



**SAKARYA**  
**ÜNİVERSİTESİ**

**Bilgisayar ve Bilişim Bilimleri Fakültesi**

**Bilgisayar Mühendisliği**

**Veri Yapıları**

**2.Ödev**

**Hazırlayan Öğrencinin:**

**Adı: KORHAN**

**Soyadı: TEMİZ**

**Numarası: B201210063**

## Bizden İstenilenler

Ödevde bizden dosyadan sayıları ve satırları okuyup, okunan degerleri istenilen bicimde hücrelere, dokulara, organlara, sistemlere ve organizmaya yerleştirmemiz istenilmiştir. Bu işlemler tamamlandıktan sonra organlar içindeki ağaçların dengeli olup olmama durumuna göre “Bosluk” ve ‘#’ koymamız, belli bir çıktı elde etmemiz istenmiştir. Çıktı elde edildiğinde dokuların orta hücrelerindeki sayının istenilen kosula uymaması durumunda doku hücrelerini mutasyona ugratmamız ve çıktığı bu mutasyon sonucunda belli bir bozulmaya ugratmamız gerekmektedir.

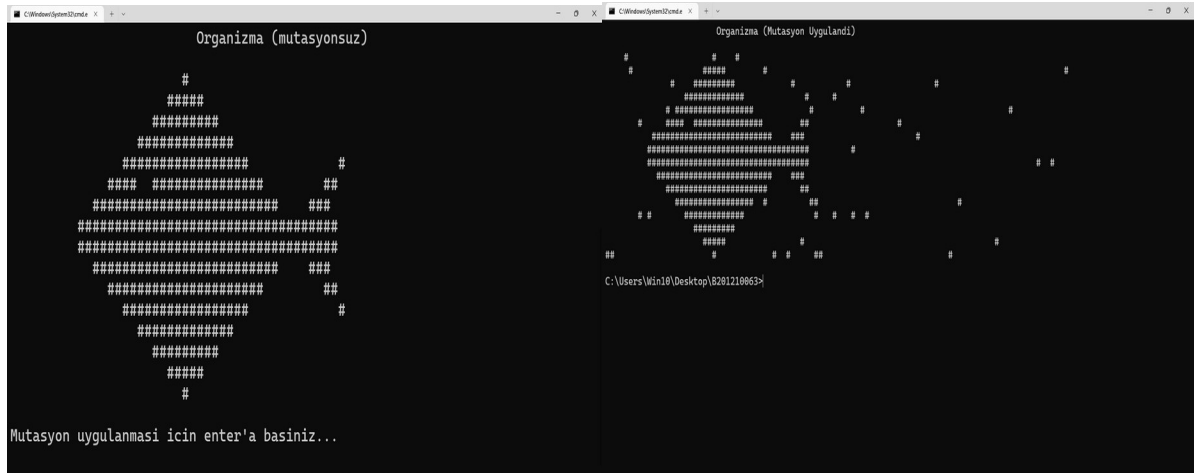
## Öğrendiğim Şeyler

Radix sort algoritmasının nasıl isledigini, agac veri yapısını, dosyadan veri okuyup, bu verileri daha detaylı bicimde yerleştirmeyi öğrendim.

## Zorlandığım Kısımlar

Okuduğum sayıları ve satırları her seferinde bir üst sınıfa aktarmada ve bu aktarma işlemi sırasında organ ve sistemlerdeki sayı kısıtını düzgün bir sekilde alabilmekte zorlandım. Verileri mutasyona uğratma kısmında mutasyonlu her dokunun çift uzunluktaki dnalarını yarıya indirip bunları istenilen formatta alıp tekrardan ekleme noktasında zorlandım ama önce mutasyonlu dokuları istenildiği gibi mutasyona uğratıp sonra post order sekilde ekleyerek bu durumu çözdüm.

## Ödevimdeki Çıktılar



## Kaynakça

- [1] <https://www.geeksforgeeks.org/radix-sort/>
- [2] [https://www.tutorialspoint.com/data\\_structures\\_algorithms/binary\\_search\\_tree.htm](https://www.tutorialspoint.com/data_structures_algorithms/binary_search_tree.htm)
- [3] <https://stackoverflow.com/>