**YEAST DATASET**

Maya Hücresi Protein Lokalizasyon Verileri

Bu verilerin amacı, bir maya hücresindeki proteinlerin lokalizasyonlarını tahmin etmek için çeşitli tanımlayıcılar kullanmaktır.

Bu veritabanı bir dizi Maya hücresi hakkında bilgi içerir. Görev, her hücrenin 10 olası alternatif arasında lokalizasyon yerini belirlemektir.

Özellik açıklaması:

- Mcg: McGeoch'un sinyal dizisi tanıma yöntemi.

- Gvh: von Heijne'nin sinyal dizisi tanıma yöntemi.

- Alm: ALOM membranı kapsayan bölge tahmin programının puanı.

- Mit: Mitokondriyal ve mitokondriyal olmayan proteinlerin N-terminal bölgesinin (20 kalıntı uzunluğunda) amino asit içeriğinin ayrımcı analiz skoru.

- Erl: "HDEL" alt dizesinin varlığı (endoplazmik retikulum lümeninde tutulma sinyali olarak kabul edilir). İkili öznitelik.

- Çiçeği: C terminalindeki peroksizomal hedefleme sinyali.

- Vac: Vacuolar ve hücre dışı proteinlerin amino asit içeriğinin ayırt edici analiz skoru.

- Nuc: Nükleer ve nükleer olmayan proteinlerin nükleer lokalizasyon sinyallerinin ayrımcı analiz skoru.

**EMG DATASET**

Sekiz kanallı yüzey EMG, 10 deneğin ön kolunun en geniş kısmından sinyaller almaktır. Bu sinyaller, baş parmak, işaret parmağı, orta parmak, yüzük parmağı ve küçük parmak olan beş ayrı parmağın hareketine karşılık gelir.

