

【基本情况】

姓名： 沈文龙
出生年月： 1988.05
电话： 13699205352
邮箱： shenwl1988@163.com
个人主页： <https://wenlongshen.github.io/>



【教育经历】

| | | | |
|-------------------|----|---------|----------|
| 2010.08 - 2015.07 | 博士 | 军事医学科学院 | 生物信息学 |
| 2006.08 - 2010.07 | 本科 | 清华大学 | 计算机科学与技术 |

【工作经历】

| | | |
|------------|-------|---------|
| 2015.08 至今 | 助理研究员 | 军事医学科学院 |
|------------|-------|---------|

【所获奖励】

| | |
|-------------|---------------------|
| 2011 - 2014 | 连续三年军事医学科学院优秀研究生奖学金 |
| 2015 | 军事医学科学院优秀博士论文 |

【研究方向】

基因组、转录组、蛋白组等多组学数据整合分析、大数据及生物学网络模型构建。

关注遗传信息从 DNA 序列（一维、线性）到基因组结构（三维、多元）及其在细胞周期（空间、时间变换）、物种进化过程中的变与不变。

【业务能力】

1. 具有坚实的计算机软硬件技术和语言、算法基础，完整地学习了分子生物学、遗传学、表观基因组学和系统生物学的理论知识和基础技能。擅长将生物学问题用信息学方法抽象表达，再利用计算机辅助建模计算、分析预测等。同时具有多年的高通量测序及基因组、转录组、蛋白组等多组学数据分析经验，熟悉从样本建库到测序后数据处理的各个环节，以及常用的数据库、生物信息学工具、算法等。

2. 熟练操作 Linux 系统，掌握 C++、Java、Perl、Python、R、Matlab 等语言，熟悉 MySQL 数据库的基本使用与维护。
3. 良好的英文读写和听说能力。
4. 具有踏实的工作态度、良好的团队精神和自我驱动能力。

【文章成果】

1. **Shen W**¹, Wang D, Ye B, Shi M, Ma L, Zhang Y^{*}, Zhao Z^{*}. GC3-biased gene domains in mammalian genomes. *Bioinformatics*. 2015, 31(19):3081-3084. (IF=5.8)
2. **Shen W**¹, Wang D, Ye B, Shi M, Zhang Y^{*}, Zhao Z^{*}. A possible role of Drosophila CTCF in mitotic bookmarking and maintaining chromatin domains during the cell cycle. *Biological Res*. 2015, 48:27. (IF=1.3)
3. Zhang Y¹, **Shen W**¹, Shi M¹, Zhang L, Zhang Z, Li P, Xing LY, Luo F, Sun Q^{*}, Zheng X, Yang X^{*}, Zhao Z^{*}. Involvement of aberrant miR-139/Jun feedback loop in human gastric cancer. *Biochim Biophys Acta*. 2015, 1853(2):481-488. (Co-first author, IF=5.3)
4. Ye B¹, **Shen W**, Wang D, Li P, Zhang Z, Shi M, Zhang Y, Zhang F^{*}, Zhao Z^{*}. ZNF143 is involved in CTCF-mediated chromatin interactions by cooperation with cohesin and other partners. *Mol Biol*. 2016, 50(3):496-503. (IF=0.6)
5. Zhang Z¹, Zhang Y, Shi M, Ye B, **Shen W**, Li P, Xing L, Zhang X, Hou L, Xu J^{*}, Zhao Z^{*}, Chen W^{*}. Anthrax Susceptibility: Human Genetic Polymorphisms Modulating ANTXR2 Expression. *Toxins*. 2016, 8(1). (IF=3.6)
6. Zhang Y¹, Fan K¹, Sun Q^{1,*}, Chen A, **Shen W**, Zhao Z, Zheng X^{*}, Yang X^{*}. Functional screening for miRNAs targeting Smad4 identified miR-199a as a negative regulator of TGF- β signalling pathway. *Nucleic Acids Res*. 2012, 40(18):9286-9297. (IF=9.2)