# 作业一

# 一.K-Means 聚类算法

1.基本思想: 首先生成 k 个随机样本中心, 之后通过迭代的方式, 每轮迭代将样本点分配给 离它最近的样本中心, 从而确定每一个样本所属的类别。之后对于每一类别的所有样本, 重新计算它们的中心。重复迭代过程, 直至 k 个样本中心的位置不再变化为之。

## 2.实现过程:

```
def kmeans(features,k,num_iters=200):
   N,D=features.shape #获取图像特征的像素个数以及每个像素点的通道数
   idxs=np.random.choice(N,size=k,replace=False) #随机生成 k 个随机数
   centers=features[idxs] #使用指定的随机数对应的像素点作为初始聚类中心
   assignments=np.zeros(N) #将每个像素点对应所属的类别初始化为 @
   for n in range(num_iters):
      featureMap=np.tile(features,(k,1)) #将整个图像特征重复 k 次
      centerMap=np.repeat(centers,N,axis=0) #将每一个聚类中心重复像素点个数次,从而使得
      dist=np.linalg.norm(featureMap-centerMap,axis=1).reshape(k,N) #通过对 featureMap 和
      assignments=np.argmin(dist,axis=0) #对每个像素找出离其最近的聚类中心的下标
      newCenters=np.zeros((k,D)) #初始化新的聚类中心
      for idx in range(k):
         index=np.where(assignments==idx) #筛选出所有属于第 idx 类的像素
         newCenters[idx]=np.mean(features[index],axis=0) #计算第idx 类像素的新聚类中心
      if np.allclose(newCenters,centers): #如果新的中心点和上一次迭代的聚类中心位置完全相同则可以
         break
         centers=newCenters
  return assignments
```

3.性能优化:如果通过循环的方式遍历每个样本,找出与其相距最近的样本中心,则会使得效率十分低下。为了提高效率,可以使用 numpy 的矩阵操作,具体做法为:将整个样本(共 N 个)重复 k 次得到矩阵 A,将所有样本中心(共 k 个)重复 N 次得到矩阵 B,则矩阵 A 和 B 每个位置上的元素对应关系刚好遍历所有"样本-样本中心"对应关系。通过矩阵 A 和矩阵 B 做差,在对得到的结果求 L2 范数,就可以得到所有"样本-样本中心"的距离。之后通过 argmin 函数就可以对每个样本快速筛选出离它最近的样本中心。

#### 二.HAC 聚类算法

1.基本思想:在 HAC 聚类中,每个样本点最初都单独放置在一个 cluster 中。之后通过迭代的方式,在每次迭代中中,将具有最高相似度得分的两个 cluster 合并。从而使得 cluster 数量减少 1。直至最后剩余 cluster 的数量达到了预期数量。其中相似度可以有如下计算方式:

①单链接:将两个 cluster 中距离最近的两个样本点间的距离作为这两个 cluster 的距离。这种方法容易受到极端值的影响。两个不相似的 cluster 点可能由于其中的某个极端的样本点距离较近而合并在一起。单链接相似度计算方法为:

$$sim(A,B) = \min_{u \in A, v \in B} sim(u,v)$$

②完全链接:将两个 cluster 中距离最远的两个样本点间的距离作为这两个组合数据点的距离。完全链接的问题与单链接相反,两个相似的 cluster 可能由于其中的极端样本点距离较远而无法合并在一起。完全链接相似度计算方法为:

$$sim(A, B) = \max_{u \in A, v \in B} sim(u, v)$$

③平均链接: 计算两个 cluster 中的每个样本点与其他所有样本点的距离。将所有距离的均值作为两个 cluster 间的距离。这种方法虽然结果比前两种方法更合理,但是其计算量非常大。平均链接相似度计算方法为:

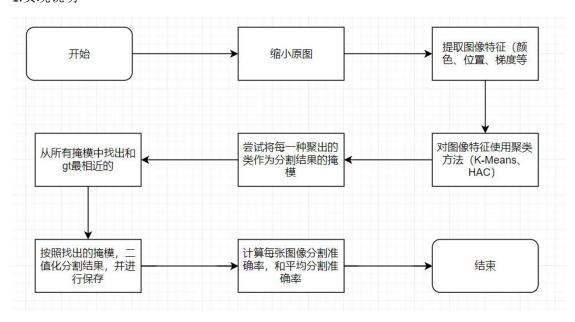
$$sim(A, B) = \frac{\sum_{u \in A, v \in B} sim(u, v)}{size(A) * size(B)}$$

## 2.实现过程:

```
def hierarchical_clustering(features,k):
   N,D=features.shape #获取图像特征的像素个数以及每个像素点的通道数
   assignments=np.arange(N)
   centers=np.copy(features) #初始每个像素自身就是所在簇的中心
   n clusters=N
   while n_clusters>k:
       dist=pdist(centers) #计算所有簇的中心间的欧氏距离
       distMatrix=squareform(dist) #将对角阵转换为完整矩阵
       distMatrix=np.where(distMatrix!=0.0,distMatrix,1e5) # 因为squareform构建的完整矩阵上对角
       minRow,minCol=np.unravel index(distMatrix.argmin(),distMatrix.shape)
       saveIdx=min(minRow,minCol)
       mergeIdx=max(minRow,minCol)
       #将簇 mergeIdx 的点分配给 saveIdx 所在簇
       assignments=np.where(assignments!=mergeIdx,assignments,saveIdx)
       #因为要删除一个簇 mergeIdx,所以下标的变化为:小于 mergeIdx 的不改变,大于 mergeIdx 的需要减一
       assignments=np.where(assignments<mergeIdx,assignments,assignments-1)</pre>
       centers=np.delete(centers,mergeIdx,axis=0)
       saveIdxIndecies=np.where(assignments==saveIdx)
       centers[saveIdx]=np.mean(features[saveIdxIndecies],axis=0)
```

# 三.聚类算法实现图像分割

## 1.实现说明



## ①缩小原图:

- (1)由于图像本身具有一定噪声,因此希望通过将图像缩小的方式减轻噪声对聚类结果的影响。在缩小后的图像上进行聚类,完毕后通过线性插值的方式将图像恢复至原本大小,并对插值出的浮点数类型四舍五入取整,从而将插值出的像素也精确分属到所聚出的某一类之中。
- (2) 缩小图像能够有效减少聚类时的计算量。尤其是在 HAC 聚类算法中,由于初始时每个像素就是一个独立的 cluster,在计算 cluster 之间距离时需要对所有像素两两计算距离。无论是空间还是时间都将花费巨大的开销。通过缩小图像的方式,能够平方级减少计算量。

## 实现如下:

## ②提取图像特征:

- (1) 颜色特征: 仅将图像的每个像素点的 RGB 分量作为样本点的属性进行聚类。
- (2)颜色-位置特征:在提取颜色特征的基础上,考虑像素点的坐标位置,共同作为样本点属性进行聚类。同时由于坐标位置数值和 RGB 分量值数量级相差较大,因此需要对特征做归一化处理。
- (3) 颜色-位置-梯度特征:在提取颜色和位置特征的基础上,考虑像素点水平和垂直方向上的灰度梯度特征,将两者加和,共同作为样本点的属性进行聚类。同样需要归一化处理。

# 实现如下:

```
def color_features(img):
  H,W,C=img.shape #获取图像的高度,宽度和通道数
   img=img_as_float(img) #将图像像素转换成浮点数表示
   features=np.reshape(img, (H*W, C)) #将图像的每个像素的所有颜色通道作为特征通道,得到对应图像大
   return features
def color_position_features(img):
   H,W,C=img.shape #获取图像的高度,宽度和通道数
   color=img_as_float(img) #将图像像素转换成浮点数表示
   features=np.zeros((H*W, C+2)) #预留出两个通道的位置,用于存放像素的位置特征
   position=np.dstack(np.mgrid[0:H,0:W]).reshape((H*W,2)) #得到每个像素的位置信息
   features[:,0:C]=np.reshape(color,(H*W,C)) #将图像的每个像素的所有颜色通道作为特征通道
   features[:,C:C+2]=position #特征通道再额外拼接上各个像素的位置信息这两个通道
   features=(features-np.mean(features,axis=0))/(np.std(features, axis=0)) #对图像特征中各个元
   return features
def color_position_gradient_features(img):
  H,W,C=img.shape #获取图像的高度,宽度和通道数
   color=img_as_float(img) #将图像像素转换成浮点数表示
   position=np.dstack(np.mgrid[0:H,0:W]).reshape((H*W,2)) #得到每个像素的位置信息
   grayImg=color.rgb2gray(img) #将图像换成灰度图形式
   gradient=np.gradient(grayImg) #计算图像每个像素在水平和垂直方向上的梯度值
   gradient=np.abs(gradient[0])+np.abs(gradient[1]) #将两个方向上的梯度值进行相加
   features=np.zeros((H*W,C+3))
   features[:,0:C]=np.reshape(color,(H*W,C)) #将图像的每个像素的所有颜色通道作为特征通道
   features[:,C:C+2]=position #特征通道再额外拼接上各个像素的位置信息这两个通道
   features[:,C+2]=gradient.reshape((H*W)) #特征通道再额外拼接上各个像素的两个方向上的梯度值之和
   features=(features-np.mean(features,axis=0))/(np.std(features, axis=0)) #对图像特征中各个元
  return features
```

#### ③聚类:

使用 K-Means 或 HAC 方法对所提取出的图像特征进行聚类,从而将图像划分出不同的部分。此处存在超参数 k,即将图像所要分成的部分个数。经过试验,取 k=3 时效果较好。且由于 HAC 聚类算法的计算复杂程度比 K-Means 更高,想要在不超出内存限制的情况下可接受时间内得到图像分割结果,则 HAC 聚类方法接受到的图像特征规模应当比 K-Means 聚类方法所接受的小 1 个数量级左右。此处 K-Means 聚类方法缩小图像为 0.5 倍,HAC 聚类方法缩小图像为 0.01 倍(缩小为 0.05 倍的情况下,16 张图片将有 2 张会在计算过程中超出内存限制)。

具体实现方法已在前文中展示。

## ④图像掩模:

由于 GT 中的图像,将图像分割成了黑白两个部分,而我在聚类时选取的 k=3,因此需要从聚类结果中选取一个类作为"目标",和 GT 中的"目标"(即图像的白色部分)进行比对。对我所聚出的类进行遍历,对于每个类,将该类下的像素变成白色,其余像素变成黑色,从而得到"目标"的掩模,使用该掩模可以和 GT 进行准确度对比。

#### 实现如下:

```
def evaluate_segmentation(mask_gt, segments):
    num_segments=np.max(segments)+1 #将图像分割成的部分总数
    max_accuracy=0 #初始化准确率最大的分割部分的准确率
    for i in range(num_segments):
        mask=(segments==i).astype(int) #获取所有被分割成第 i 部分的像素形成的掩模,转换成相当于只有这部分是白色,其余为黑色的分割结果
        accuracy=compute_accuracy(mask_gt,mask) #对比选取分割出的白的为当前掩模部分的情况下,和 gt 的重合率
        max_accuracy=max(accuracy,max_accuracy) #和 gt 重合率最大的即为准确率最高的分割方案
        for i in range(num_segments):
        mask=(segments==i).astype(int) #获取所有被分割成第 i 部分的像素形成的掩模,转换成相当于只有这部分是白色,其余为黑色的分割结果
        accuracy=compute_accuracy(mask_gt,mask) #对比选取分割出的白的为当前掩模部分的情况下,和 gt 的重合率
        if (accuracy=max_accuracy):
            return max_accuracy,mask
```

### ⑤分割准确率:

为了定量化显示用提取的图像特征序列进行图像分割的实际效果,将获得的各个类下的"目标"掩模和 GT"目标"进行重合,统计二者对应相同位置的像素颜色一致的部分所占整个图像的比例。从各个类的"目标"掩模中选取该占比最高的数值作为图像分割的准确率。

实现如下(其中取最高值操作是在 evaluate\_segmentation 函数中完成):

## 3.运行说明:

本次作业通过在 Visual Studio Code 使用 Anaconda 环境对编写的代码进行解释执行,其中使用到的 numpy 等库均已在 Anaconda 环境中安装。通过控制台命令 python -u "文件路径 \文件名.py" 可以对源程序进行解释执行。从 data/imgs 目录和 data/gt 目录分别获取到原图像和 GT,通过 zip 函数组成一组"输入-标准输出"对,在运行图像分割后,将自己得到的输出与标准输出(GT)进行比对,从而能够得到分割准确率。并且将自己得到的输出,按照准确率最高的掩模,以黑白图像的形式保存在 data/my/Kmeans 和 data/my/HAC 目录下作为结果记录。

通过所保存的图像文件来看,HAC 聚类容易聚出横平竖直的块状和条状区域,并且由于HAC 聚类计算量大而导致对输入的缩小比例更高,最终导致 HAC 聚类所获得的图像风格结果结构较为简单,不如 K-Means 聚类算法获得的结果好(并且从准确率上来看也是如此,然而如果内存充足,可以预见在缩小同样比例的情况下,HAC 聚类比 K-Means 聚类得到的图像风格结果准确率应该更高)。

## 4.运行结果:

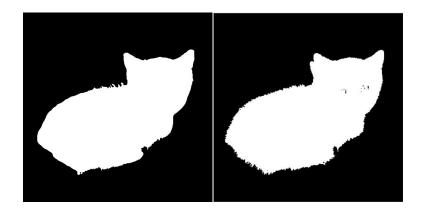
①使用 K-Means 聚类方法实现的图像分割,准确率如下图所示:

```
(base) PS E:\课程\计算机视觉\1853971 王天 作业一> python -u "e:\课程\计算机视觉\1853971 王天 作业一\ImageSegKmeans.py" 第13张图像的准确率为: 0.8210 第28图像的准确率为: 0.9327 第3张图像的准确率为: 0.9327 第3张图像的准确率为: 0.9846 第4张图像的准确率为: 0.9622 第6张图像的准确率为: 0.652 第6张图像的准确率为: 0.9052 第6张图像的准确率为: 0.431 第9张图像的准确率为: 0.431 第9张图像的准确率为: 0.431 第9张图像的准确率为: 0.838 第11张图像的准确率为: 0.7431 第9张图像的准确率为: 0.7431 第9张图像的准确率为: 0.7431 第9张图像的准确率为: 0.7431 第9张图像的准确率为: 0.7503 第13张图像的准确率为: 0.7503 第16张图像的准确率为: 0.7503 第16张图像的准确率为: 0.7503 第16张图像的准确率为: 0.8800 第16张图像的准确率为: 0.7503 第16张图像的准确率为: 0.6341 所有图像的平均准确率为: 0.6341
```

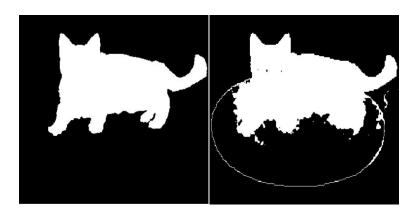
(最好情况下分割准确率 81.04%)

部分原图和 GT-分割结果对比展示如下:













②使用 HAC 聚类方法(使用单链接方式)实现的图像分割,准确率如下图所示:

(最好情况下分割准确率 74.20%)

部分 GT-分割结果展示如下:



