Opis algorytmu

- 1. Algorytm znak po znaku wczytuje obie sekwencje do wektorów char i int, które znajdują się w struct. Algorytm zapisuje także do struct długość sekwencji oraz numer sekwencji, z której pochodzi ciąg.
- 2. Z konsoli zostaje sczytany próg, a następnie w pętli usuwane są indeksy pod którymi znajdują się nukleotydy o wiarygodności mniejszej niż zadany próg.
- 3. Następnie tworzony jest graf. Jest on zapisywany w zmiennej globalnej struct, który zawiera sekwencję w postaci wektora typu char, numer sekwencji, z której pochodzi, miejsce w sekwencji oraz wektor (tupu tego struct) który zapisuje wierzchołki z którymi jest połączenie krawędzią. Każda sekwencja jest dzielona na wszystkie możliwe podciągi (długości wskazanej przez użytkownika w konsoli), a następnie dodawana do grafu z przepisaniem wszystkich potrzebnych parametrów.
- 4. Algorytm sprawdza każdy wierzchołek z każdym i tworzy między nimi krawędź, jeśli mają taką samą sekwencję, są w różnych sekwencjach oraz miejsce występowanie w grafie nie różni się bardziej niż o dziesięciokrotność podanego podciągu
- 5. Wyszukiwanie kliki w grafie w sposób heurystyczny
 - Sortowanie wierzchołków malejąco według liczby krawędzi z którymi jest połączony
 - 2) Dodanie pierwszego elementu z grafu do kliki
 - Algorytm iteruje po wszystkich wierzchołkach i dodaje je do zbioru kliki (taki sam typ zmiennej jak graf) jeżeli jest połączony z wszystkimi innymi wierzchołkami w klice
- 6. Wyświetlenie wszystkich informacji o wierzchołkach w klice numeru sekwencji, z której pochodzi oraz miejsca w sekwencji, a także sekwencji podciągu

Złożoność algorytmu: O(n log(n))

Wnioski:

Algorytm wyszukuję klikę w grafie w sposób heurystyczny w czasie wielomianowym. Algorytm działa bardzo szybko, jedyna sytuacja, gdy działa trochę wolniej pojawia się, kiedy graf jest duży i długość podciągów to 4, jednak wynika to z długości tworzenia krawędzi w grafie, a nie wyszukiwania kliki. Gdy podciągi są krótsze to jest tworzona klika składająca się z większej ilości wierzchołków. Jeśli motyw ma niską wiarygodność to algorytm ma problem z jego znalezieniem. Przykład takiego zachowania można znaleźć w instancji 1 w teście 1.

Testowanie

Instancja 1:

>DOJHLOP01C1SGE length=101 xy=1133 1724 region=1 run=R 2005 09 08 15 35 38

CAAGCT**ACCTTGTGTCAAATGGAAG**TCAGGGCTTGCAACTGTGTAAACACTATGTTCAAACATAAGTAA CCTGTCTGCG

ACGCCTATCCCAATGCGCCACCAGAGCCACCTTCCCTATTA

>DOJHLOP01D6ZZX length=104 xy=1602 3371 region=1 run=R 2005 09 08 15 35 38

ATCGCAGTGAA**ACCTTGTGTCAAATGGAAG**TCTACGAGAAATGTTTAGGCTTAAAGTTCCAATAATTGC AACTGTAATA

GGGGAAGGTGGCTCTGGTGGCGCATTGGGGATAGGCGTCGCAGA

>DOJHLOP01CUSLY length=109 xy=1053 3012 region=1 run=R 2005 09 08 15 35 38

GGAG**ACCTTGTGTCAAATGGAAG**AGGCAATCGCAGTGAATCTACGAGAAATGTTTAGGCTTAAAGTTC CAATAATTGCA

ACTGTAATAGGGGAAGGTGGCTCTGGTGGCGCATTGGGGATAGGCGTCG

>DOJHLOP01DBA3Z length=105 xy=1241 3437 region=1 run=R 2005 09 08 15 35 38

CCACCT**ACCTTGTGTCAAATGGAAG**TCCCCTATTACAGTTGCAATTATTGGAACTTTAAGCCTAAACATT TCTCGTAGA

TTCACTGCGATTGCCTCTCCTTGTCCTTGTTCTTCTGCTATGACG

>DOJHLOP01BGY5C length=99 xy=0486 1118 region=1 run=R 2005 09 08 15 35 38

TTCCC**ACCTTGTGTCAAATGGAAG**CTATTACAGTTGCAATTATTGGAACTTTAAGCCTAAACATTTCTCG
TAGATTCAC

TGCGATTGCCTCTCCTTGTCCTTGTTCTTCTGCTATGAG

>DOJHLOP01C1SGE length=101 xy=1133_1724 region=1 run=R_2005_09_08_15_35_38_

 $29\ 28\ 23\ 30\ 28\ 29\ \textbf{15}\ \textbf{16}\ \textbf{7}\ \textbf{34}\ \textbf{36}\ \textbf{23}\ \textbf{22}\ \textbf{20}\ \textbf{36}\ \textbf{23}\ \textbf{29}\ \textbf{11}\ \textbf{15}\ \textbf{18}\ \textbf{34}\ \textbf{31}\ \textbf{17}\ \textbf{35}\ \textbf{27}\ 23\ 30\ 31\ 24\ 23\ 6$

32 25 18 31 30 27 21 28 31 31 31 28 26 23 22 3 31 32 31 25 31 31 23 20 10 29 24 23 5 30 28

31 31 27 27 28 30 26 24 17 31 30 31 21 26 32 30 31

31 32 13 29 24 31 32 14 28 28 19 23 15 23 32 30 19 30 25 29 19 9 24 31 12 12 31 26 31 31 27

28 22 29 28 17 26 29 21 13 31

>DOJHLOP01D6ZZX length=104 xy=1602_3371 region=1 run=R_2005_09_08_15_35_38_

32 32 32 31 32 30 31 30 25 31 27 **15 16 7 34 36 23 22 20 36 23 29 11 15 18 34 31 17 35 27** 29 30 32 28 29 31 32 31 27 27 13 19 24 27 27 13 29 31 26 30 31 27 29 28 17 30 29 24 30 25 28 25 28 31 28 28 23 32 30 27 21 32 25 29 32 31 28 29 30

25 25 21 9 23 15 31 28 29 28 23 31 28 30 29 27 25 31 31 28 23 26 30 29 30 27 26 25 22 10 29 30 29 27 25 31 32 31 31 31 36 30

>DOJHLOP01CUSLY length=109 xy=1053 3012 region=1 run=R 2005 09 08 15 35 38

28 18 27 30 **15 16 7 34 36 23 22 20 36 23 29 11 15 18 34 31 17 35 27** 26 31 27 31 29 24 29 31 31 31 21 32 31 32 24 17 30 32 26 31 26 28 32 29 24 23 6 31 31 25 24 9 30 25 19 28 31 27 26 25 10 30 27 20 31 26 31 27 32 30 27 28 23 31 31 30

26 32 31 31 31 31 27 28 31 25 25 22 12 23 15 27 25 30 31 28 31 31 26 31 29 27 29 31 28 32 31 29 31 30 27 25 25 22 11 31 30 26 30 27 31 32 32 32 32

>DOJHLOP01DBA3Z length=105 xy=1241_3437 region=1 run=R_2005_09_08_15_35_38_

31 27 21 30 27 25 **15 16 7 34 36 23 22 20 36 23 29 11 15 18 34 31 17 35 27** 23 25 25 22 12 27 32 30 25 29 32 21 28 31 27 31 27 23 16 26 24 32 31 27 30 25 30 25 31 29 28 18 31 28 26 31 28 28 28 27 19 31 25 29 28 18 28 29 31 32 32 31 32 25

27 20 29 32 31 29 29 31 31 31 30 25 28 31 28 31 31 31 31 27 31 27 29 31 21 13 29 26 27 29 26 24 30 25 31 27 14 31 26 29 30 23 20 9 31

>DOJHLOP01BGY5C length=99 xy=0486_1118 region=1 run=R_2005_09_08_15_35_38_

29 24 24 24 18 **15 16 7 34 36 23 22 20 36 23 29 11 15 18 34 31 17 35 27** 2 30 31 29 24 23 31 24 29 29 24 31 30 30 25 31 27 27 31 26 29 24 25 18 31 27 26 13 31 27 30 29 24 32 29 28 17 32 31 27 26 13 32 29 30 31 28 30 28 31 29 24 32 31 31

31 30 29 28 31 28 22 32 30 25 32 32 31 27 20 29 24 31 32 26 20 31 28 30 31 27 30 31 28 32 28 31 32 30 29 26 25 21 27

<u>Test 1:</u>

Próg: 12

Długość podciągów: 5

Wynik:

- 3, 15
- 2, 22
- 1, 17
- 5, 16
- 5,40

- 4, 17 4, 46 sekwencja: TGGAA Test 2: Próg: 20
- Długość podciągów: 7

Wynik:

- 3, 10
- 5, 12
- 1, 13
- 2, 18
- 4, 13
- sekwencja: CAAGGAG

<u>Test 3:</u>

Próg: 10

Długość podciągów: 8

Wynik:

- 2, 18
- 1, 13
- 4, 13
- 3, 11
- 5, 12

sekwencja: TCAAATGG

Instancja 2:

>DOJHLOP02FU6TN length=110 xy=2288_1721 region=2 run=R_2005_09_08_15_35_38_

AGAAGAACAAGGACAAGGAGAGCAATCGCAGTGAATCTACGAGAAATTGTTT**ATTGCGTGGAAT**AGGCTTA

AAGTTCCAATAATTGCAACTGTAAGTAGGGGAAGGTGGCTCTGGGTGGCG

>DOJHLOP02GKA8Z length=102 xy=2574_2401 region=2 run=R_2005_09_08_15_35_38_

CATAGCAGAAGAACAAGGACAAGGAGAGGCAATCGCAGTGAATCTACGAG**ATTGCCTGGAAT**AAATG

GCTTAAAGTTCCAATAATTGCAACTGTAAGTAGGGGAGGTGG

>DOJHLOP01BGY5C length=99 xy=0486 1118 region=1 run=R 2005 09 08 15 35 38

TTCCCCTATTACAGTTGCAATTATTGGAACTTTAAGCCTAAACATTTCTCGTAGAT**ATTGCATGGTAT**TCA

TGCGATTGCCTCTCTTGTCCTTGTTCTTCTGCTATGAG

>DOJHLOP01DQU80 length=99 xy=1419 0278 region=1 run=R 2005 09 08 15 35 38

TACGAGAAATGTTTAGGCTTAAAGTTCCAATAATTGCAA

>DOJHLOP02IK9M4 length=96 xy=3405 2430 region=2 run=R 2005 09 08 15 35 38

GCCTAAACATTTCTCGTAGATTCACTGCGATTGCCTCTCCTTGTTCTTATTGCGTGGAATCTGCT A

TGAGCCCTGCATAAGCTCCAGGAGTATCTATGAAAG

>DOJHLOP02FU6TN length=110 xy=2288 1721 region=2 run=R 2005 09 08 15 35 38

32 32 31 27 32 31 27 32 30 27 31 27 32 31 29 26 30 27 32 24 31 31 27 31 31 27 31 30 31 32

31 31 31 32 27 21 32 31 32 29 32 20 18 25 23 22 3 18 7 18 29 28 18 **12 34 36 33 32 19 29 25**

26 39 35 28 29 31 26 32 24 22 28

27 18 31 31 27 31 26 25 23 17 26 24 31 27 31 32 25 18 28 31 28 25 31 27 31 32 21 23 23 21

13 23 14 27 24 23 30 25 27 28 27 24 23 22 3 22 29 26 21 32

>DOJHLOP02GKA8Z length=102 xy=2574 2401 region=2 run=R 2005 09 08 15 35 38

26 32 31 28 31 31 32 31 31 27 32 30 27 29 31 26 27 21 30 28 30 27 30 24 32 29 28 27 20 29

26 20 32 28 31 25 32 31 31 22 29 24 29 28 31 17 25 28 17 25 **12 34 36 33 32 19 29 25 26 39**

35 28 26 25 10 19 24 24 23 6 30 21

12 24 31 26 23 22 3 25 21 11 26 19 27 25 31 31 27 24 16 29 30 22 14 27 30 29 32 31 27 12 30 27 25 24 20 7 19 26 19 32 23 14

>DOJHLOP01BGY5C length=99 xy=0486_1118 region=1 run=R_2005_09_08_15_35_38_

29 24 24 24 18 2 30 31 29 24 23 31 24 29 29 24 31 30 30 25 31 27 27 31 26 29 24 25 18 31 27 26 13 31 27 30 29 24 32 29 28 17 32 31 27 26 13 32 29 30 31 28 30 28 31 29 12 34 36 33 32 19 29 25 26 39 35 28 24 32 31 31

31 30 29 28 31 28 22 32 30 25 32 32 31 27 20 29 24 31 32 26 20 31 28 30 31 27 30 31 28 32 28 31 32 30 29 26 25 21 27

>DOJHLOP01DQU80 length=99 xy=1419_0278 region=1 run=R_2005_09_08_15_35_38_

27 26 31 30 30 26 26 30 30 30 29 26 25 11 31 29 32 31 26 30 30 29 28 32 30 27 29 31 27 31 31 28 26 20 30 26 31 28 30 26 31 31 31 27 21 31 30 25 27 31 31 29 30 29 27 28 28 22 31 12 34 36 33 32 19 29 25 26 39 35 28 27

26 22 26 30 20 24 26 25 9 20 26 23 22 3 31 22 13 29 31 28 27 27 13 22 22 14 27 21 29 26 29 27 25 21 11 30 31 28 22

>DOJHLOP02IK9M4 length=96 xy=3405_2430 region=2 run=R_2005_09_08_15_35_38_

18 26 19 24 24 23 6 31 32 29 28 17 31 25 32 25 30 32 31 23 27 21 31 31 28 32 28 31 27 30 24 16 28 27 21 30 32 29 25 17 26 19 28 31 26 20 31 27 31 30 24 31 30 24 12 34 36 33 32 19 29 25 26 39 35 28 28 30 28 32 31 26

27 32 27 21 27 27 13 32 31 27 23 21 31 27 25 19 32 29 24 31 29 26 30 18 31 30 31 29 32 21 27 21 27 27 18 27

Test 1:

Próg: 25

Długość podciągów: 4

Wynik:

- 4,56
- 2, 43
- 1,48
- 3, 45
- 3,83
- 5, 62
- 5, 52
- 5, 42

sekwencja: TGCT

Test 2:

Próg: 11

Długość podciągów: 4

Wynik:

- 4, 59
- 5, 53
- 1, 51
- 2, 50
- 1, 81
- 3, 75
- 2, 85
- 3, 55
- 5, 28
- 3, 21

sekwencja: ATTG

<u>Test 3:</u>

Próg: 22

Długość podciągów: 9

Wynik:

- 2, 45
- 1, 49
- 5, 44
- 4, 56

sekwencja: TTGCTGGAA

Instancja 3:

>DOJHLOP01C6EES length=99 xy=1185_3810 region=1 run=R_2005_09_08_15_35_38_

AAGCTCCAGGAGTATCTATGAAAGAAATTATTGGAAGATTAAAGCGATCGGCATGGTCCA

TCAGCCTCAAAGCCTTTCTGGTCTCAATGCTAGGTAGCCTCCAGGTTTTGCCA

>DOJHLOP01DZTX4 length=95 xy=1521_0714 region=1 run=R_2005_09_08_15_35_38_

TTGGCATGGCAAAACCTGGAGGCTACAGAAAGGCTTTGAGGCTGATGGACCATGCCGATC

GCTTTAATCTTCCAATAATTTCTTTCATGGTCTCATTGCTAGAGATACT

>DOJHLOP01BP4NK length=113 xy=0590_2174 region=1 run=R_2005_09_08_15_35_38_

CATGGTCCATCAGCCTCAAAGCCTTTCTGTAGCCTCCAGGTTTTGCCATGCCAAAGTTTC

TTGCAACATTCTCTTTTGTATCTCTTACCTTTTTTGTTGTCCAAAATTAAAAGGTCTCAATGCTAGGG

>DOJHLOP01ANIOR length=122 xy=0150_3017 region=1 run=R_2005_09_08_15_35_38_

GGAGGGTTAGCTCGAATAGGTGAAAAATCCGTCCTTTTAATTGGACAACAAAAAAGGTAGA

GATAACAAAAAGAAATGTTGCAAGAAACTTTGGCATGGACAAAAACCTGGAGGCCTACAGGGCCTCAAT
GCTAGAA

GG

>DOJHLOP02IMA9L length=114 xy=3417_2039 region=2 run=R_2005_09_08_15_35_38_

GGAGACAGGAACGGAACTGATGATCAAGCTCTAATAGGAGGGTTAGCTCGAATAGGTGAA

AATCCGTCCTTTTAATTGGACAACAAAAAGGTAGAGATACAAAAGGGTCTCAAAGCTAGAGAATGTTG

>DOJHLOP01C6EES length=99 xy=1185_3810 region=1 run=R_2005_09_08_15_35_38_
27 21 31 31 31 29 23 28 29 24 26 30 32 32 31 31 31 31 29 32 23 22 5 30 23 22 2 30 26 30 24 17 31 26 21 13 31 20 30 25 29 28 16 32 29 31 24 31 28 31 26 30 29 31 28 22 31 29 23 31
29 31 28 32 31 27 32 32 23 22 3 30 30 26 29 28 18 31 31 34 29 34 36 23 27 34 12 14 26 38 11 19 29 28 29 28 24 31 28 27 27 21 30 31 28 25 25 20 6 28 28 22 31

>DOJHLOP01DZTX4 length=95 xy=1521_0714 region=1 run=R_2005_09_08_15_35_38_
31 26 31 27 29 31 31 31 28 30 25 25 22 12 30 27 31 31 28 19 30 25 32 30 30 32 31 32 28 27 15 31 26 29 29 28 16 25 24 31 27 31 32 32 30 29 31 28 31 31 28 31 28 29 31 27 31 31 28 31 30 31 29 28 17 31 28 31 28 28 23 19 9 30 25 27 29 24 28 28 19 31 28 27 14 26 31 29 34 29 34 36 23 27 34 12 14 26 38 11 19 29 32 31 32 31 32 21 31

>DOJHLOP01BP4NK length=113 xy=0590 2174 region=1 run=R_2005_09_08_15_35_38_

31 29 29 31 28 32 31 28 31 29 29 31 32 30 27 31 30 28 27 15 32 31 28 29 28 18 32 32 31 31 31 32 29 26 31 31 28 25 27 25 24 24 22 12 31 28 25 29 31 31 31 27 28 27 19 31 28 28 19 31 28 22 32 29 30 26 31 29 27 25 31 18 31 24 24 21 12 30 31 31 32 28 31 28 23 16 31 30 25 20 20 19 16 9 1 31 28 23 31 29 30 26 23 22 2 31 28 24 23 21 12 34 29 34 36 23 27 34 12 14 26 38 11 19 29 25 23

>DOJHLOP01ANIOR length=122 xy=0150_3017 region=1 run=R_2005_09_08_15_35_38_
24 9 15 24 23 6 21 12 31 31 29 28 28 31 27 21 31 24 31 28 32 31 22 22 20 13 2 31 31 28 31 21 29 23 26 25 22 10 27 21 31 27 27 21 31 32 25 23 30 22 22 21 16 7 29 24 29 31 31 27

30 31 28 17 6 31 26 25 22 9 25 29 23 19 9 27 31 18 8 29 26 31 28 31 23 22 3 32 29 28 17 31 26 32 32 31 30 27 21 18 26 25 22 11 29 24 28 30 28 31 25 18 32 24 31 24 28 27 **34 29 34 36 23 27 34 12 14 26 38 11 19 29** 24 22 28 23

>DOJHLOP02IMA9L length=114 xy=3417_2039 region=2 run=R_2005_09_08_15_35_38_

28 18 26 29 28 31 28 31 27 30 25 32 30 27 31 26 32 30 32 30 27 32 31 31 31 31 27 32 32 30 31 31 31 27 27 32 28 26 25 29 28 17 31 27 29 31 31 27 31 31 30 26 32 32 31 27 24 30 23 23

21 13 32 31 27 31 27 28 21 25 25 22 10 30 25 30 24 31 27 29 32 25 23 28 21 21 20 16 9 30 27 28 31 32 32 30 32 29 18 28 25 25 22 12 32 **34 29 34 36 23 27 34 12 14 26 38 11 19 29** 31 25 29 23 32 27 30 24 30

Test 1:

Próg: 29

Długość podciągów: 4

Wynik:

5, 16

1, 0

1, 47

3, 9

2, 20

2, 12

3, 14

3, 23

2, 25

sekwencja: AGCT

Test 2: Próg: 22 Długość podciągów: 6 Wynik: 2, 81 1, 71 3, 99 5, 96 sekwencja: GTCTCA Test 3: Próg: 19 Długość podciągów: 7 Wynik: 2, 85 3, 104 1, 75 4, 106 sekwencja: CTCATGC