时间 2021年12月13日星期一

项目：二代版1.0 增加功能及bug修复

1. Bug修复：序列分类的页面链接的文件不对，应为G\_CONFIG/ reads\_classify.py
2. 新增功能：未知病原illumina测序数据分析模块下面增加一个子页面，名称：从头拼接

|  |  |  |
| --- | --- | --- |
| 起始路径 |  | |
| 列表文件 |  | |
| 结果路径 |  | |
| 测序类型 | ◎单端 ◎双端 （此处为单选） | |
| 线程数 | 16 | □ Meta |

对接文件：ngs\_denovo.py （位置：G\_CONFIG/erdai）

说明：ngs\_denovo.py -raw\_path 起始路径 -list\_file 列表文件 -result\_path 结果路径 -type 测序类型 -threads 线程数 –meta  
测序类型：-meta参数为可选参数，当界面上Meta项目勾选时，命令中出现-meta参数，当界面Meta不勾选时，命令中无-meta参数。单端传递参数SE,双端传递参数PE

请注意检查命令里字符的格式，比如“-”是中文还是英文格式。

1. 功能调整：去除掉除诺如病毒之外，其它一级标题上的新建任务链接

PS，测试时请仿照命令的格式，构建一个模拟的py文件，内容为打印所有参数，以此测试页面传递参数是否正确。