

Przetwarzanie danych i odkrywanie wiedzy

Na licencji Pixal

L6: Uczenie maszynowe II

Dostosowywanie parametrów

Praktycznie każdy z algorytmów uczenia maszynowego posiada pewne parametry (lub hiper-parametry), które wpływają na proces uczenia. W przypadku użytego algorytmu SVM są to np. rodzaj funkcji jądra i stopień regularyzacji.

Odpowiednie dostosowanie parametrów algorytmu do danego problemu może znacząco poprawić jakość jego działania.

Sklearn posiada zaimplementowanych kilka strategii poszukiwania najlepszych parametrów. Użyjemy tutaj najprostszego podejścia losowego:

```
param_distributions = {
    "svc_kernel": ["linear", "poly", "rbf", "sigmoid"],
    "svc_C": [0.1, 0.5, 1, 2, 4],
}

# now create a searchCV object and fit it to the data
search = RandomizedSearchCV(
    estimator=pipeline_classifier, n_iter=5, param_distributions=param_distributions
)
search.fit(x, y)
print(search.best_params_)
```

```
{'svc__kernel': 'rbf', 'svc__C': 2}
```

Mechanizm wykonuje ilosc powtórzeń zadaną przez argument n_iter i losuje za każdym razem wartości parametrów spośród podanych. Dla każdego z nich wykonuje cross-walidację. Możemy też przeanalizować dokładne wyniki tego procesu:

```
search.cv_results_
```

: ■ Contents

Dostosowywanie parametrów

Zaawansowane przetwarzanie tekstów

Print to PDF

Cnacy

Wektoryzacja tekstów za pomocą modelu TF-IDF

Wektoryzacja tekstu za pomocą statycznych embeddingów

Wektoryzacja tekstu za pomocą embeddingów kontekstowych Interpretacja modeli z wykorzystaniem biblioteki

SHAP

<u>Instalacja</u>

<u>AutoML</u>

```
{'mean_fit_time': array([0.0010932 , 0.00121193, 0.0010623 , 0.00114369,
0.000987481).
 'std_fit_time': array([2.44168815e-04, 5.37747595e-05, 2.11925016e-05, 3.10061506e-
05,
        8.02721614e-05]),
 'mean_score_time': array([0.0002666 , 0.00032988, 0.00028949, 0.00033164,
 'std_score_time': array([2.25168141e-05, 1.08322878e-05, 1.53331139e-06,
3.23406696e-06,
 'param_svc__kernel': masked_array(data=['linear', 'rbf', 'poly', 'sigmoid',
'linear'],
              mask=[False, False, False, False, False],
        fill_value='?',
              dtype=object),
 'param_svc__C': masked_array(data=[4, 2, 4, 0.5, 2],
              mask=[False, False, False, False, False],
        fill_value='?',
              dtype=object),
 'params': [{'svc__kernel': 'linear', 'svc__C': 4},
  {'svc_kernel': 'rbf', 'svc_C': 2}, 
{'svc_kernel': 'poly', 'svc_C': 4},
 {'svc_kernel': 'sigmoid', 'svc_C': 0.5},
{'svc_kernel': 'linear', 'svc_C': 2}],
 'split0_test_score': array([0.94444444, 1.
                                                      , 0.88888889, 0.94444444,
0.9444444]),
 'split1_test_score': array([0.97222222, 0.97222222, 0.97222222, 0.94444444,
0.97222221),
 'split2_test_score': array([0.97222222, 0.97222222, 1.
                                                                   , 0.97222222,
0.97222222]),
 'split3_test_score': array([0.97142857, 1.
                                                                   , 1.
0.97142857]),
                                                      , 0.94285714, 0.97142857,
 'split4_test_score': array([0.97142857, 1.
0.97142857]),
 'mean_test_score': array([0.96634921, 0.98888889, 0.96079365, 0.96650794,
 'std_test_score': array([0.01095813, 0.01360828, 0.04170588, 0.02074695,
0.01095813]),
 'rank_test_score': array([3, 1, 5, 2, 3], dtype=int32)}
```

Parametry modelu sprawdzić możemy przy pomocy metody get_params () lub <u>w dokumentacji</u>

```
pipeline_classifier.get_params()
 {'memory': None,
   'steps': [('standardscaler', StandardScaler()),
   ('svc', SVC())],
   'verbose': False,
  'standardscaler': StandardScaler(),
  'variancethreshold': VarianceThreshold(threshold=0.1599999999999999),
  'svc': SVC(),
  'standardscaler__copy': True,
  'standardscaler__with_mean': True,
  'standardscaler_with_std': True,
'variancethreshold_threshold': 0.15999999999999999,
  'svc__C': 1.0,
  'svc__break_ties': False,
  'svc__cache_size': 200,
  'svc__class_weight': None,
  'svc__coef0': 0.0,
  'svc__decision_function_shape': 'ovr',
   'svc__degree': 3,
  'svc__gamma': 'scale',
'svc__kernel': 'rbf',
   'svc__max_iter': -1,
  'svc__probability': False,
  'svc__random_state': None,
   'svc__shrinking': True,
  'svc__tol': 0.001.
  'svc__verbose': False}
```

See also

Istnieje szeroki wachlarz metod do selekcji parametrów modelu, poza tymi zaimplementowanymi w sklearnie. Warto przypatrzeć się Hyperopt, Hyperopt,

Zaawansowane przetwarzanie tekstów

Spacy

Do przetwarzania tekstów wykorzystamy bibliotekę spacy. Spacy to darmowa biblioteka o otwartych źródłach dedykowana do pracy z tekstem. Może być wykorzystana zarówno do budowy systemów ekstrakcji informacji, jak i systemów do rozumienia języka naturalnego. Ponadto zawiera zestaw narzędzi do wstępnego przetwarzania tekstów. Spacy udostępnia wsparcie dla ponad 60 języków.

Moduł spacy udostępnia kilka wcześniej przeuczonych potoków przetwarzania dla języka angielskiego. Ich szczegółowy opis znajduje się pod adresem <u>LINK</u>. Do dalszego przetwarzania wykorzystamy potok en_core_web_md.

Instalacja i pobieranie modułów

```
pip install spacy
python -m spacy download en_core_web_sm
```

Potok en_core_web_sm zawiera takie komponenty jak:

- tok2vec Transformacja tokenów w wektory
- tagger Tagowanie części mowy
- <u>parser</u> Parser zależnościowy
- senter Rozpoznawanie zdań
- ner Rozpoznawanie nazw własnych
- attribute ruler Przypisywanie atrybutów do tokenów
- lemmatizer Sprowadzanie tokenów do nazw własnych

Wczytanie potoków

Podstawowym obiektem jest Language. Language zawiera m.in. takie elementy jak: Słownik (vocab), elementy Potoku przetwrzania np. tagger, dane specyficzne dla danego języka takie jak np. stop-słowa (ang. stopwords) czy reguły interpunkcji (ang. punctuation). Obiekt Language jest również tworzony podczas ładowania wcześniej przeuczonych potoków przetwrzania za pomocą spacy. load. Często definiuje się go pod nazwą nlp.

Pobrany moduł wczytujemy z wykorzystaniem wspomnianej funkcji spacy.load. Domyślnie wczytuje on wszystkie zdefiniowane komponenty, ale możemy go ograniczyć. Do dalszego przetwarzania wystarczą nam komponenty tagger, tok2vec, parser, lemmatizer i attribute_ruler. Pozostałe możemy wykluczyć za pomocą argumentu exclude.

```
import spacy
nlp = spacy.load("en_core_web_md", exclude=["ner", "senter"])
```

Następnym kluczowym element jest obiekt <u>Doc</u>, który jest sekwencją <u>Tokenów</u>. Token może oznaczać słowo, znak interpukcyjny itp. Obiekt <u>Doc</u> ten jest często tworzony za pomocą wywołania funkcji <u>call</u> obiektu nlp, który od razu wykonuje zdefiniowany potok przetwarzania.

```
doc = nlp("Please stop, don't parse me")
```

Aby dostać się do wyników przetwarzania odwołujemy się do każdego tokenu z osobna. W naszym potoku mieliśmy zdefiniowane komponenty jak części mowy, parser zależnościowy i lemmatyzację. Aby się do nich dostać odwołamy się kolejne do atrybutów pos_, dep_ i lemma_.

```
token = doc[0]
print(token.text, token.pos_, token.dep_, token.lemma_)

Please INTJ intj please
```

Wyświetlmy teraz wyniki przetwarzania dla całego tekstu.

```
for token in doc:
    print(token.text, token.pos_, token.dep_, token.lemma_)

Please INTJ intj please
    stop VERB advcl stop
    , PUNCT punct ,
    do AUX aux do
    n't PART neg not
    parse VERB ROOT parse
    me PRON dobj I
```

Wektoryzacja tekstów za pomocą modelu TF-IDF

TF-IDF jest to skrót od ang. Term Frequency – Inverse Document Frequency. Pierwszą składową modelu jest Term Frequency (TF), drugim komponentem jest Inverse Document Frequency (odwrotna częstość dokumentów). Możemy zastosować różne metody ważenia dla obu komponentów, jednak w ramach tego zadania wykorzystamy jedynie proste składowe bez dodatkowego ważenia. Składowa TF jest częstością występowania wyrazów, co tak naprawdę jest wyjściem z modelu BoW. Odwrotna częstość dokumentów (IDF) jest obliczana z poniższego wzoru:

$$idf(w) = \log \frac{\text{liczba dokumentow}}{\text{liczba dokumentow zawierajaca slowo w}}$$

TF-IDF jest iloczynem tych dwóch komponentów co daje finalną postać:

$$tfidf(w) = tf(w) * idf(w)$$

Reprezentacja słów dla dokumentów D1i D2 ` z wykorzystaniem modelu BoW po zastosowaniu dodatkowego ważenia TF-IDF została przedstawiona w poniższej tabeli.

```
D1: Problemem metody tfidf nie jest czas obliczeń.
D2: Problem w tfidf leży w wymiarowości.
```

w	TF(w)	IDF(w)	TFIDF(w)
Problemem	1	0.69	0.69
metody	1	0.69	0.69
tfidf	2	0	0
nie	1	0.69	0.69
jest	1	0.69	0.69
czas	1	0.69	0.69
obliczeń	1	0.69	0.69
Problem	1	0.69	0.69
W	2	0.69	1.38
leży	1	0.69	0.69
wymiarowości	1	0.69	0.69

Tabela. Reprezentacja słów po zastosowaniu ważenia TF-IDF

W rezultacie stosując otrzymaną reprezentację słów wektory cech dokumentów D1,D2, będą miały następującą postać:

```
D1 = [0.69, 0.69, 0, 0.69, 0.69, 0.69, 0.69, 0, 0, 0, 0]

D2 = [0, 0, 0, 0, 0, 0, 0.69, 1.38, 0.69, 0.69]
```

Kolumny w wektorach cech oznaczają reprezentacje poszczególnych wyrazów zgodnie ze słownikiem utworzonym wcześniej czyli: 'Problemem', 'metody', 'tfidf', 'nie', 'jest', 'czas', 'obliczeń', 'Problem', 'w', 'leży' 'wymiarowości'

Important

Reprezentację słów tworzymy tylko podczas fazy uczenia wykorzystując zbiór uczący. Podczas fazy testowania wykorzystujemy reprezentację obliczoną wcześniej przekształcając dokumenty ze zbioru testowego. Jeżeli zdarzy się taka sytuacja, że słowo ze zbioru testowego nie znajduje się w słowniku to w takim przypadku jest ono pomijane.

Hint

Do obliczenia reprezentacji TF-IDF można wykorzystać moduł sklearn.feature extraction.text.TfidfVectorizer

Important

Formuła liczenia TF-DF z pakietu sklearn. feature_extraction.text.TfidfVectorizer jest inna niż, w przedstawionym wzorze. Szczegóły znajdują się w dokumentacji <u>LINK</u>.

Wektoryzacja tekstu za pomocą statycznych embeddingów

Poznane dotychczas metody BoW i TF-IDF pozwalały wektoryzować teksty, jednak tworzone wektory pozostawiały wiele do życzenia.

W roku 2013 powstała rewolucyjna metoda tworzenia word-embeddingów - Word2Vec. Pozwoliła ona na tworzenie wektorów, które cechują się ciągłością w przestrzeni wektorowej - tj. słowa występujące w podobnych kontekstach będą miały wektory o zbliżonych wartościach.

```
print(nlp("breakfast").vector.size)
print(nlp("breakfast").vector[:10])

300
[ 0.073378  0.22767  0.20842  -0.45679  -0.078219  0.60196  -0.024494
    -0.46798   0.054627  2.2837 ]

nlp("breakfast").similarity(nlp("universe"))

0.0442925409817799

nlp("oranges").similarity(nlp("apples"))
```

```
0.7780941976791032

doc1 = nlp("I like oranges that are sweet.")
doc2 = nlp("I like apples that are sour.")
doc1.similarity(doc2)

0.9621542455456396
```

Najpopularniejszym udoskonaleniem Word2Vec są metody GloVe i FastText.

GloVe dodatkowo uwzględnia częstości występowania poszczególnych słów w korpusie. Dzięki temu podobieństwo wektorów uwzględnia prawdopodobieństwo na współwystępowanie słów w podobnych kontekstach

FastText tworząc wektory dla słów, operuje na znakach. Dzięki temu także słowa spoza korpusu użytego do treningu embeddingu (tzw. OOV - out of vocabulary) mają jakiś w miarę sensowny wektor

See also

Więcej info o technikach statycznych, z przykładami i technikami działania np. tutaj

Wektoryzacja tekstu za pomocą embeddingów kontekstowych

Największą wadą modeli statycznych jest ich bezkontekstowość - dane słowo ma zawsze taki sam wektor, niezależnie od jego użycia i znaczenia (np. zamek).

Współcześnie używane metody embeddowania tekstu bazują głównie na modelach językowych (*language modelling*), opartych na architekturze Transformerów. Stworzony w roku 2019 model BERT spowodował rewolucję w dziedzinie NLP, deklasując poprzednie metody wektoryzacji często o rząd wielkości.

Embeddingi uzyskiwane dzięki BERTowi i jego pochodnym cechują się kontekstowością, ponadto uwzględniana jest też pozycja słowa w zdaniu. BERT lepiej niz FastText radzi sobie też z OOV, dzięki operowaniu na tzw. word pieces.

Istnieje mnogość modeli, zgromadzonych głównie wokół repozytorium <u>HuggingFace</u>. Dla języka polskiego najpopularniejszym modelem jest <u>HerBERT</u>, istnieje również wiele modeli wielojęzykowych, np. <u>LABSE</u>.

Interpretacja modeli z wykorzystaniem biblioteki SHAP

SHAP (SHapley Additive exPlanations) jest podejściem opartym na teorii gier, służącym do interpretacji wyników dowolnego modelu uczenia maszynowego. Szczegóły dotyczące implementacji można znaleźć w oryginalnym artykule autorów LINK. Istotność danej cechy jest wyrażone w postaci metryki Shap Value.

Shap wspiera modele oparte o drzewa decyzyjne, sieci neuronowe oraz obsługuje też inne metody nie wpadające w te dwie grupy kosztem czasu obliczeń.

Dostępne obecnie moduły:

- Drzewa decyzyjne TreeExplainer
- Sieci Neuronowe DeepExplainer, GradientExplainer
- Inne modele LinearExplainer, KernelExplainer (wolniejsze od innych podejść)

W ramach tego laboratorium skupimy się na wyjaśnianiu podejść bazujących o drzewa decyzyjnie, a konkretnie o algorytm XGBoost.

Instalacja

Zacznijmy od instalacji potrzebnych bibliotek

```
pip install shap
pip install xgboost==1.3.3
```

Następnym krokiem jest wyuczenie modelu XGBooost, do analizy wykorzystamy wcześniej poznany zbiór Boston House Pricing. Wykorzystamy loader dostarczony przez bibliotekę shap. Przypomnijmy najpierw co oznaczają dane cechy w tym zbiorze danych.

Atrybut	Opis
CRIM	wskaźnik przestępczości na jednego mieszkańca w poszczególnych miastach
ZN	udział terenów mieszkaniowych przeznaczonych pod działki powyżej 25.000 mkw.
INDUS	udział powierzchni pod działalność niedetaliczną w poszczególnych miastach
CHAS	cecha przyjmuje wartość 1, jeżeli obszar przecina rzekę Charlser, 0 w innym wypadku
NOX	stężenie tlenków azotu (części na 10 milionów)
RM	średnia liczba pokoi w mieszkaniu
AGE	odsetek jednostek okupowanych przez właścicieli zbudowanych przed 1940 rokiem
DIS	odległości ważone do pięciu ośrodków zatrudnienia w Bostonie
RAD	wskaźnik dostępności do autostrad prowadzących do centrum miasta
TAX	pełnowartościowa stawka podatku od nieruchomości na 10000 USD
PTRATIO	stosunek liczby uczniów do liczby nauczycieli w poszczególnych miastach
В	1000 (Bk - 0,63) ^ 2 gdzie Bk to odsetek Afroamerykanów w mieście
LSTAT	% niższy status populacji
Cecha wyjściowa (MEDVAL)	mediana wartości domów zamieszkanych przez właścicieli w tys. dolarów

echa wyjściowa (MEDVAL) — mediana wartości domów zamieszkanych przez właścicieli w tys. dolarów

```
import xgboost
import shap

x, y = shap.datasets.boston()
model = xgboost.XGBRegressor().fit(x, y)
```

Przeliczmy teraz wpływ cech na predykcję

shap.initjs() # Inicjalizacja obsługi wizualizacji opartych na JavaScript w notebooku
explainer = shap.TreeExplainer(model) # Inicjalizacja modułu dla konkretnego modelu
shap_values = explainer(x)# Obliczenie wartości shap



 $Shap\ umożliwia\ analizę\ wyników\ per\ daną\ próbką,\ lub\ w\ podsumowaniu.\ Zacznijmy\ od\ przedstawienia\ analiz\ per\ próbka\ danych$

Wartości zaznaczono na czerwono oznaczają cechy które podnosiły wartość predykcji, a na niebiesko te, które obniżały. W lewej kolumnie umieszczono cechy i ich wartości. Liczbę wyświetlanych cech regulujemy parametrem $\max_{display} f(x)$ oznacza wartość predykcji, a E[f(X)] umieszczona pod osią X oznacza uśrednione wyjście modelu dla zadanego zbioru, które w tym przypadku wynosi 22.533.

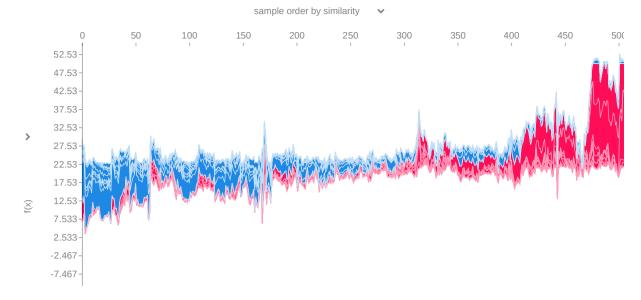
Innym sposobem na przedstawieniem wyników z pojedynczego przypadku jest wykres force. Tu w przeciwieństwie do wykresów waterfall jest renderowany za pomocą JavaScriptu, ale również możemy wykorzystać interfejs matplotlib przekazując odpowiednią wartość dla flagi matplotlib.



W przypadku wykresu force podawana wcześniej wartość średniego wyniku jest oznaczona jako base value. Wartości cech są tutaj oznaczone jako poszczególne etykiety słupków. W porównaniu do poprzedniego wykresu tutaj nie widzimy dokładnych wartości, tylko określa je długość danego słupka.

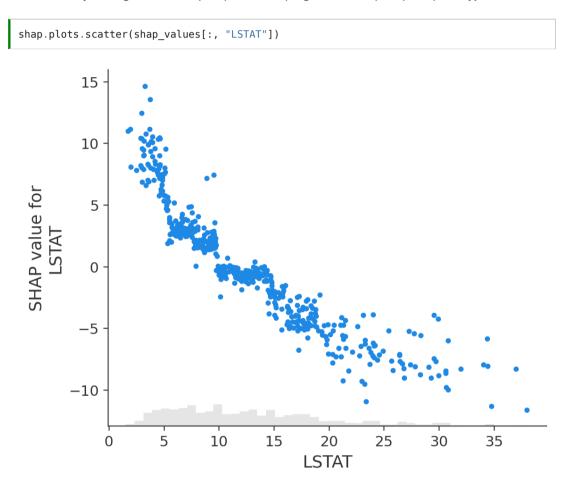
W przypadku tego wykresu możemy również otrzymać objaśnienia dla wielu zmiennych, a można tego dokonać obracając wykres o 90 stopni. Taka funkcjonalność jest już dostępna w bibliotece wystarczy przekazać listę jako parametr. W celu poprawnego wyświetlenia wykresu oprócz przekazania wartości shap musimy podać wartości cech jak i ich nazwy.

```
shap.plots.force(
   base_value=explainer.expected_value,
   shap_values=shap_values.values,
   features=x,
   feature_names=x.columns,
)
```



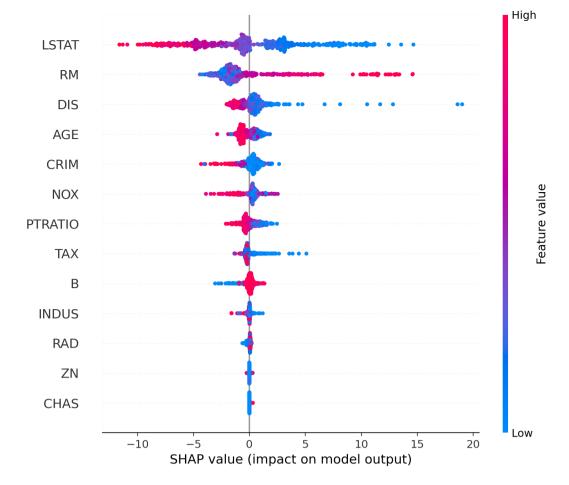
Wykres jest w pełni renderowany przez JavaScript i daje on nam wiele nowych możliwości. Możemy również zmienić kolejność wyświetlania próbek, jak i zbadać zależności pomiędzy różnymi zmiennymi.

Jednak nie musimy renderować całego wykresu force, żeby zbadać te zależności, ponieważ przy dużej liczbie próbek proces jego renderowania będzie długi jak i również może dojść do ograniczenia responsywności. Aby tego dokonać wykorzystamy funkcję scatter.



Ostatnią grupę wykresów pełnią wykresy podsumowujące wszystkie predykcje do tego służą wykresy beeswarm i bar

shap.summary_plot(shap_values)



Na podstawie analizy możemy zinterpretować zależności badanych cech na wysokość predykcji, dzięki czemu możemy wyróżnić dwie grupy:

- Cechy wpływające w dużym stopniu na obniżenie wartości predykcji:
 - Wysoka procentowa wartość populacji o niższym statusie LSTAT
 - Niska średnia liczba pokoi RM
 - Wysoki współczynnik przestępstw CRIM
 - Wysokie stężenie tlenką azotów NOX
- Cechy wpływające w dużym stopniu na podwyższenie wartości predykcji:
 - Niska procentowa wartość populacji o niższym statusie LSTAT
 - Niski stawka podatkowa TAX
 - Wysoka średnia liczba pokoi RM

See also

Polecam <u>bardzo fajny post</u> na temat shapa.

See also

Istnieją również inne metody wyjaśnialności modeli - np. <u>ELI5</u>, <u>LIME</u>, <u>DALEX</u>

AutoML

Ciekawym rozwiązaniem jest też AutoML, automatycznie dobierajacy model i parametry do zadanego problemu - np. rozwiązanie <u>H2O AutoML</u>

By Tomasz Kajdanowicz, Kamil Tagowski, Krzysztof Rajda, Albert Sawczyn, Piotr Bielak © Copyright 2023.