



Klasyfikacja a regresja Unsupervised learning

Labratorium 3

Sebastian Kuzara KRUK S.A. Statistical Methods Development Area Wrocław, 2024











K-means

KRUK

Idea: podzielenie podobnych obserwacji na k grup

Cel: znalezienie wzorców "ukrytych" w danych

Algorytm:

- 1. Wybieramy k (na ile grup chcemy podzielić obserwacje)
- 2. wyznaczane zostają losowo pierwsze współrzędne centroidów grup
- iteracyjnie optymalizujemy współrzędne centroidów aż do momentu: (1) braku zmiany współrzędnych,
 (2) wykonania maksymalnej liczby zadanych iteracji
 - co iterację przypisujemy punkty do grupy wg najmniejszej odległości od aktualnych centroidów
 - aktualizujemy współrzędne centroidów dla wyznaczonych grup
- 4. ze względu na losowe inicjowanie współrzędnych w pierwszej iteracji, przydzielenie obserwacji do konkretnych grup może być różne dla modeli zbudowanych na tych samych danych.

K-means – przygotowanie danych

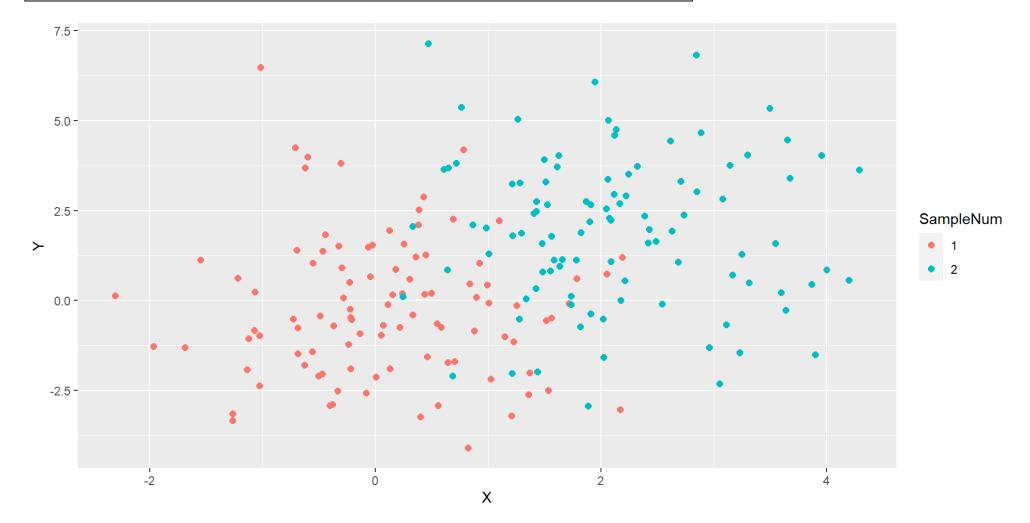


```
library(data.table)
library(ggplot2)
n samples <- 100
set.seed(123)
data_sample1 <- data.table(</pre>
         SampleNum = "1",
         X = rnorm(n_samples),
         Y = rnorm(n_samples, sd = 2.0)
data sample2 <- data.table(
         SampleNum = "2",
         X = rnorm(n samples, mean = 2.0),
         Y = rnorm(n_samples, mean = 2.0, sd = 2.0)
```

K-means – dane na wykresie



```
ggplot(data = data) +
geom_point(aes(x = X, y= Y, color = SampleNum), size=2)
```



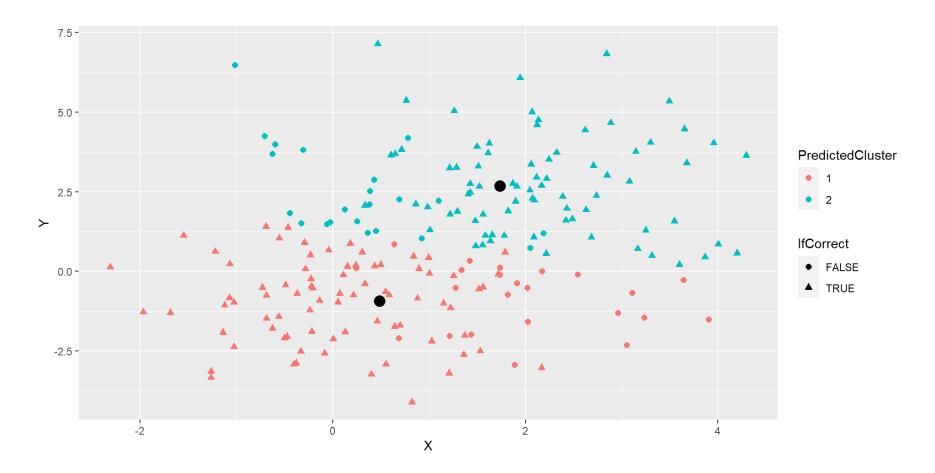
K-means - model

```
KRUK
```

```
set.seed(123)
model <- kmeans(x = data[,.(X, Y)], centers = 2)
data[,PredictedCluster := as.character(model$cluster)]
data[,IfCorrect := SampleNum == PredictedCluster]</pre>
```

K-means - predykcje





hierarchical clustering

Idea: grupowanie obserwacji podobnych (najbliższych)

KRUK

Dwa kierunki:

- Agglomerative (łączenie) wychodzimy od klastrów jako pojedynczych obserwacji i łączymy je w grupy aż do momentu aż cały zbiór stanowi
 jeden klaster
- Divisive (podział) odwrotny kierunek

Algorytm (Agglomerative) iteracyjnie:

- oblicz odległość między klastrami
- połącz najbliższe kastry w jeden
- powtarzaj aż zostanie jeden klaster

Do wyboru:

- funkcja odległości
- funkcja połączenia (linkage) wyznaczamy współrzędne klastra
- poziom odcięcia lub liczba grup

Należy przekształcić cechy do identycznej skali.

hierarchical clustering – przygotowanie danych

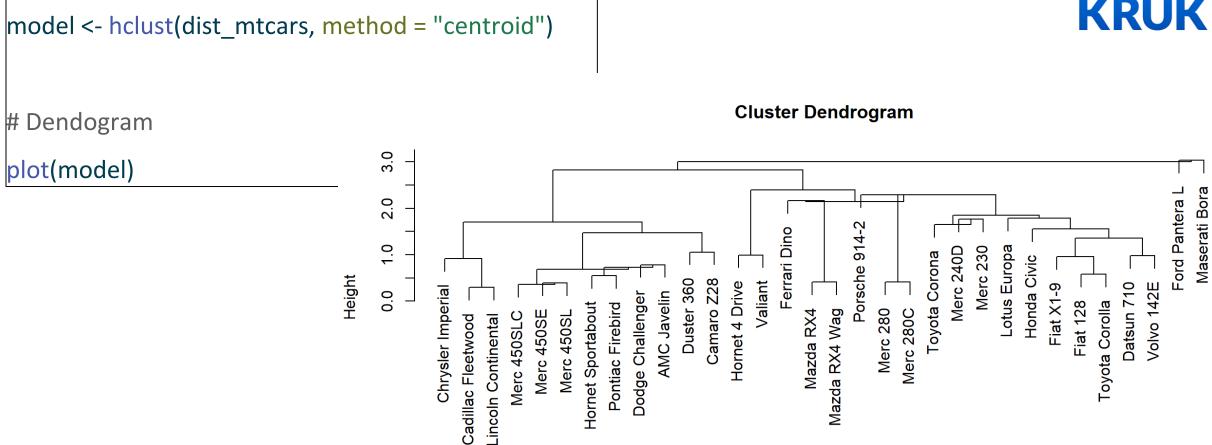
```
library(data.table)
library(caret)

mtcars <- datasets::mtcars
scaler <- caret::preProcess(mtcars, method="scale")
mtcars <- predict(scaler, mtcars)
dist_mtcars <- dist(mtcars, method = "euclidean")
```



hierarchical clustering - model





dist_mtcars hclust (*, "centroid")

hierarchical clustering - grupowanie

```
KRUK
```

```
predicted clusters <- cutree(model, k=8)
# argument k-liczba grup, h wysokość odcięcia
predicted_clusters_dt <- data.table(</pre>
         Car = names(predicted clusters),
         Cluster = predicted_clusters
setorder(predicted_clusters_dt, Cluster)
print(predicted_clusters_dt)
```

> print(predicted_clusters_dt)					
		Cluster			
		<int></int>			
1:	Mazda RX4	1			
2:	Mazda RX4 Wag	1			
3:	Ferrari Dino	1			
4:	Datsun 710	2			
5:	Merc 2400	2			
6:	Merc 230	2			
7:	Fiat 128	2			
8:	Honda Civic	2			
9:	Toyota Corolla	2			
10:	Toyota Corona	2 2 2 2 2			
11:	Fiat X1-9	2			
12:	Lotus Europa	2 2 3			
13:	Volvo 142E	2			
14:	Hornet 4 Drive	3			
15:	Valiant	3			
16:	Hornet Sportabout	4			
17:	Duster 360	4			
18:	Merc 450SE	4			
19:	Merc 450SL	4			
20:	Merc 450SLC	4			
21:	Cadillac Fleetwood	4			
22:	Lincoln Continental	4			
23:	Chrysler Imperial	4			
24:	Dodge Challenger	4			
25:	AMC Javelin	4			
26:	Camaro Z28	4			
27:	Pontiac Firebird	4			
28:	Merc 280	5			
29:	Merc 280C	5			
30:	Porsche 914-2	6			
31:	Ford Pantera L	7			
32:	Maserati Bora	8			
	Car	Cluster			

k nearest neighbours

Idea: Podobne obserwacje położone są w niedalekiej odległości od siebie w zadanej przestrzeni



Algorytm:

- 1. jeśli zmienne objaśniające opisane są na różnych skalach, należy je odpowiednio przekształcić (ujednolicić)
- 2. wybieramy k (ilu sąsiadów chcemy dobrać)
- 3. Iteracyjnie: dla każdej obserwacji z badanej próbki:
 - obliczamy odległość między tą obserwacją a obserwacjami w próbie referencyjnej
 - wybieramy k sąsiadów z próby referencyjnej, które charakteryzują się najmniejszymi odległościami
- 4. klasyfikacja: każdej obserwacji ze zbioru modelowanego przypisujemy najczęściej występującą klasę (*label*) występującą wśród jej sąsiadów
- 5. regresja: dla każdej obserwacji modelowanej obliczamy predykcję zmiennej objaśnianej (dostępnej w zbiorze referencyjnym) za pomocą funkcji agregującej (np. średniej)

kNN – przygotowanie danych

```
library(data.table)
library(ggplot2)
library(caret)
# implementacja knn i przeskalowanie cech
n ref <- 3000
n_sample <- 100
set.seed(123)
reference <- data.table(
          X1 = rnorm(n ref, mean = 5, sd = 1),
          X2 = runif(n ref)
reference_target <- data.table(
          Y = sample(c("A", "B"), n ref, replace = TRUE))
data_sample <- data.table(
          X1 = rnorm(n sample, mean = 4.2, sd = 1),
          X2 = runif(n sample, min = 0.3, max = 0.85))
```



kNN - przeskalowanie zmiennych

```
scaler <- caret::preProcess(reference, method = "range") # min-max scaler (normalizacja)
```

reference <- predict(scaler, reference)</pre>

data_sample <- predict(scaler, data_sample)</pre>



summary(reference)

```
summary(reference)
      X1
                        X2
Min.
       :0.0000
                 Min.
                         :0.0000
1st Qu.:0.3706
                 1st Qu.:0.2556
Median :0.4705
                 Median: 0.4934
Mean
       :0.4731
                 Mean
                         :0.4942
3rd Qu.:0.5768
                 3rd Qu.:0.7368
       :1.0000
                         :1.0000
Max.
                 мах.
```

summary(data_sample)

```
> summary(data_sample)
      X1
                          XZ
Min.
                   Min.
       :-0.01965
                           :0.3005
1st Qu.: 0.25655
                   1st Qu.:0.4037
Median : 0.33209
                   Median :0.5274
       : 0.35544
                   Mean
                           :0.5448
Mean
3rd Qu.: 0.44546
                   3rd Qu.:0.6931
       : 0.66189
Max.
                    Max.
                           :0.8432
```

kNN – wykres

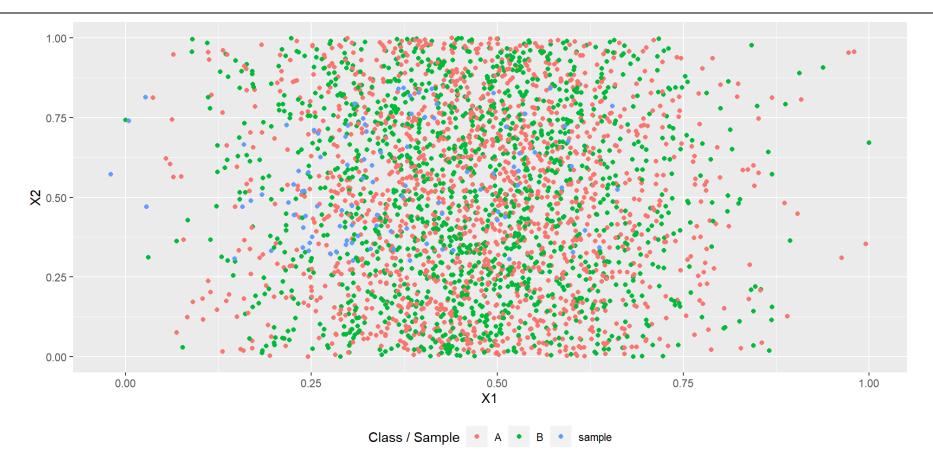
```
ggplot() +

geom_point(data = reference, aes(x = X1, y = X2, color = reference_target$Y)) +

geom_point(data = data_sample, aes(x = X1, y = X2, color="sample")) +

guides(color = guide_legend(title = "Class / Sample")) + theme(legend.position = "bottom")
```





kNN - model

```
> table(fitted)
fitted
A B
45 55
```



Self Organizing Maps (1)

KRUK

Idea: przekształcenie danych o dużej wymiarowości do dwóch wymiarów

Algorytm:

- zainicjowanie wag (losowe)
- Iteracyjnie (epoki, jednokrotne przejście przez wszystkie przykłady):
 - wyznaczenie BMU (Best Matched Unit) = wygrywającego wektora wag, czyli wskazanie który neuron posiada wagi najbliższe wektorowi wejściowemu
 - update wygrywającego wektora:

$$w_{j,k} = w_{j,k} + learnig_rate(t) \times (x_i - w_{j,k})$$

update wag sąsiednich do BMU:

$$w_{j,k} = w_{j,k} + neighborhood(u, v, t) \times learnig_rate(t) \times (x_i - w_{j,k})$$

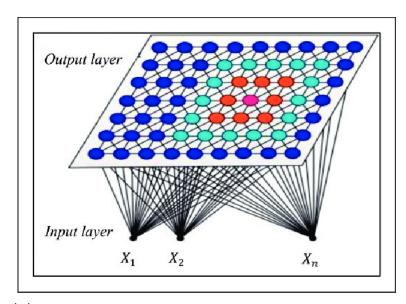
w - wektor wag
 x - dane wejściowe (jedna obserwacja)
 learining_rate - funkcja parametru uczenia
 neighborhood - funkcja sąsiedztwa (dystansu) od BMU

Self Organizing Maps (2)



Architektura modelu:

- 2-warstwowa sieć neuronowa bez użycia propagacji wstecznej oraz bez funkcji aktywacji
- model wykorzystuje uczenie poprzez rywalizację (competetive learning), na który składają się trzy procesy:
 - rywalizacja (competetion) między neuronami w celu wybrania BMU
 - współpraca (cooperation) uwzględnienie sąsiedztwa BMU
 - adaptacja (adaptation) update wag BMU oraz neuronów sąsiednich



źródło: https://www.researchgate.net/figure/Structural-model-of-self-organizing-map-neural-network-Figure-2-Experimental-benchmark_fig1_329337931

SOM – przygotowanie danych

```
library(data.table)
library(caret)
library(kohonen) # implementacja som
states raw <- data.frame(datasets::state.x77)
state names <- rownames(states raw)
scaler <- caret::preProcess(x = states_raw, method = "scale")</pre>
states <- predict(scaler, states raw)
states <- as.matrix(states)
summary(states raw)
```



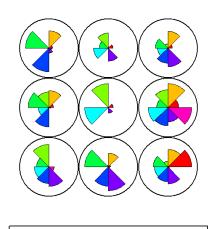
```
summary(states_raw)
                                 Illiteracy
                                                  Life.Exp
  Population
                    Income
                                                                   Murder
                                                                                    HS.Grad
                                                                                                     Frost
                                                                                                                       Area
       : 365
                Min.
                       :3098
                               Min.
                                      :0.500
                                                      :67.96
                                                               Min.
                                                                      : 1.400
                                                                                Min.
                                                                                       :37.80
                                                                                                 Min.
                                                                                                        : 0.00
                                                                                                                  Min.
                                                                                                                           1049
                               1st Qu.:0.625
                                                               1st Qu.: 4.350
                                                                                1st Qu.:48.05
                                                                                                 1st Qu.: 66.25
1st Qu.: 1080
                1st Qu.:3993
                                               1st Qu.:70.12
                                                                                                                  1st Qu.: 36985
                                               Median :70.67
                                                               Median : 6.850
Median: 2838
               Median:4519
                               Median:0.950
                                                                                Median:53.25
                                                                                                 Median :114.50
                                                                                                                  Median : 54277
     : 4246
                       :4436
                                     :1.170
                                                     :70.88
                                                               Mean : 7.378
                                                                                       :53.11
                                                                                                        :104.46
                Mean
                               Mean
                                               Mean
                                                                                Mean
                                                                                                 Mean
                                                                                                                         : 70736
3rd Qu.: 4968
                                                               3rd Qu.:10.675
                                                                                3rd Qu.:59.15
                                                                                                 3rd Qu.:139.75
                                               3rd Qu.:71.89
                                                                                                                  3rd Qu.: 81163
                3rd Qu.:4814
                               3rd Qu.:1.575
Max.
       :21198
                Max.
                       :6315
                               Max.
                                                               Max.
                                                                       :15.100
                                                                                мах.
                                                                                        :67.30
                                                                                                 мах.
                                                                                                        :188.00
                                                                                                                  Max.
```

SOM - model

```
som_grid <- kohonen::somgrid(</pre>
         xdim=3,
         ydim=3,
          topo = "rectangular")
set.seed(123)
model <- som(
         X = states,
         grid = som_grid,
         alpha = c(0.05, 0.01),
         radius = 1)
plot(model, type="codes", palette.name = rainbow)
```

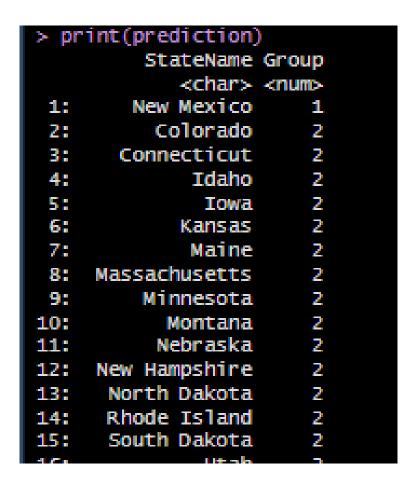


Codes plot





SOM – predykcje





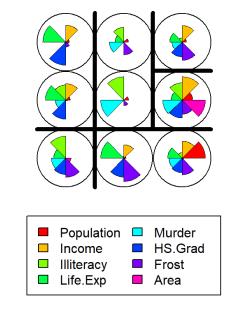
SOM - klastrowanie

```
# Utworzoną mapę możemy podzielić na klastry za pomocą klastrowania hierarchicznego levels <- 3
map_clusters <- cutree(hclust(dist(model$codes[[1]])), k = levels)

plot(model, type="codes", palette.name = rainbow)
add.cluster.boundaries(model, map_clusters)
```



Codes plot



SOM – predykcje na nowych danych



```
new state raw <- data.table(
     Population = 10000,
     Income = 4000,
     Illiteracy = 1.0,
     Life. Exp = 69.23,
     Murder = 3.12.
     HS.Grad = 53.5,
     Frost = 7.0,
     Area = 40000)
new state <- predict(scaler, new state raw)</pre>
new state <- as.matrix(new state)</pre>
new state pred <- predict(model, new state) # simillar states:
prediction[Group==new state pred$unit.classif,]
```

Miary błędów - regresja

KRUK

Przykładowe miary:

- MAE
- RMSE
- MSE
- MAPE
- •

https://mlr.mlr-org.com/articles/tutorial/measures.html#regression-1

Miary błędów - klasyfikacja

Macierz błędu:

	Predicted Good	Predicted Bad	
Actual Good	TP	FN	= P
Actual Bad	FP	TN	= N



TOTAL - total number of observation

- Accuracy (ACC) = TP + TN / TOTAL
- sensitivity or recall = true positive rate (TPR) = TP/P = TP/(TP + FN)
- specificity = true negative rate (TNR) = TN/N = TN/(FP + TN)
- AUC (Area Under Curve) pole pod krzywą ROC (funkcja FPR(TPR))

https://developers.google.com/machine-learning/crash-course/classification/roc-and-auc

- logloss
- Gini index
- •

https://mlr.mlr-org.com/articles/tutorial/measures.html#classification-1

Przygotowanie danych do zadania



niezbedne wczesniej zainstalowane pakiety data.table oraz caret source("lab03/lab3-data-preparation.R")