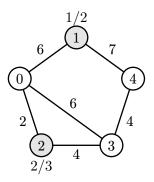
### Przykład 1. Dla wejścia:

$$B = [ (1, 1, 2), (2, 2, 3) ]$$

$$G = [ (0,1,6), (1,4,7), (4,3,4), (3,2,4), (2,0,3), (0,3,6) ]$$

$$s = 0$$

$$t = 4$$



wywołanie armstrong (B,G,s,t) powinno zwrócić wartość 8: Luiza biegnie przez 3 minuty do punktu 2, wsiada na rower 2/3, jedzie do punktu 3 przez 8/3 minuty, na koniec jedzie do punktu 4 (czyli mety) przez kolejne 8/3 minuty. Jej łączny czas to 3+8/3+8/3=3+16/3=8+1/3 minuty, czyli zaokrąglony w dół wynik to 8.

Szablon rozwiązania:	egz1b.py
Złożoność elementarna (0.5pkt):	$O(n^3 \log n)$
Złożóność lepsza (2.0pkt):	$O(n^2 \log n)$
Złożóność wzorcowa (4.0pkt):	O(nk)
Gdzie $n$ to długość ciągu $T$ .	

Dany jest ciąg liczb T[0], ..., T[n-1]. Mówimy, że dowolny jego podciąg jest k-spójny jeśli można go stworzyć poprzez wybranie pewnego zakresu elementów T[i], T[i+1], T[i+2], ..., T[j], a następnie usunięciu spośród nich co najwyżej k elementów.

Na przykład jeśli mamy ciąg 3, 1, -2, 7, 5, 10, -8, 4 to 1, 5, 10 jest jego 2-spójnym podciągiem: Można go stworzyć wybierając elementy 1, -2, 7, 5, 10 a następnie usuwając -2 i 7.

Proszę zaimplementować funkcję kstrong (T, k), która otrzymuje na wejściu ciąg T i zwraca maksymalną sumę k-spójnego podciągu T. Funkcja powinna być jak najszybsza.

## Przykład 1. Dla wejścia:

$$T = [-20, 5, -1, 10, 2, -8, 10]$$

wywołanie kstrong (T, 1) powinno zwrócić wartość 26, odpowiadającą 1-spójnemu podciągowi 5, -1, 10, 2, 10 (pomijamy wartość -8).

# Algorytmy i Struktury Danych Egzamin 2/Zaliczenie 3 (5 września 2024r.)

### Format rozwiązań

Dla każdeg z zadań należy Wysłać tylko jeden plik.

Plik dla danego zadania można wysyłać wielokrotnie, liczy się ostatnia wersja zapisana w systemie.

Rozwiązanie zadania musi się składać z krótkiego opisu algorytmu (wraz z uzasadnieniem poprawności) oraz jego implementacji. Zarówno opis algorytmu jak i implementacja powinny się znajdować w tym samym pliku Pythona (rozszerzenie .py). Opis powinien być na początku pliku w formie komentarza (w pierwszej linii w komentarzu powinno być imię i nazwisko studenta). Opis nie musi być długi—wystarczy kilka zdań, jasno opisujących ideę algorytmu. Implementacja musi być zgodna z szablonem kodu źródłowego dostarczonym wraz z zadaniem. Niedopuszczalne jest w szczególności:

- 1. zmienianie nazwy funkcji implementującej algorytm, listy jej argumentów, lub nazwy pliku z rozwiązaniem,
- 2. wypisywanie na ekranie jakichkolwiek napisów innych niż wypisywane przez dostarczony kod (ew. napisy dodane na potrzeby diagnozowania błędów należy usunąć przed wysłaniem zadania).

#### Dopuszczalne jest natomiast:

- 1. korzystanie z następujących elementarnych struktur danych: krotka, lista, kolejka collections.deque, kolejka priorytetowa (queue.PriorityQueue),
- 2. korzystanie z wbudowanych funkcji sortujących (można założyć, że mają złożoność  $O(n\log n)$ ),
- 3. korzystanie z zaawansowanych struktur danych (np. słowników czy zbiorów),
- 4. korzystanie z biblioteki itertools.

Wszystkie inne algorytmy lub struktury danych wymagają implementacji przez studenta. Dopuszczalne jest oczywiście implementowanie dodatkowych funkcji pomocniczych w pliku z szablonem rozwiązania.

Zadania niezgodne z powyższymi ograniczeniami otrzymają ocenę 0 punktów. Rozwiązania w innych formatach (np. .ZIP, .PDF, .DOC, .PNG, .JPG) z definicji nie będą sprawdzane i otrzymają ocenę 0 punktów, nawet jeśli będą poprawne.

Szablon rozwiązania: egz2a.py Złożoność akceptowalna (1.0pkt):  $O(2^n \cdot \text{poly}(n))$  Złożóność wzorcowa (+3.0pkt):  $O(n^3)$  Gdzie poly(n) to dowolny wielomian zmiennej n

Pewien układ elektryczny ma 2n wejść ponumerowanych od 0 do 2n-1. Wejścia należy połączyć przewodami. Do każdego wejścia powinien dochodzić jeden przewód i każdy przewód łączy dokładnie dwa wejścia. Oznacza to, że należy użyć w sumie n przewodów. Zasada działania układu wymaga, żeby przewody nie krzyżowały się, czyli jeśli połączymy przewodami wejście i oraz wejście j (gdzie i < j), to żadne z wejść od i+1 do j-1 nie może być połączone z żadnym z wejść od 0 do i-1 ani z żadnym z wejść od j+1 do 2n-1. Dodatkowo dana jest tablica T, gdzie T[i] to parametr mocy i-go wejścia. Kabel, który bezpiecznie łączy wejście i z wejściem j kosztuje 1+|T[i]-T[j]|.

Proszę zaimplementować funkcję wired(T), która otrzymuje na wejściu listę T z parametrami mocy wejść, a zwraca minimalny koszt przewodów pozwalających na ich połączenie zgodnie z zasadami. Funkcja powinna być możliwie jak najszybsza.

## Przykład 1. Dla wejścia:

wywołanie wired (T) powinno zwrócić wartość 6: Łączymy wejścia 0 i 3 (koszt 1 + |7 - 7| = 1), 1 i 2 (koszt 1 + |1 - 3| = 3), oraz 4 i 5 (koszt 1 + |2 - 1| = 2)

```
      Szablon rozwiązania:
      egz2b.py

      Złożoność podstawowa (1.0pkt):
      O(m^2 \log(m))

      Złożoność lepsza (2.0pkt):
      O(m \log(m))

      Złożoność wzorcowa (4.0pkt):
      O(m)

      gdzie m to liczba linii kolejowych.
```

Bajtocja to bardzo bogaty kraj. Pracują w niej inżynierowie z całego świata. Niestety, rodzi to czasem problemy. Okazuje się na przykład, że część linii kolejowych w Bajtocji ma indyjski rozstaw szyn (1676 mm) a reszta ma rozstaw przylądkowy (1067 mm). Główny Rozkładowy, inżynier Armin Mos, ma za zadanie zaplanować najkrótszą trasę ze stacji A do stacji B. Po drodze pociąg będzie potencjalnie musiał przejechać przez pewne inne stacje. Jeśli pociąg wjeżdża na stację i wyjeżdża z niej linią indyjską to przejazd zajmuje 5 jednostek czasu. Wjazd i wyjazd linią przylądkową zajmuje 10 jednostek czasu. Jeśli natomiast na stacji trzeba zmienić rozstaw kół to przejazd zajmuje 20 jednostek czasu. Pomiędzy stacjami pociąg jedzie z prędkością jednego kilometra na jednostkę czasu. Odległości pomiędzy stacjami to dodatnie liczby naturalne nie większe niż 10 kilometrów. Ruszając ze stacji A pociąg ma dopasowany rozkład kół do pierwszej linii, którą się porusza.

Proszę zaimplementować funkcję tory\_amos(E, A, B), która otrzymuje na wejściu opis linii kolejowych E, numer stacji początkowej A oraz numer stacji końcowej B i zwraca najkrótszy możliwy czas przejazdu z A do B. Opis linii kolejowych to lista krotek postaci (x, y, d, typ), gdzie x i y to numery stacji połączonych linią kolejową,  $d \in \{1, ..., 10\}$  to długość linii zaś typ to jej rozstaw. Jeśli typ == 'I' to linia ma rozstaw indyjski. Jeśli typ == 'P' to linia ma rozstaw przylądkowy. Każda linia kolejowa jest dwukierunkowa (ma tor w kierunku x->y i tor w kierunku y->x). Może się zdarzyć, że pewne stacje są połączone zarówno linią indyjską jak i linią przylądkową. Stacje numerowane są od 0.

### Przykład 1. Dla wejścia:

wywołanie tory\_amos(E, A, B) powinno zwrócić wartość 41, co odpowiada:

- przejechaniu z 5 do 0 linią przylądkową (5 jednostek czasu),
- przejechaniu stacji 0 linią przylądkową (10 jednostek),
- przejechaniu z 0 do 1 linią przylądkową (5 jednostek),
- zmienia rozstawu kół na stacji 1 (20 jednostek),
- przejechaniu z 1 do 3 linią indyjską (1 jednostka).

## Algorytmy i Struktury Danych Egzamin 3 (12 września 2024r.)

### Format rozwiązań

Dla każdego zadania należy wysłać tylko jeden plik.

Plik można wysyłać wielokrotnie, liczy się ostatnia wersja zapisana w systemie.

Rozwiązanie zadania musi się składać z krótkiego opisu algorytmu (wraz z uzasadnieniem poprawności) oraz jego implementacji. Zarówno opis algorytmu jak i implementacja powinny się znajdować w tym samym pliku Pythona (rozszerzenie .py). Opis powinien być na początku pliku w formie komentarza (w pierwszej linii w komentarzu powinno być imię i nazwisko studenta). Opis nie musi być długi—wystarczy kilka zdań, jasno opisujących ideę algorytmu. Implementacja musi być zgodna z szablonem kodu źródłowego dostarczonym wraz z zadaniem. Niedopuszczalne jest w szczególności:

- 1. zmienianie nazwy funkcji implementującej algorytm, listy jej argumentów, lub nazwy pliku z rozwiązaniem,
- wypisywanie na ekranie jakichkolwiek napisów innych niż wypisywane przez dostarczony kod (ew. napisy dodane na potrzeby diagnozowania błędów należy usunąć przed wysłaniem zadania).

#### Dopuszczalne jest natomiast:

- 1. korzystanie z następujących elementarnych struktur danych: krotka, lista, kolejka collections.deque, kolejka priorytetowa (queue.PriorityQueue),
- 2. korzystanie z wbudowanych funkcji sortujących (można założyć, że mają złożoność  $O(n\log n)$ ),
- 3. korzystanie z zaawansowanych struktur danych (np. słowników czy zbiorów),

Wszystkie inne algorytmy lub struktury danych wymagają implementacji przez studenta. Dopuszczalne jest oczywiście implementowanie dodatkowych funkcji pomocniczych w pliku z szablonem rozwiązania.

Zadania niezgodne z powyższymi ograniczeniami otrzymają ocenę 0 punktów. Rozwiązania w innych formatach (np. .ZIP, .PDF, .DOC, .PNG, .JPG) z definicji nie będą sprawdzane i otrzymają ocenę 0 punktów, nawet jeśli będą poprawne.

```
Szablon rozwiązania: egz3a.py
Złożoność podstawowa (1.0pkt): O(V^3)
Złożoność lepsza (2.0pkt): O(VE)
Złożoność wzorcowa (4.0pkt): O(V+E)
gdzie V to liczba drzew a E to liczba połączeń między drzewami.
```

Planeta Pandora jest porośnięta lasem deszczowym posiadającym rozległy system korzeni. System korzeniowy obejmujący cały las stanowi graf, którego wierzchołki reprezentują drzewa, mogące łączyć się systemami korzeniowymi z innymi drzewami, co jest reprezentowane przez krawędzie grafu. Aby zbadać system korzeni wybrano k drzew i wszczepiono im k różnych gatunków grzyba numerowanych od 0 do k-1. W jednostce czasu grzyb rozrasta się z drzewa na wszystkie z którymi bezpośrednio łączy się korzeniami. Jeśli dwa lub więcej gatunków grzyba docierają do drzewa w tej samej jednostce czasu, "wygrywa" ten z najmniejszym indeksem. Proszę zaproponować i zaimplementować algorytm wyznaczający ile drzew docelowo zostanie opanowanych przez grzyb o numerze d.

Algorytm należy zaimplementować jako funkcje mykoryza(G, T, d), której argumentami sa:

- graf G w postaci list sąsiadów opisujący system korzeni,
- tablica T zawierająca numery drzew, którym wszczepiono grzyby,
- d numer grzyba.

Funkcja powinna zwrócić liczbę drzew opanowanych przez grzyb numer d.

```
Przykład. Dla wejścia:
```

```
G = [[1,3],[0,2,4],[1,5],

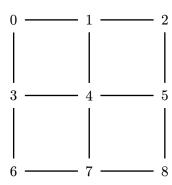
[0,4,6],[1,3,5,7],[2,4,8],

[3,7],[4,6,8],[7,5]]

T = [8,2,6]

d = 1
```

wywołanie mykoryza(G, T, d) powinno zwrócić wartość 3. Opanowane grzybem nr 1 będą drzewa: 0,1,2.



Szablon rozwiązania: egz3b.py
Złożoność podstawowa (1.0pkt):  $O(n^2)$ Złożoność lepsza (2.0pkt):  $O(n \log(n))$ Złożoność wzorcowa (4.0pkt): O(n)gdzie n to liczba elementów tablicy.

Liczbą k-pechową (gdzie k jest liczbą naturalną) nazywamy dowolny element ciągu:

$$\begin{split} x_1 &= k, \\ x_{i+1} &= x_i + (x_i \ \% \ i) + 7, \end{split}$$

gdzie % oznacza resztę z dzielenia. W eksperymencie prof. Bitowego powstała n-elementowa tablica T liczb ze zbioru  $\{1,...n\}$ . Próbując zrozumieć wynik eksperymentu, prof. Bitowy poszukuje najdłuższego spójnego fragmentu tablicy T, który zawiera nie więcej niż dwie liczby k-pechowe. Proszę zaproponować i zaimplementować algorytm wyznaczający długość takiego fragmentu tablicy.

Algorytm należy zaimplementować jako funkcję  $\mathtt{kunlucky}(\mathtt{T}, \mathtt{k})$ . której argumentami są: tablica T liczb z eksperymentu profesora Bitowego oraz stała k w definicji liczby k-pechowej. Zaproponowany algorytm powinien być możliwie jak najszybszy. Proszę uzasadnić jego poprawność i oszacować złożoność czasową.

Przykład. Dla wejścia:

#2 #18 
$$T = [11, 10, 19, 19, 17, 16, 3, 9, 6, 14, 13, 8, 2, 13, 11, 12, 5, 5, 5] k = 3$$

wywołanie kunlucky (T, k) powinno zwrócić wartość 17 odpowiadającą długości przedziału od indeksu 2 do indeksu 18 włącznie. Podkreśleniem zaznaczono liczby k-pechowe (dla k=3). Indeksy nad tablicą wskazują granice szukanego fragmentu tablicy.