

## 【基本情况】

姓名： 沈文龙  
出生年月： 1988.05  
电话： 13699205352  
邮箱： shenwl1988@163.com



## 【教育经历】

2010.08 - 2015.07	博士	军事医学科学院	生物信息学
2006.08 - 2010.07	本科	清华大学	计算机科学与技术

## 【工作经历】

2015.08 至今          助理研究员      军事医学科学院

## 【所获奖励】

2011 - 2014          连续三年军事医学科学院优秀研究生奖学金  
2015                  军事医学科学院优秀博士论文

## 【研究方向】

基因组、转录组、蛋白组等多组学数据整合分析、大数据及生物学网络模型构建。

## 【业务能力】

1. 具有坚实的计算机软硬件技术和语言、算法基础，完整地学习了分子生物学、遗传学、表观基因组学和系统生物学的理论知识和基础技能。擅长将生物学问题用信息学方法抽象表达，再利用计算机辅助建模计算、分析预测等。同时具有多年的高通量测序及基因组、转录组、蛋白组等多组学数据分析经验，熟悉从样本建库到测序后数据处理的各个环节，以及常用的数据库、生物信息学工具、算法等。
2. 熟练操作 Linux 系统，掌握 C++、Java、Perl、Python、R、Matlab 等语言，熟悉 MySQL 数据库的基本使用与维护。
3. 良好的英文读写和听说能力。

4. 具有踏实的工作态度、良好的团队精神和自我驱动能力。

## 【文章成果】

1. **Shen W**<sup>1</sup>, Wang D, Ye B, Shi M, Ma L, Zhang Y<sup>\*</sup>, Zhao Z<sup>\*</sup>. GC3-biased gene domains in mammalian genomes. *Bioinformatics*. 2015, 31(19):3081-3084. (IF=5.8)
2. **Shen W**<sup>1</sup>, Wang D, Ye B, Shi M, Zhang Y<sup>\*</sup>, Zhao Z<sup>\*</sup>. A possible role of Drosophila CTCF in mitotic bookmarking and maintaining chromatin domains during the cell cycle. *Biological Res*. 2015, 48:27. (IF=1.3)
3. Zhang Y<sup>1</sup>, **Shen W**<sup>1</sup>, Shi M<sup>1</sup>, Zhang L, Zhang Z, Li P, Xing LY, Luo F, Sun Q<sup>\*</sup>, Zheng X, Yang X<sup>\*</sup>, Zhao Z<sup>\*</sup>. Involvement of aberrant miR-139/Jun feedback loop in human gastric cancer. *Biochim Biophys Acta*. 2015, 1853(2):481-488. (Co-first author, IF=5.3)
4. Ye B<sup>1</sup>, **Shen W**, Wang D, Li P, Zhang Z, Shi M, Zhang Y, Zhang F<sup>\*</sup>, Zhao Z<sup>\*</sup>. ZNF143 is involved in CTCF-mediated chromatin interactions by cooperation with cohesin and other partners. *Mol Biol*. 2016, 50(3):496-503. (IF=0.6)
5. Zhang Z<sup>1</sup>, Zhang Y, Shi M, Ye B, **Shen W**, Li P, Xing L, Zhang X, Hou L, Xu J<sup>\*</sup>, Zhao Z<sup>\*</sup>, Chen W<sup>\*</sup>. Anthrax Susceptibility: Human Genetic Polymorphisms Modulating ANTXR2 Expression. *Toxins*. 2016, 8(1). (IF=3.6)
6. Zhang Y<sup>1</sup>, Fan K<sup>1</sup>, Sun Q<sup>1,\*</sup>, Chen A, **Shen W**, Zhao Z, Zheng X<sup>\*</sup>, Yang X<sup>\*</sup>. Functional screening for miRNAs targeting Smad4 identified miR-199a as a negative regulator of TGF- $\beta$  signalling pathway. *Nucleic Acids Res*. 2012, 40(18):9286-9297. (IF=9.2)