(FDR values, MHC region excluded) 0.053 Module grey (3909 genes) 0.62 5.6e-11 0.25 0.032 0.55 2.5e-55 Module turquoise (3313 genes) Module blue (2511 genes) 0.51 0.58 0.98 1.2e-05

Enrichment/depletion GWAS, TWAS, SMR, and DE genes in WGCNA modules

Module brown (2245 genes) 0.053 0.74 0.62 1.3e-77 Module yellow (1569 genes) 0.51 0.6 1.2e-09 Module green (1563 genes) 0.19 0.62 3.3e-20 Module red (1253 genes) 0.58 0.54 0.00012 log2(enrichment ratio) Module black (1014 genes) 0.43 0.1 0.88 5.7e-23 Module pink (788 genes) 0.51 0.031 0.54 8.6e-46 Module magenta (676 genes) 1.2e-07 0.1 Module purple (475 genes) 0.95 0.1 1.2e-05 0.54 Module greenyellow (438 genes) 0.78 0.14 Module tan (408 genes) 0.62 0.58 0.54 1.1e-06 Module salmon (397 genes) 0.62 0.25 0.78 0.025 Module cyan (373 genes) 0.54 1.2e-05 0.32 0.58 0.7 Module midnightblue (367 genes) 0.0062 Module lightcyan (338 genes) 0.3 6.2e-13

Module grey60 (291 genes) 0.62 0.56 0.62 2.9e-09 Module lightgreen (227 genes) 0.51 0.082 0.54 6.7e-05 Module lightyellow (226 genes) 0.00098 0.18 0.58 0.7 Module royalblue (214 genes) 0.54 0.45 Module darkred (202 genes) 0.51 0.16 0.54 0.00053 **GWAS** DE **TWAS SMR**