SPRAWOZDANIE

Zajęcia: Nauka o danych I

Prowadzący: prof. dr hab. Vasyl Martsenyuk

Laboratorium Nr 8 Data 01.03.2025

Temat: Praktyczne zastosowanie analizy skupień (clustering) do

zbiorów danych

Krzysztof Świerczek Informatyka II stopień, stacjonarne, 1semestr, gr. A

Wariant 14

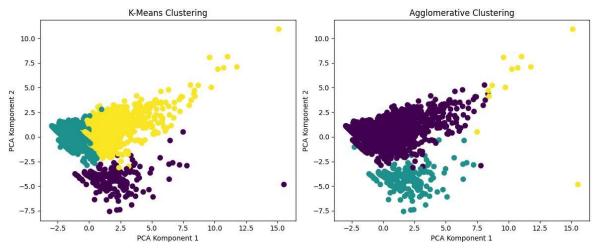
- 1. Polecenie: Praktyczne zastosowanie analizy skupień (clustering) do zbiorów danych
- 2. Github:

https://github.com/Krzycho165/STUDIA

```
In [1]: import pandas as pd
        import matplotlib.pyplot as plt
        import numpy as np
        from scipy.io import arff
        from sklearn.model selection import train test split
        from sklearn.preprocessing import StandardScaler
        from sklearn.decomposition import PCA
        from sklearn.cluster import KMeans, AgglomerativeClustering
        # Wczytanie pliku ARFF
        data, meta = arff.loadarff("seismic-bumps.arff")
        # Konwersja do Pandas DataFrame
        df = pd.DataFrame(data)
        # Dekodowanie wartości kategorycznych (jeśli istnieją)
        for col in df.select dtypes([object]):
            df[col] = df[col].str.decode('utf-8')
        # Podział na cechy (X) i etykiety (y)
        X = df.iloc[:, :-1] # Wszystkie kolumny oprócz ostatniej
        y = df.iloc[:, -1] # Ostatnia kolumna jako etykieta
        # Sprawdzenie, które kolumny są tekstowe (kategoryczne)
        categorical_cols = X.select_dtypes(include=['object']).columns
        # Konwersja zmiennych kategorycznych na liczbowe (One-Hot Encoding)
        X = pd.get_dummies(X, columns=categorical_cols)
        # Standaryzacja cech
        scaler = StandardScaler()
        X_scaled = scaler.fit_transform(X)
        # Redukcja wymiarowości za pomocą PCA (2D)
        pca = PCA(n_components=2)
        X_reduced = pca.fit_transform(X_scaled)
        # K-Means (analiza skupień)
        kmeans = KMeans(n_clusters=3, random_state=42, n_init=10)
        kmeans_labels = kmeans.fit_predict(X_scaled)
        # Agglomerative Clustering (klasteryzacja hierarchiczna)
        agglo = AgglomerativeClustering(n clusters=3)
        agglo_labels = agglo.fit_predict(X_scaled)
        # Wizualizacja wyników PCA + Klasteryzacja
        plt.figure(figsize=(12, 5))
        # K-Means
        plt.subplot(1, 2, 1)
        plt.scatter(X_reduced[:, 0], X_reduced[:, 1], c=kmeans_labels, cmap='viridis', s
        plt.title('K-Means Clustering')
        plt.xlabel('PCA Komponent 1')
        plt.ylabel('PCA Komponent 2')
        # Agglomerative Clustering
        plt.subplot(1, 2, 2)
        plt.scatter(X_reduced[:, 0], X_reduced[:, 1], c=agglo_labels, cmap='viridis', s=
```

```
plt.title('Agglomerative Clustering')
plt.xlabel('PCA Komponent 1')
plt.ylabel('PCA Komponent 2')

plt.tight_layout()
plt.show()
```



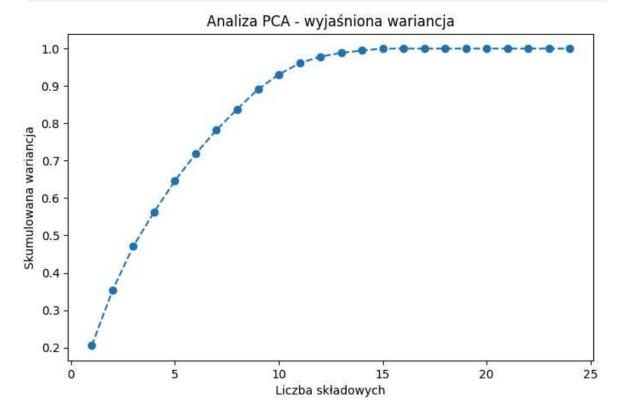
```
import pandas as pd
In [2]:
        import matplotlib.pyplot as plt
        import numpy as np
        from scipy.io import arff
        from sklearn.model_selection import train_test_split
        from sklearn.preprocessing import StandardScaler
        from sklearn.decomposition import PCA
        from sklearn.cluster import KMeans, AgglomerativeClustering
        from scipy.cluster.hierarchy import dendrogram, linkage
        from sklearn.metrics import silhouette_score
        # Wczytanie pliku ARFF
        data, meta = arff.loadarff("seismic-bumps.arff")
        # Konwersja do Pandas DataFrame
        df = pd.DataFrame(data)
        # Dekodowanie wartości kategorycznych (jeśli istnieją)
        for col in df.select_dtypes([object]):
            df[col] = df[col].str.decode('utf-8')
        # Podział na cechy (X) i etykiety (y)
        X = df.iloc[:, :-1] # Wszystkie kolumny oprócz ostatniej
        y = df.iloc[:, -1] # Ostatnia kolumna jako etykieta
        # Sprawdzenie, które kolumny są tekstowe (kategoryczne)
        categorical_cols = X.select_dtypes(include=['object']).columns
           Konwersja zmiennych kategorycznych na liczbowe (One-Hot Encoding)
        X = pd.get_dummies(X, columns=categorical_cols)
        # Standaryzacja cech
        scaler = StandardScaler()
        X_scaled = scaler.fit_transform(X)
        # Analiza PCA - wykres wyjaśnionej wariancji
        pca = PCA()
        X_pca = pca.fit_transform(X_scaled)
```

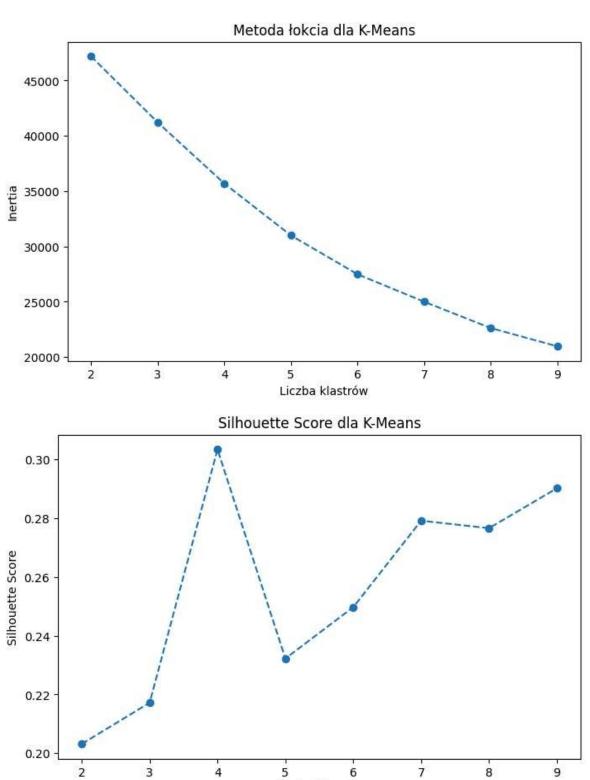
```
plt.figure(figsize=(8, 5))
plt.plot(range(1, len(pca.explained_variance_ratio_) + 1), np.cumsum(pca.explain
plt.xlabel('Liczba składowych')
plt.ylabel('Skumulowana wariancja')
plt.title('Analiza PCA - wyjaśniona wariancja')
plt.show()
# Redukcja wymiarowości do 2D dla wizualizacji
pca = PCA(n_components=2)
X reduced = pca.fit transform(X scaled)
# Metoda Łokcia dla K-Means
inertia = []
K_{range} = range(2, 10)
for k in K_range:
    kmeans = KMeans(n clusters=k, random state=42, n init=10)
    kmeans.fit(X scaled)
    inertia.append(kmeans.inertia_)
plt.figure(figsize=(8, 5))
plt.plot(K_range, inertia, marker='o', linestyle='--')
plt.xlabel('Liczba klastrów')
plt.ylabel('Inertia')
plt.title('Metoda łokcia dla K-Means')
plt.show()
# Wybór optymalnej liczby klastrów dla K-Means (przykładowo 3)
kmeans = KMeans(n_clusters=3, random_state=42, n_init=10)
kmeans_labels = kmeans.fit_predict(X_scaled)
# Obliczenie silhouette score dla różnych liczby klastrów
silhouette_scores = []
for k in K_range:
    kmeans = KMeans(n clusters=k, random state=42, n init=10)
    labels = kmeans.fit_predict(X_scaled)
    silhouette scores.append(silhouette score(X scaled, labels))
plt.figure(figsize=(8, 5))
plt.plot(K_range, silhouette_scores, marker='o', linestyle='--')
plt.xlabel('Liczba klastrów')
plt.ylabel('Silhouette Score')
plt.title('Silhouette Score dla K-Means')
plt.show()
# Agglomerative Clustering
agglo = AgglomerativeClustering(n clusters=3)
agglo_labels = agglo.fit_predict(X_scaled)
# Wizualizacja wyników PCA + Klasteryzacja
plt.figure(figsize=(12, 5))
# K-Means
plt.subplot(1, 2, 1)
plt.scatter(X_reduced[:, 0], X_reduced[:, 1], c=kmeans_labels, cmap='viridis', s
plt.title('K-Means Clustering')
plt.xlabel('PCA Komponent 1')
plt.ylabel('PCA Komponent 2')
# Agglomerative Clustering
```

```
plt.subplot(1, 2, 2)
plt.scatter(X_reduced[:, 0], X_reduced[:, 1], c=agglo_labels, cmap='viridis', s=
plt.title('Agglomerative Clustering')
plt.xlabel('PCA Komponent 1')
plt.ylabel('PCA Komponent 2')

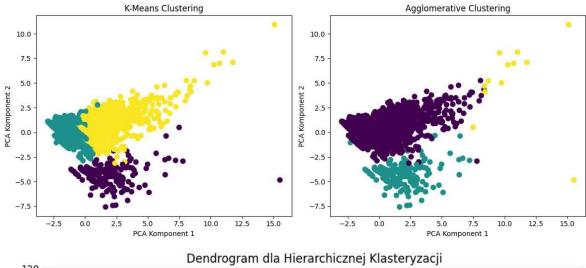
plt.tight_layout()
plt.show()

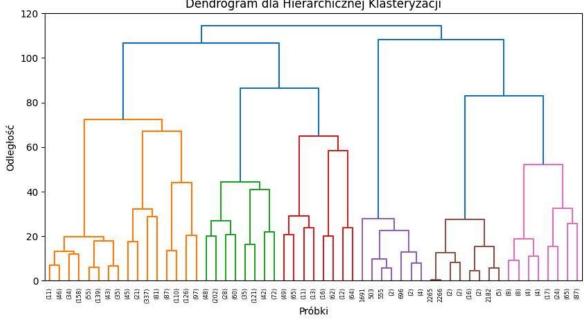
# Dendrogram dla hierarchicznej klasteryzacji
linked = linkage(X_scaled, method='ward')
plt.figure(figsize=(10, 5))
dendrogram(linked, truncate_mode='level', p=5)
plt.title('Dendrogram dla Hierarchicznej Klasteryzacji')
plt.xlabel('Próbki')
plt.ylabel('Odległość')
plt.show()
```





Liczba klastrów





In []:

3. Wnioski z ćwiczenia

Ćwiczenie koncentruje się na przetwarzaniu danych, ich transformacji oraz analizie przy użyciu metod statystycznych i uczenia maszynowego. Jego wykonanie pozwala na kilka kluczowych wniosków dotyczących programowania i pracy z danymi.

Pierwszym istotnym elementem jest wczytanie danych z formatu ARFF i ich konwersja do Pandas DataFrame. Wprowadza to do pracy z danymi w formacie, który jest bardziej czytelny i wygodny do dalszej analizy. Istotnym krokiem jest także dekodowanie wartości kategorycznych, co jest konieczne, gdy dane są zapisane jako bajty zamiast ciągów znaków.

Kolejnym etapem jest **podział zbioru na cechy (X) i etykiety (y)**, co jest standardową praktyką w analizie danych i uczeniu maszynowym. Aby umożliwić dalszą pracę, kod konwertuje zmienne kategoryczne na liczbowe przy użyciu **One-Hot Encoding**, co jest typowym podejściem do przetwarzania danych nominalnych przed użyciem modeli ML. Następnie zastosowana zostaje **standaryzacja cech**, co poprawia stabilność i efektywność algorytmów uczących się, takich jak PCA czy klasteryzacja. Normalizacja danych do wspólnej skali jest szczególnie ważna w przypadku algorytmów, które są wrażliwe na różne zakresy wartości.

Kod wykorzystuje również **analizę głównych składowych (PCA)** do redukcji wymiarowości. Jest to kluczowa technika pozwalająca na uproszczenie zbioru danych przy jednoczesnym zachowaniu jak największej ilości informacji. PCA może pomóc w poprawie wydajności modeli i lepszej interpretacji struktury danych.

Wreszcie, zastosowane zostają **metody klasteryzacji**, w tym **K-Means** oraz **klasteryzacja hierarchiczna**. Pozwala to na grupowanie obserwacji na podstawie podobieństwa, co może być użyteczne w segmentacji danych lub wykrywaniu anomalii.

Podsumowując, kod ilustruje wiele istotnych technik stosowanych w eksploracyjnej analizie danych i uczeniu maszynowym: od wczytywania i przekształcania danych, przez standaryzację i redukcję wymiarowości, po algorytmy grupowania. Jest to solidna podstawa do dalszej analizy i modelowania predykcyjnego.