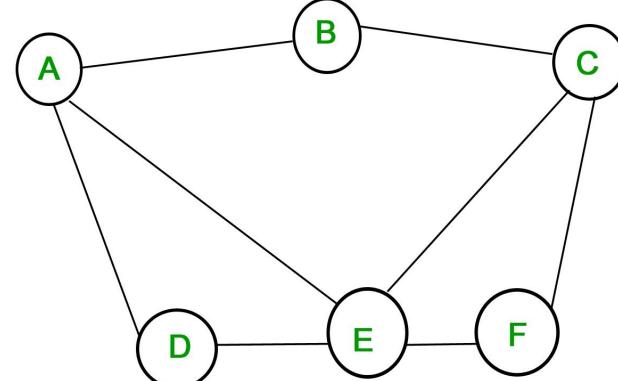
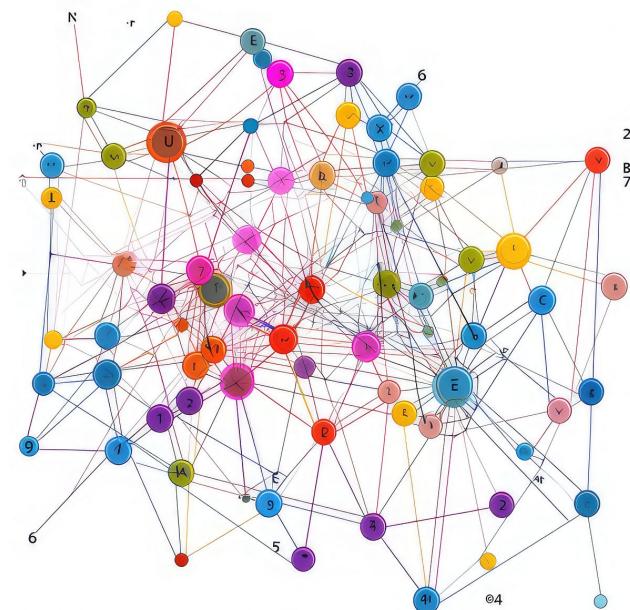


Montaje de secuencias

Grafos o gráficas

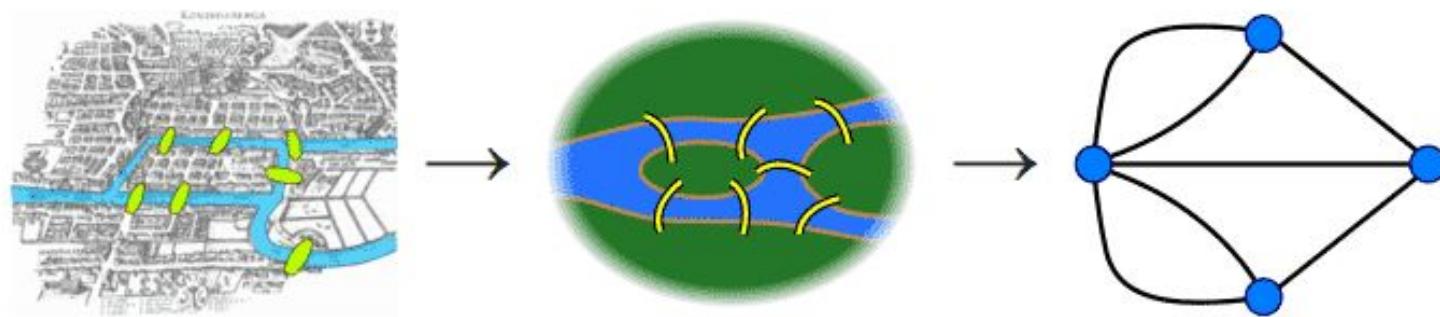


¿Qué es un grafo?

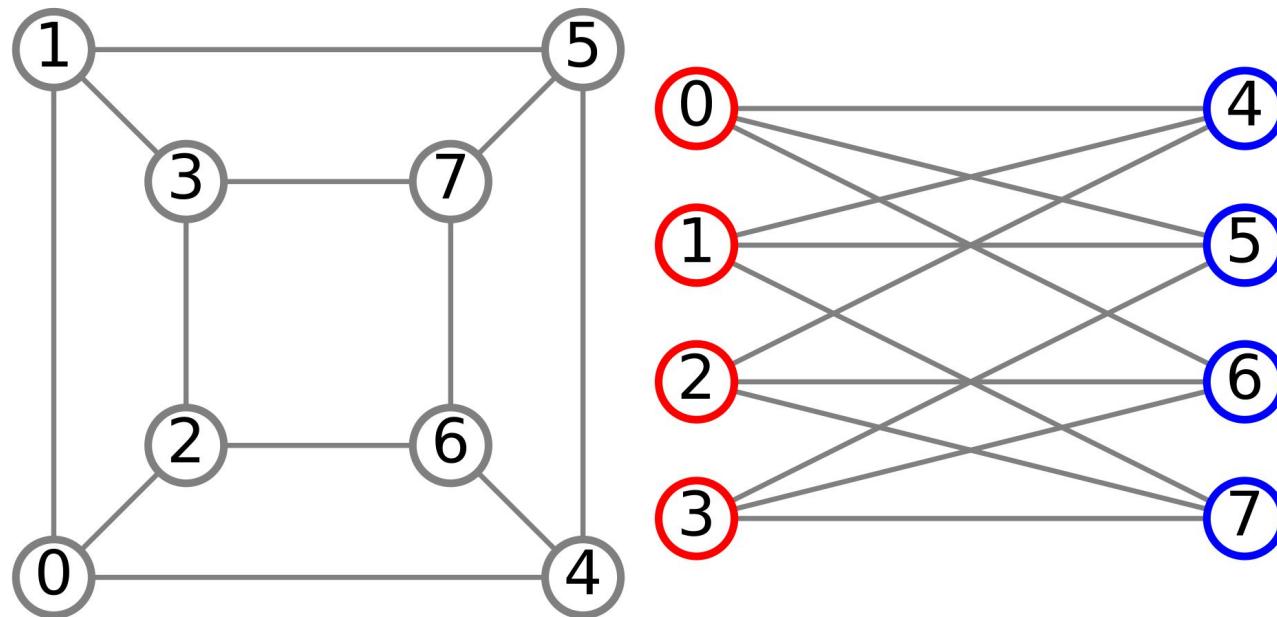
Un **grafo no dirigido** $G(V,E)$ es una pareja ordenada en donde V es un conjunto no vacío de vértices y E es el conjunto de aristas, el cual consta de pares **no ordenados** de vértices, como $\{x,y\}$.

Un **grafo dirigido** $G(V,E)$ es una pareja ordenada en donde V es un conjunto no vacío de vértices y E es el conjunto de aristas, el cual consta de pares **ordenados** de vértices, como (x,y) .

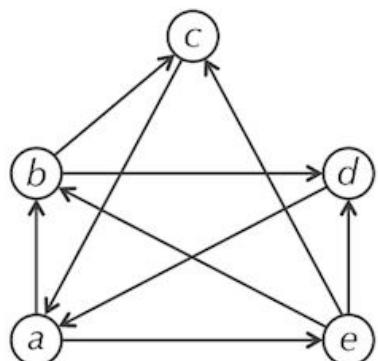
Puentes de Königsberg



Isomorfismo de grafos



Representaciones de grafos



Adjacency Matrix

	a	b	c	d	e
a	0	1	0	0	1
b	0	0	1	1	0
c	1	0	0	0	0
d	1	0	0	0	0
e	0	1	1	1	0

Adjacency List

a is adjacent to b and e
b is adjacent to c and d
c is adjacent to a
d is adjacent to a
e is adjacent to b, c, and d

Secuenciación de ADN

Un investigador toma una pequeña muestra de tejido que contiene millones de células con ADN idéntico, se utilizan métodos bioquímicos para quebrar el ADN en fragmentos y luego se secuencian estos fragmentos para generar los “reads”.

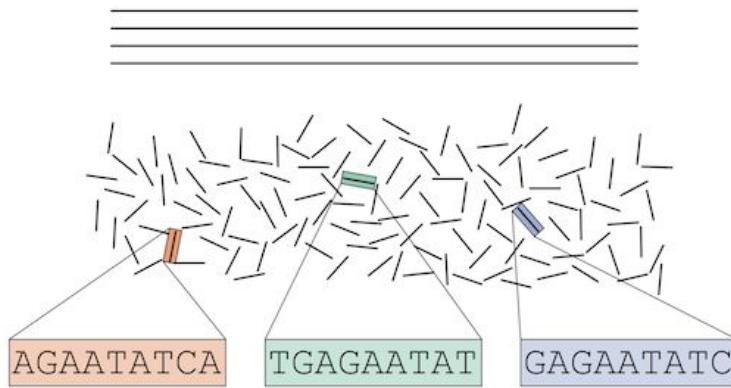
La tarea de utilizar estos fragmentos para reconstruir la cadena original se le conoce como montaje de secuencias.

Multiple identical
copies of a genome

Shatter the genome
into reads

Sequence the reads

Assemble the
genome using
overlapping reads



AGAATATCA
GAGAATATC
TGAGAATAT
... TGAGAATATCA ...

Algunos retos

- No sabemos a priori que hebra estamos analizando en cada read
- Las máquinas modernas de secuenciación no son perfectas
- Algunas regiones del genoma no van a ser cubiertas por algún read

En este caso, vamos a asumir que no existen errores y que los métodos modernos alcanzan a secuenciar todo el genoma.

Composición de k-meros

Dada una cadena texto, la composición de k-meros es la colección de todas las subcadenas k-meros en dicha cadena.

$$\text{Composition}_3(\text{TATGGGGTGC}) = \{\text{ATG}, \text{GGG}, \text{GGG}, \text{GGT}, \text{GTG}, \text{TAT}, \text{TGC}, \text{TGG}\}.$$

Reconstrucción de una cadena

AAT ATG GTT TAA TGT

TAA
AAT
ATG
TGT
GTT
TAATGTT

Una reconstrucción más larga

AAT ATG ATG ATG CAT CCA GAT GCC GGA GGG GTT TAA TGC TGG TGT

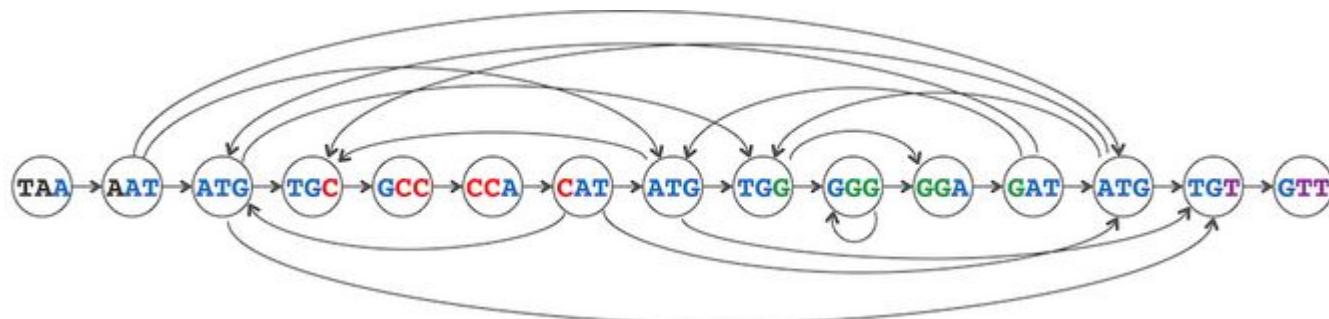
TAA
AAT
ATG
TGC
GCC
CCA
CAT
ATG
TGG
GGA
GAT
ATG
TGT
GTT

Utilizamos grafos

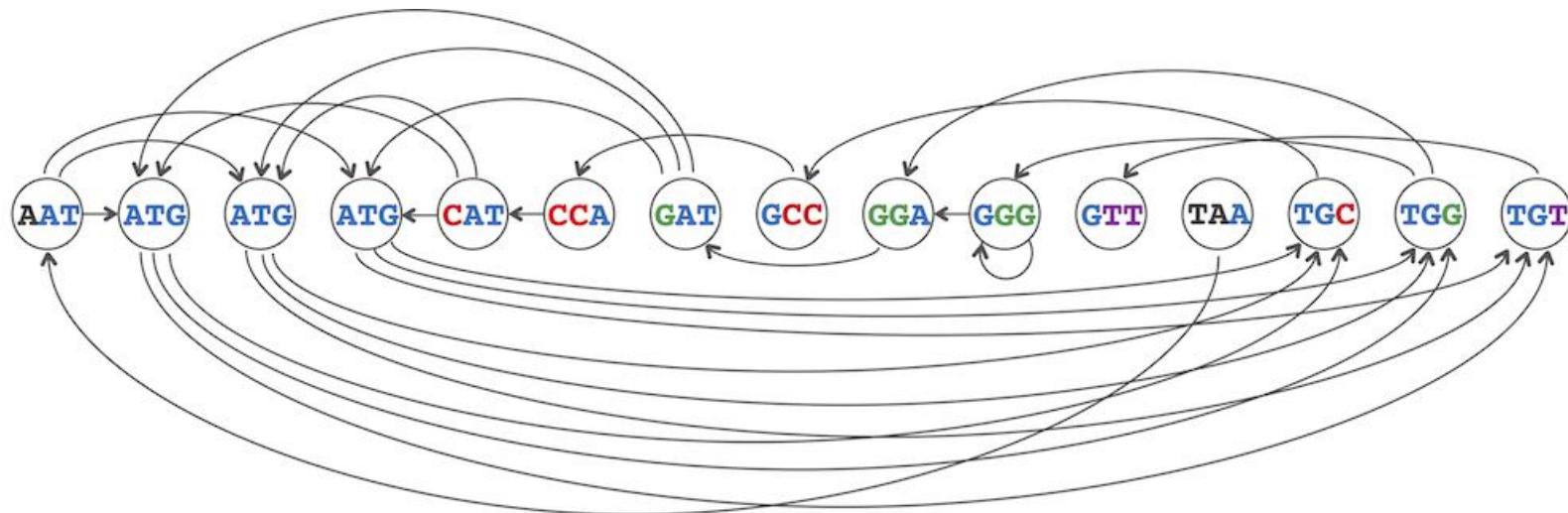
TAA
AAT
ATG
TGC
GCC
CCA
CAT
ATG
TGG
GGG
GGA
GAT
ATG
TGT
GTT
TAATGCCATGGGATGTT



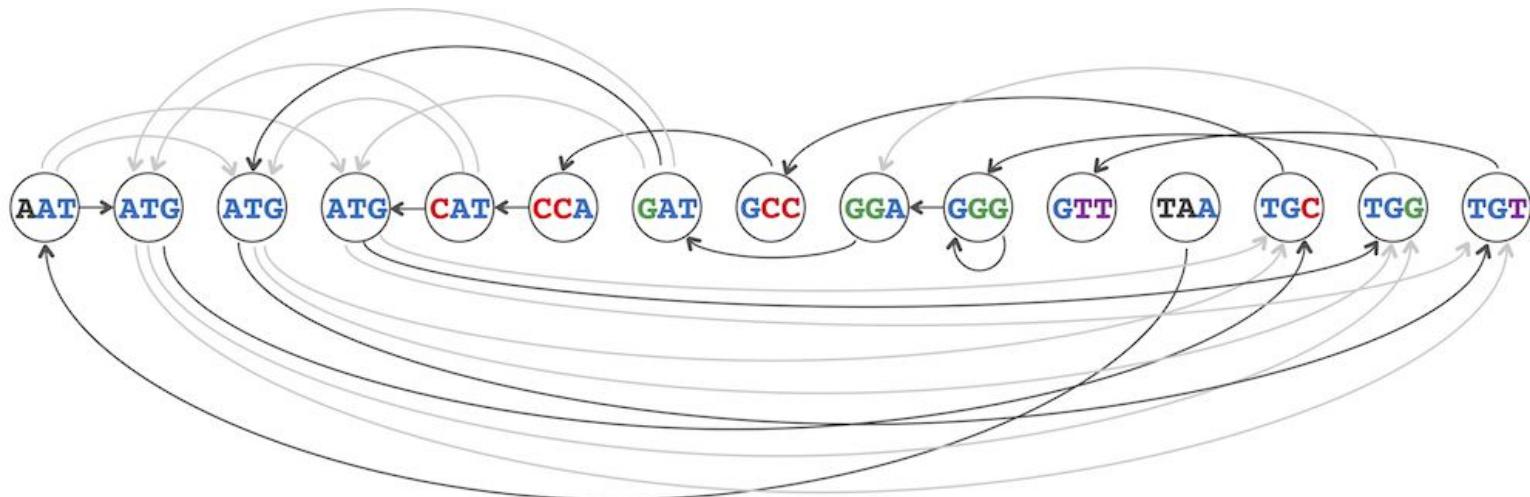
Grafo dirigido



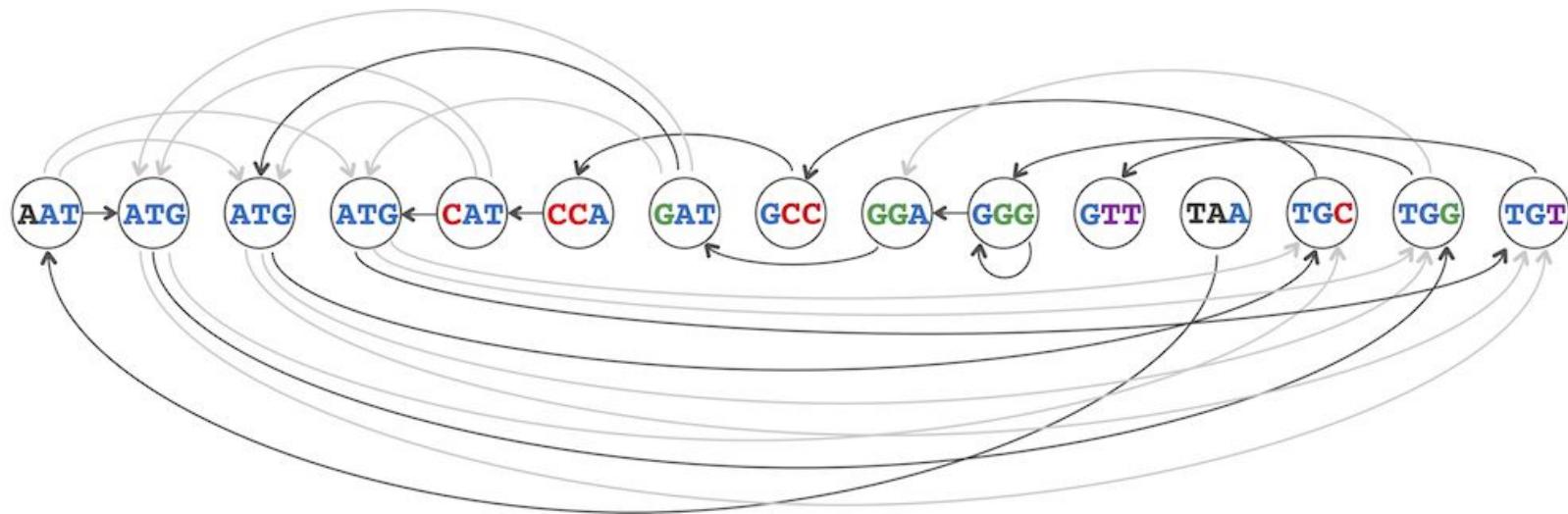
Si desordenamos un poco...



Si desordenamos un poco...

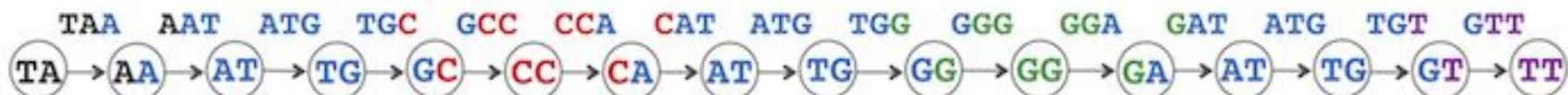
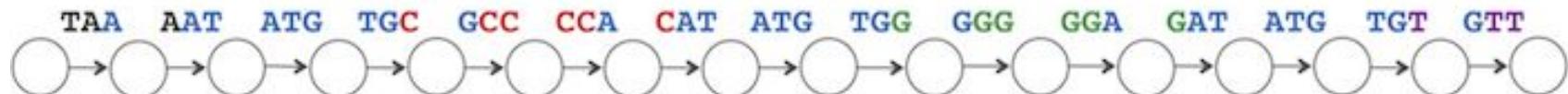


Caminos Hamiltonianos

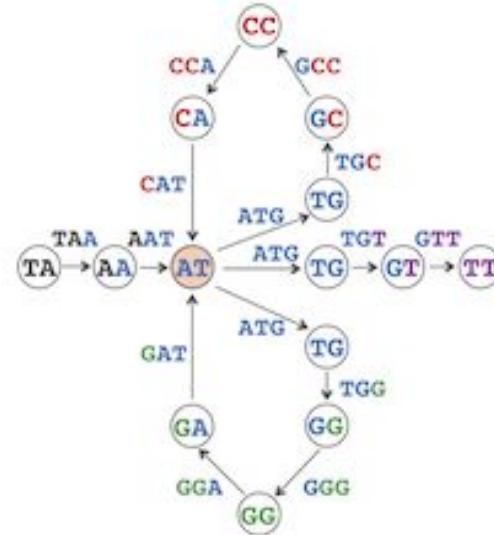
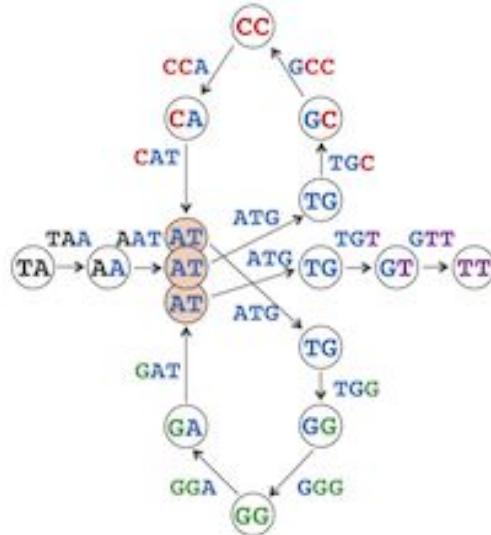
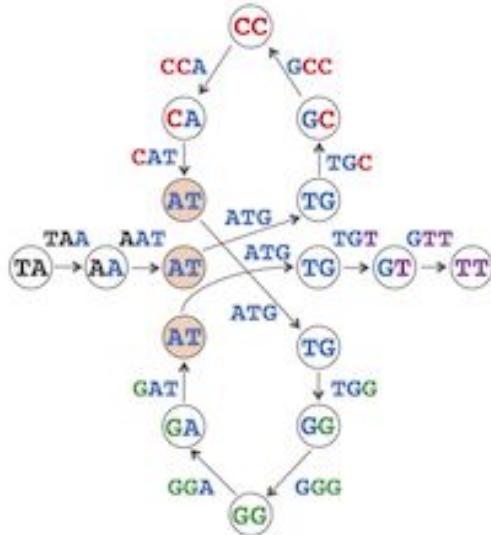


Otra forma de construir grafos

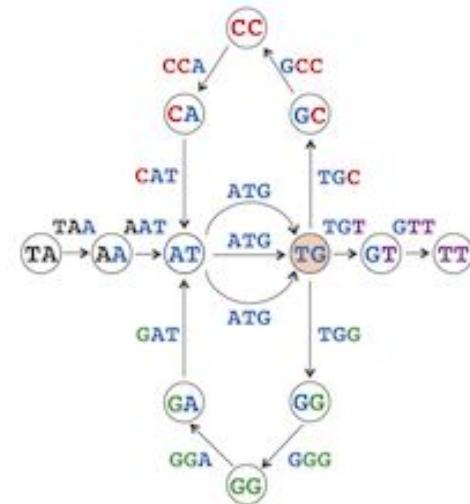
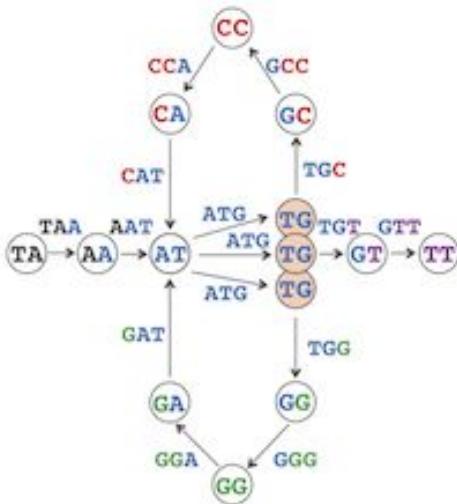
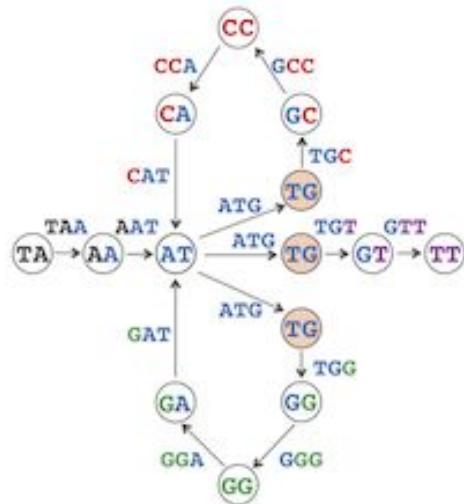
TAA AAT ATG TGC GCC CCA CAT ATG TGG GGG GGA GAT ATG TGT GTT



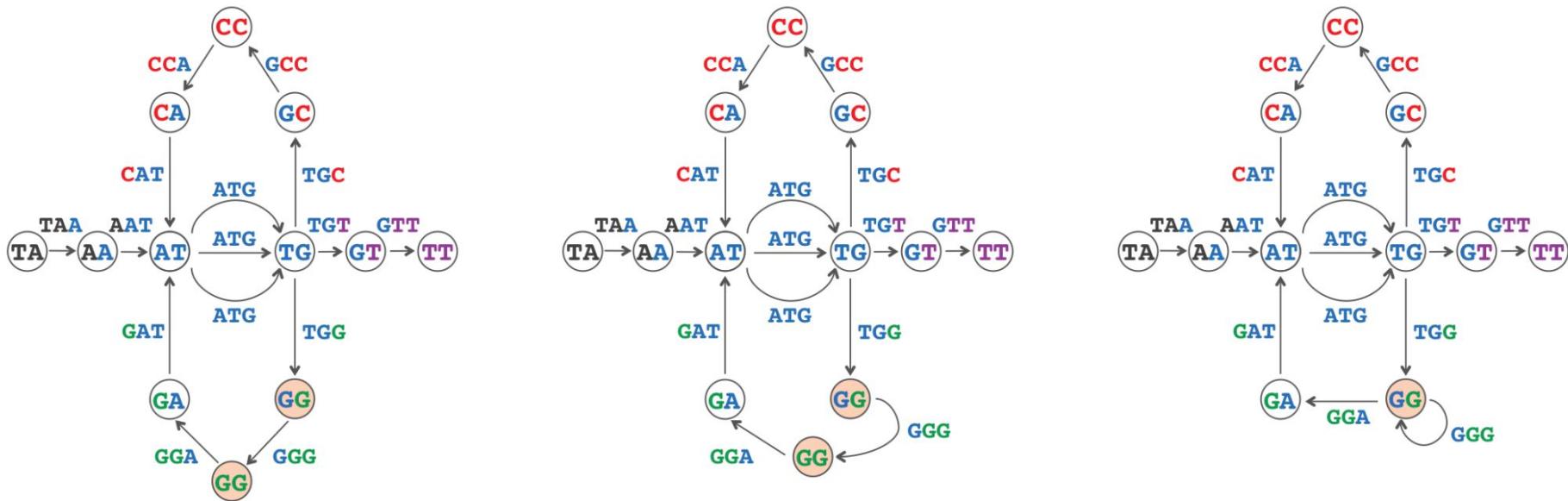
Transformamos el grafo



Transformamos el grafo

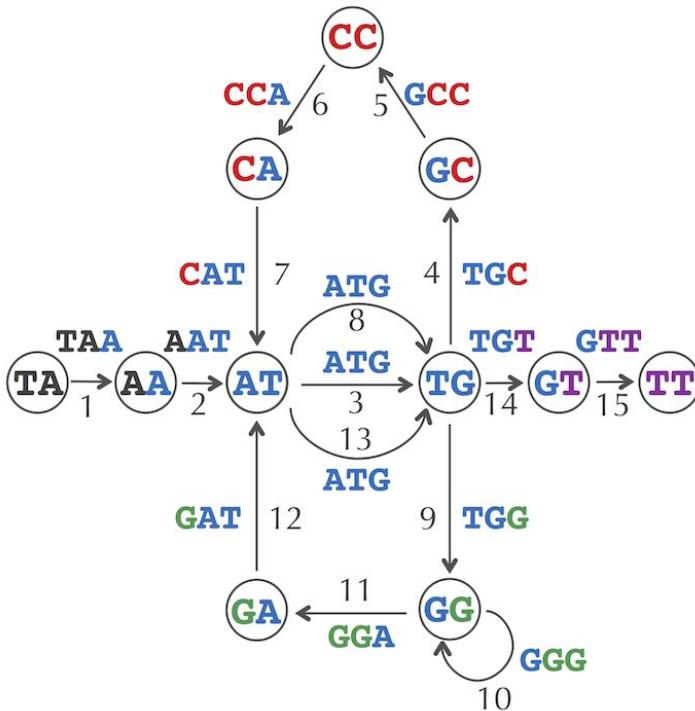


Transformamos el grafo

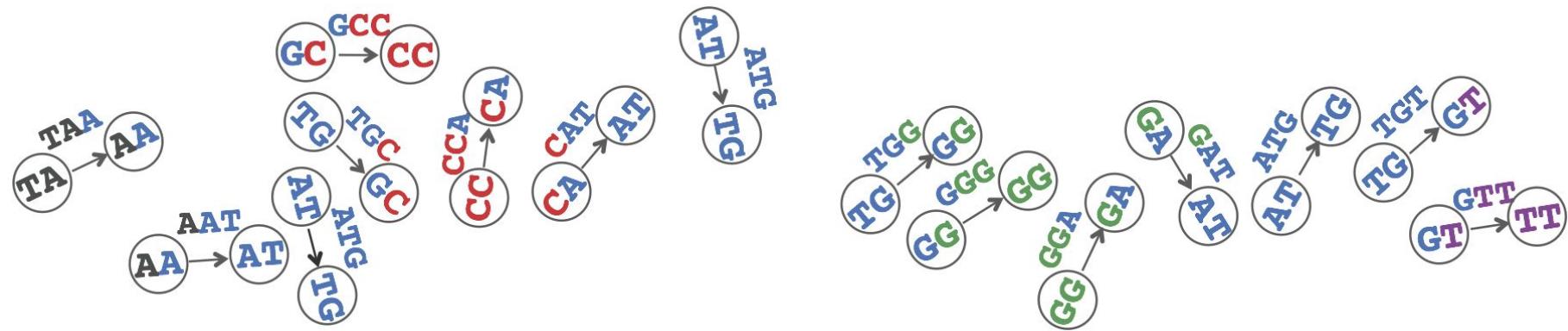


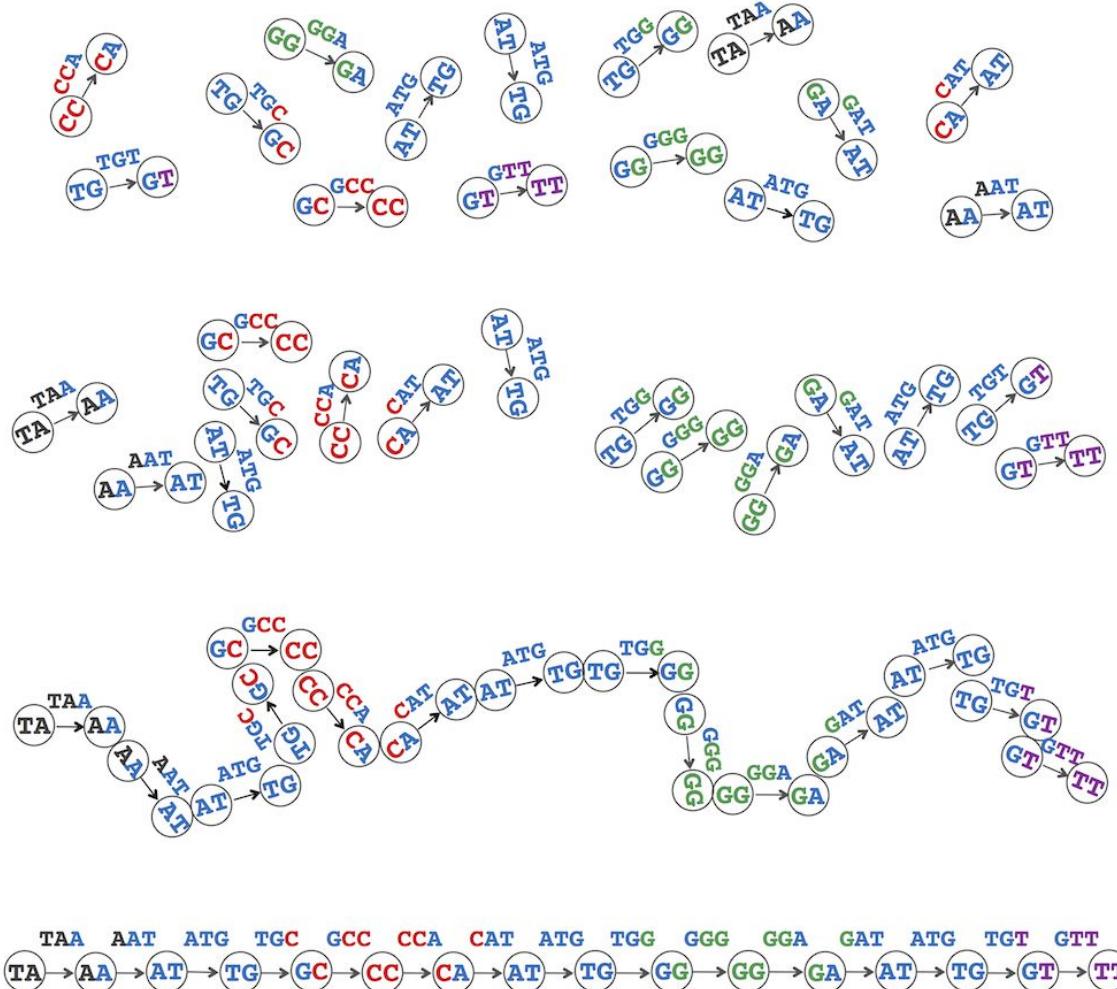
Caminos eulerianos

“Un camino o recorrido por un grafo que usa todas las aristas solo una vez”



Otra forma de construir Grafos de De Bruijn





Algoritmo para construir grafo de De Bruijn

DeBruijn(*Patterns*)

$dB \leftarrow$ graph in which every k -mer in *Patterns* is isolated edge between its prefix and suffix

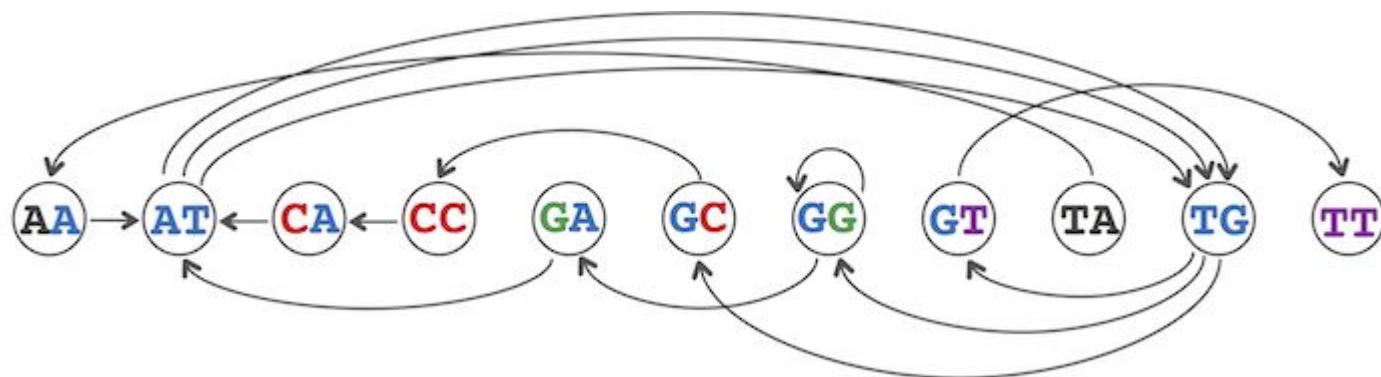
$dB \leftarrow$ graph resulting from gluing all nodes in dB with identical labels

return dB

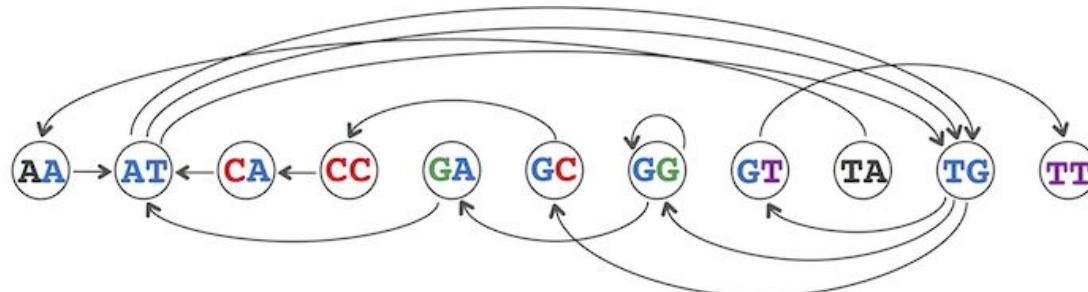
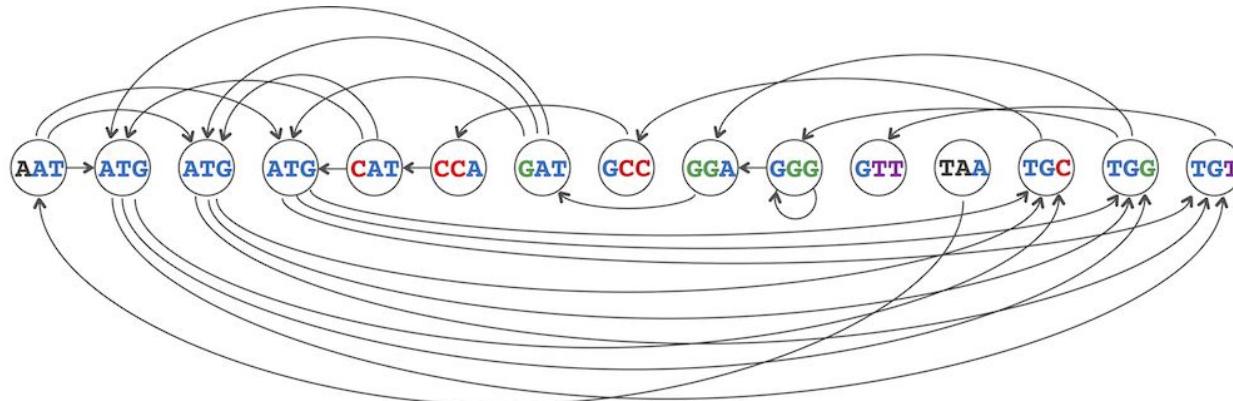
Otra forma de construir el grafo de De Bruijn

AAT ATG ATG ATG CAT CCA GAT GCC GGA GGG GTT TAA TGC
TGG TGT

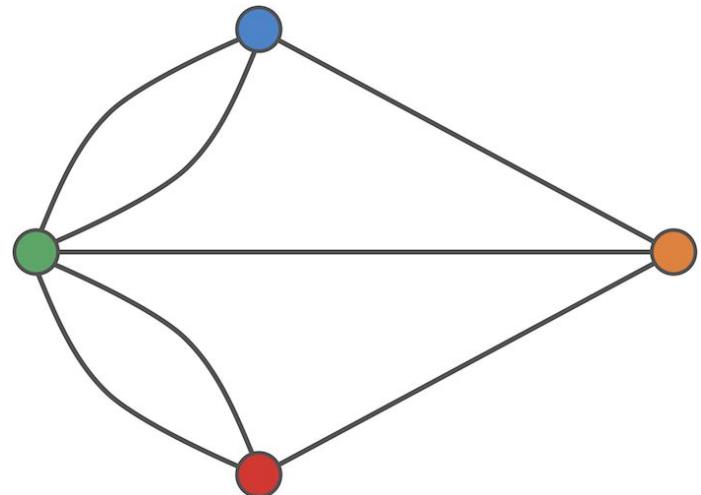
AA AT CA CC GA GC GG GT TA TG TT



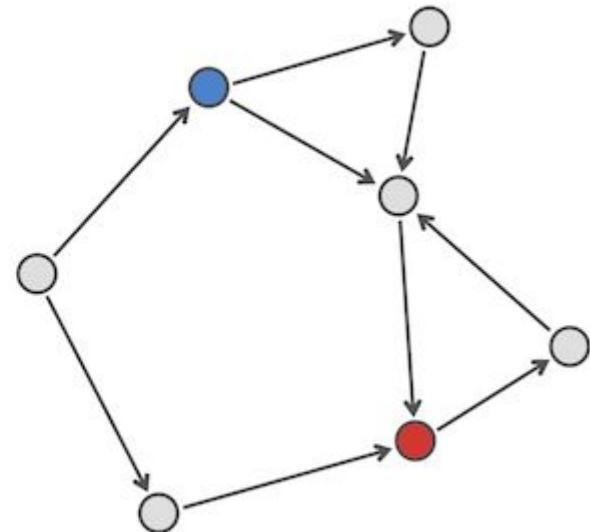
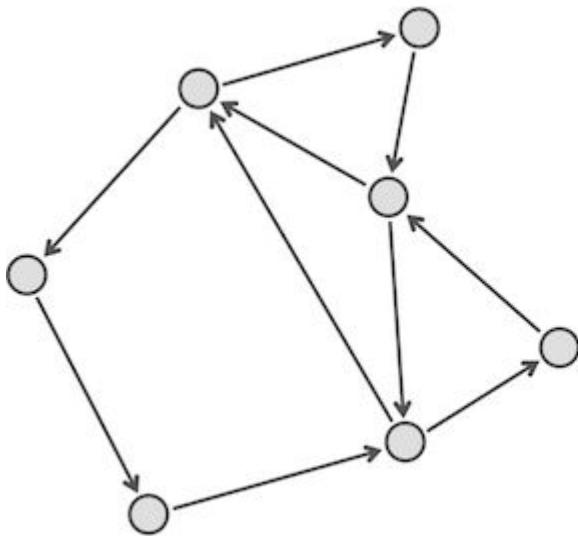
Camino Hamiltoniano vs Camino Euleriano



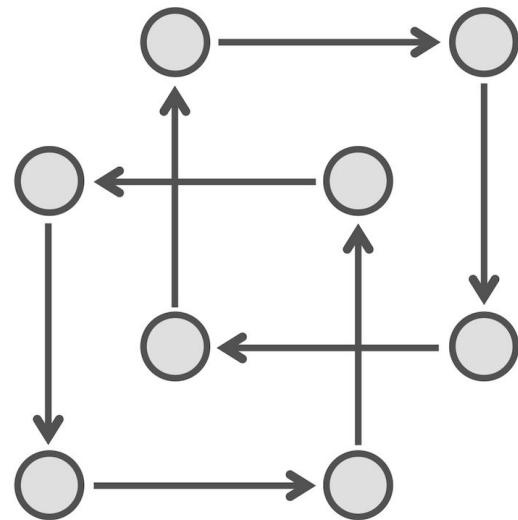
Ciclos eulerianos



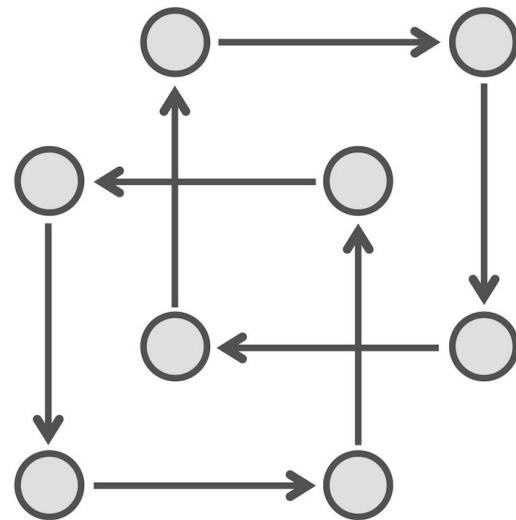
¿Por qué hay grafos que no tienen ciclos eulerianos?



Conexidad en grafos



Conexidad en grafos

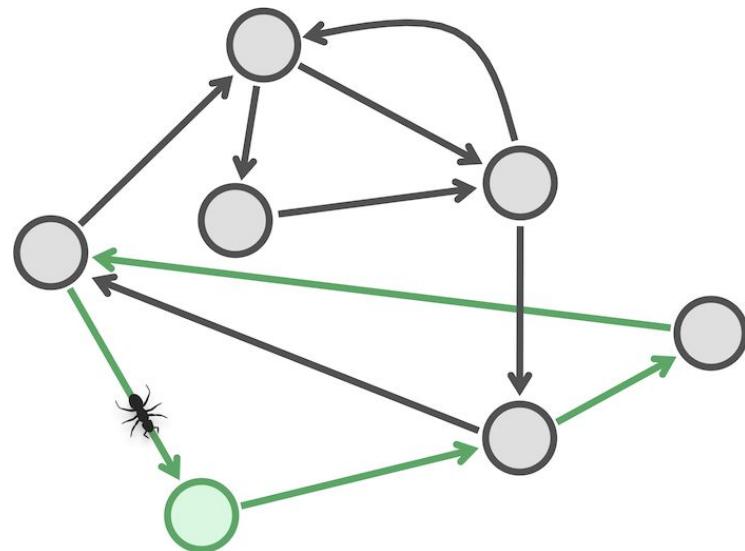
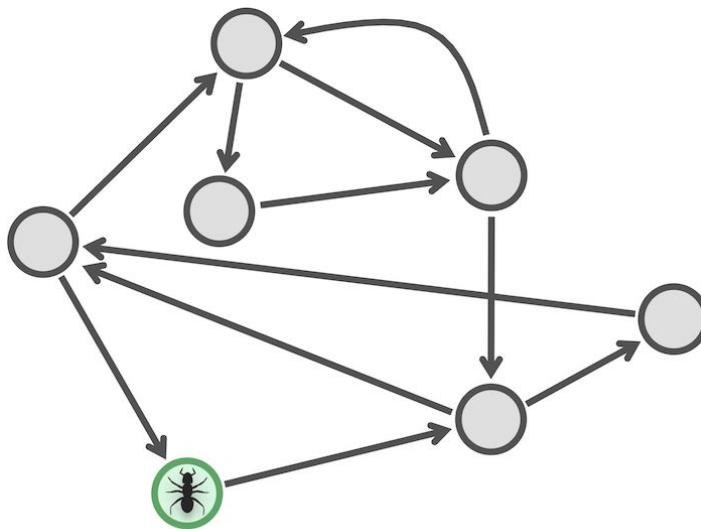


Un resultado

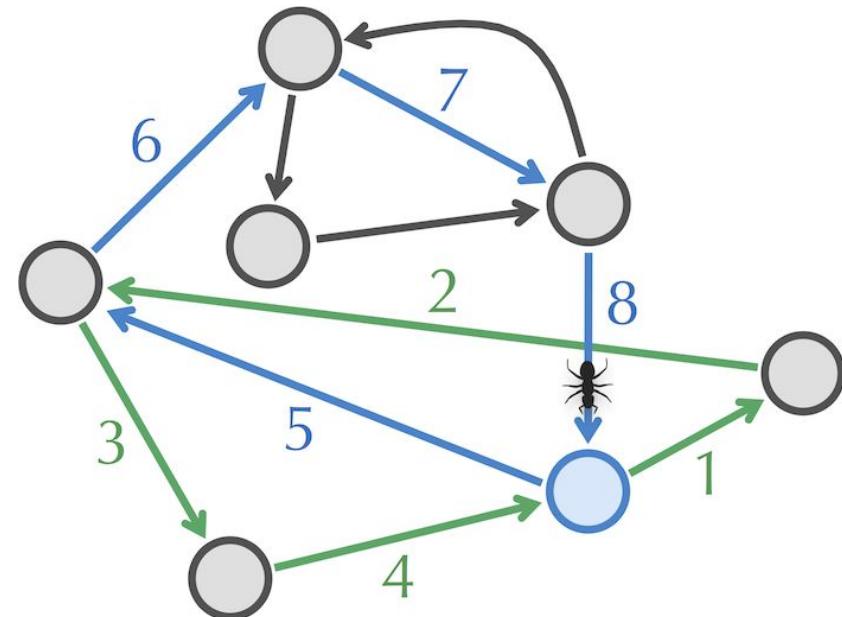
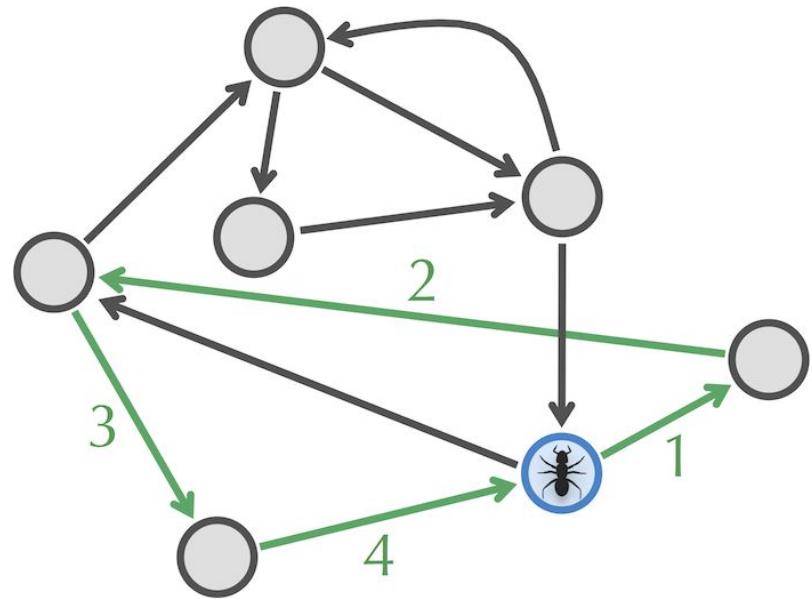
Teorema de Euler: Todo grafo dirigido balanceado fuertemente conexo es Euleriano, esto es, contiene un ciclo euleriano.

Veamos a continuación cómo construir o encontrar dicho ciclo.

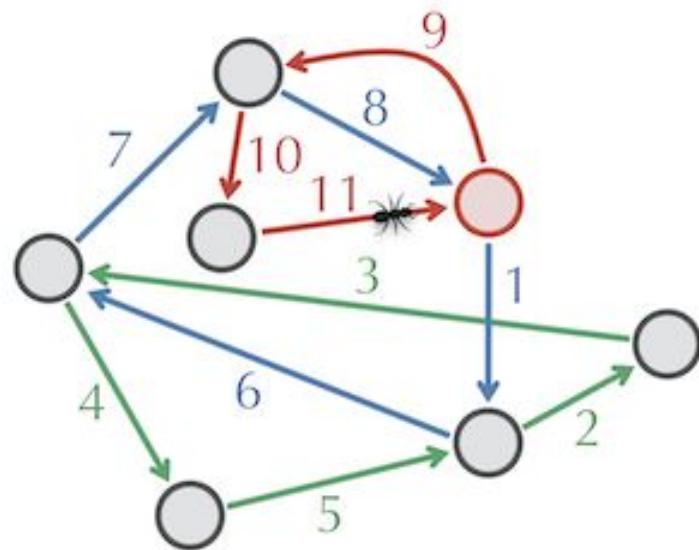
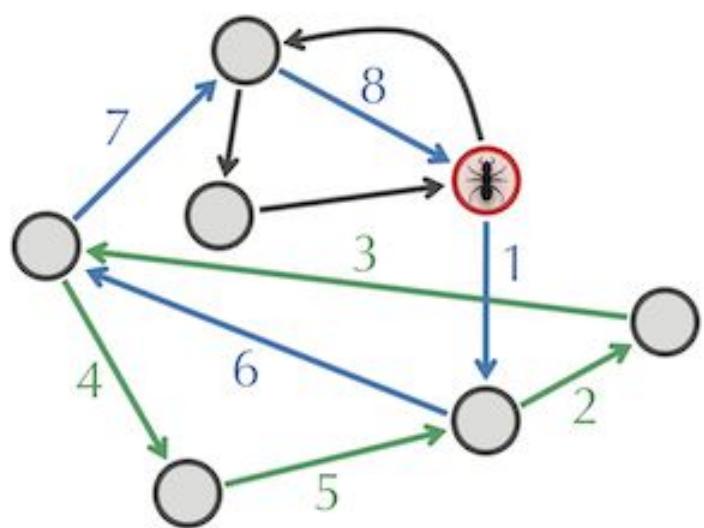
Un ejemplo



Un ejemplo



Un ejemplo



Algoritmo para construir ciclo euleriano

EulerianCycle(*Graph*)

form a cycle *Cycle* by randomly walking in *Graph* (don't visit the same edge twice!)

while there are unexplored edges in *Graph*

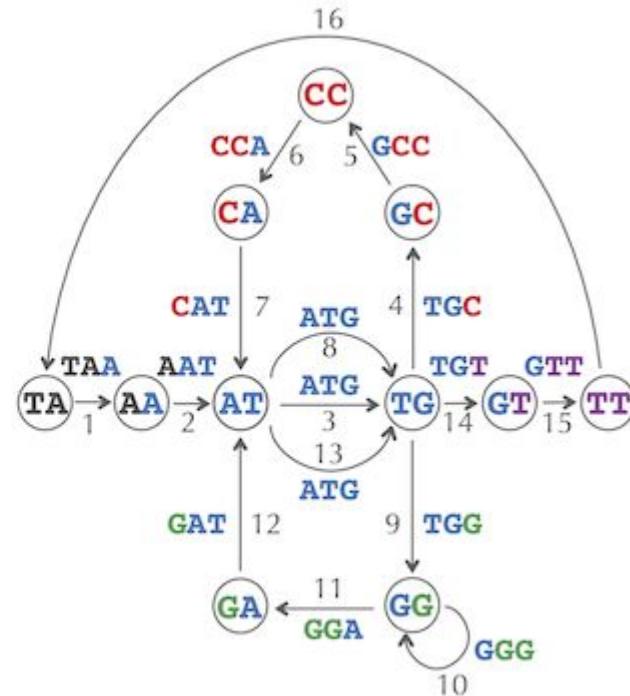
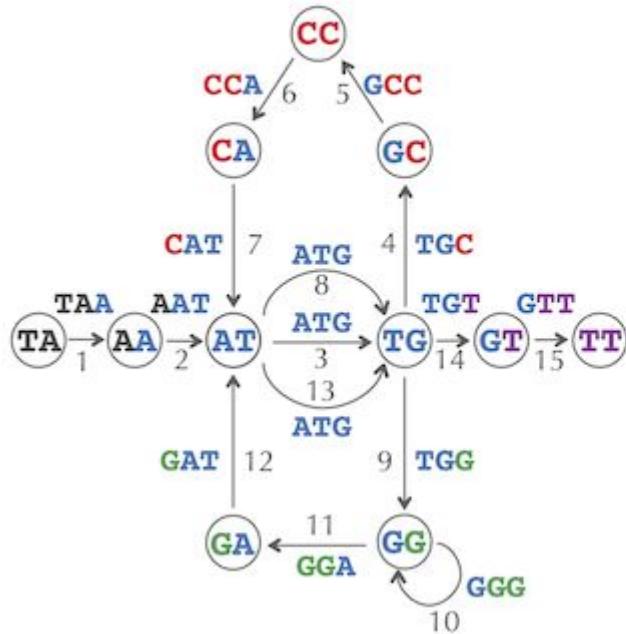
 select a node *newStart* in *Cycle* with still unexplored edges

 form *Cycle'* by traversing *Cycle* (starting at *newStart*) and then randomly walking

Cycle \leftarrow *Cycle'*

return *Cycle*

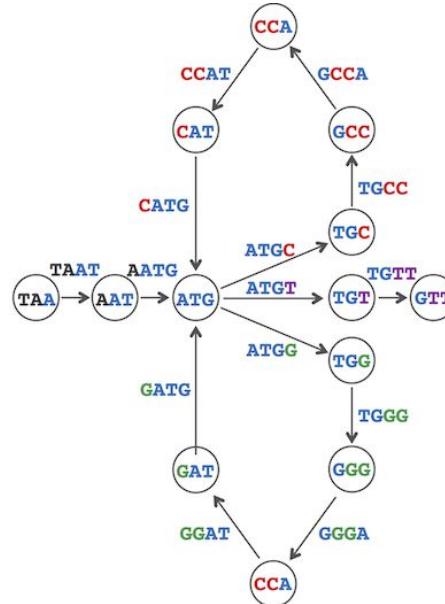
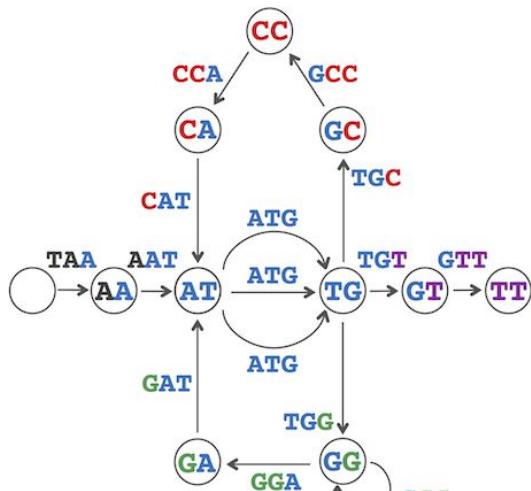
Nuestro caso: un grafo casi balanceado



Resumen:

```
StringReconstruction(Patterns)
    dB ← DeBruijn(Patterns)
    path ← EulerianPath(dB)
    Text ← PathToGenome(path)
    return Text
```

Algunas cosas a considerar



TAATG AATGC ATGCC GCCAT CCATG CATGG ATGGG TGGGA GGGAT GGATG GATGT ATGTT
TAAT --> AATG --> ATGC --> TGCC --> GCCA --> CCAT --> CATG --> ATGG --> TGGG --> TGGGA --> GGGAT --> GGATG --> GATGT --> ATGTT

Actividad

Selecciona una secuencia trabajada.

Obtén la **composición** de dicha secuencia.

Investiga cómo encontrar el camino euleriano en un grafo utilizando la librería **networkx**. Con esta funcionalidad, implementa una función que reconstruye una cadena a partir del camino euleriano.

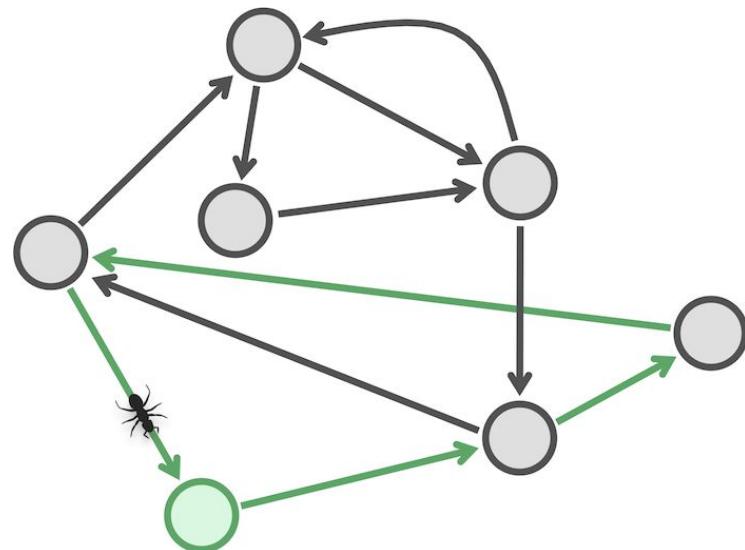
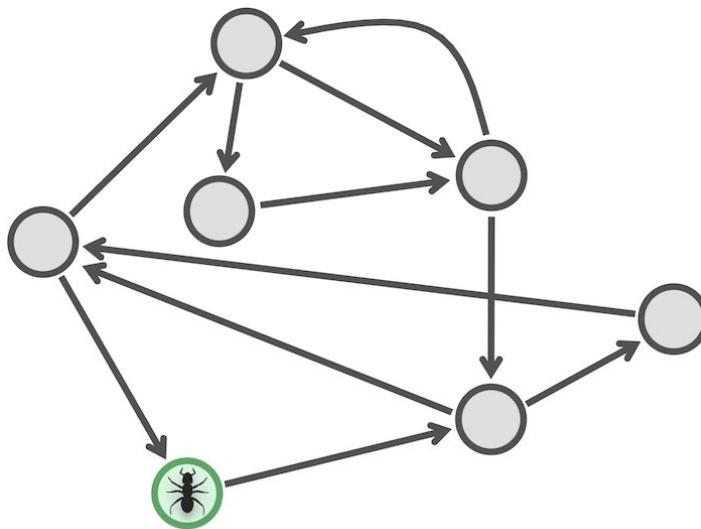
¿Obtuviste la cadena original?

Un resultado

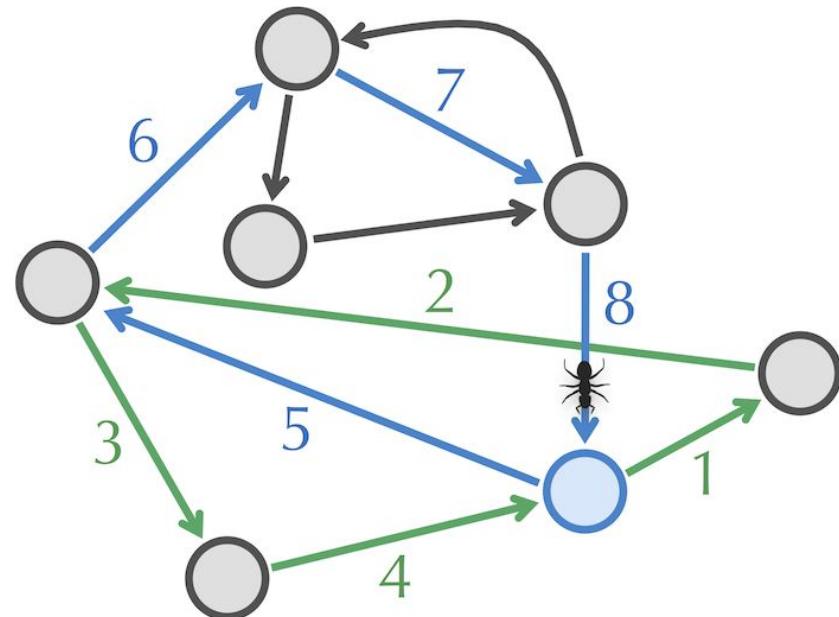
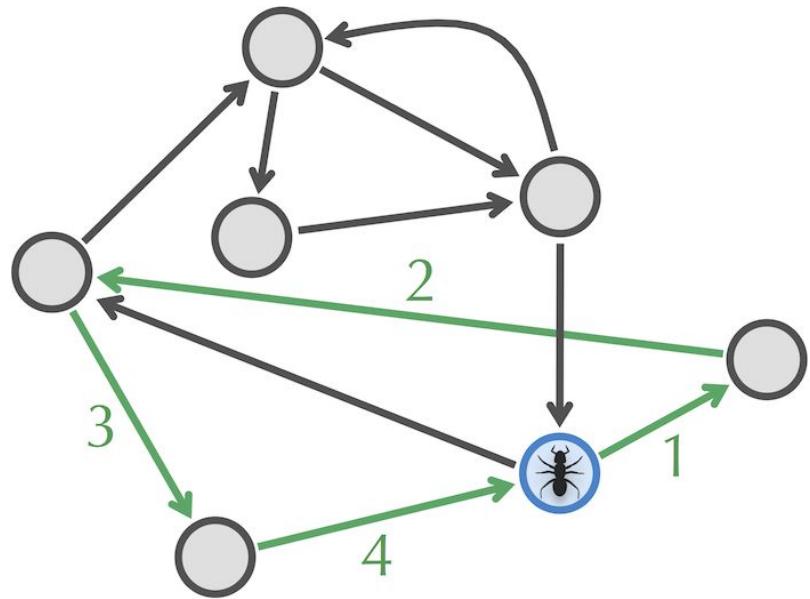
Teorema de Euler: Todo grafo dirigido balanceado fuertemente conexo es Euleriano, esto es, contiene un ciclo euleriano.

Veamos a continuación cómo construir o encontrar dicho ciclo.

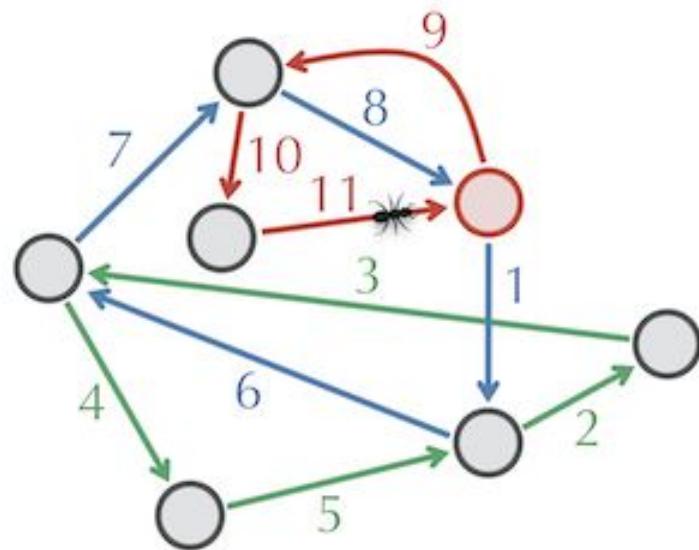
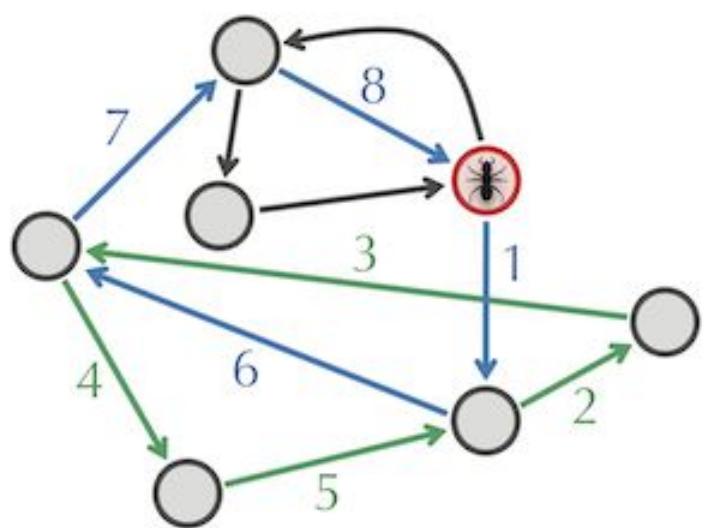
Un ejemplo



Un ejemplo



Un ejemplo



Algoritmo para construir ciclo euleriano

EulerianCycle(*Graph*)

form a cycle *Cycle* by randomly walking in *Graph* (don't visit the same edge twice!)

while there are unexplored edges in *Graph*

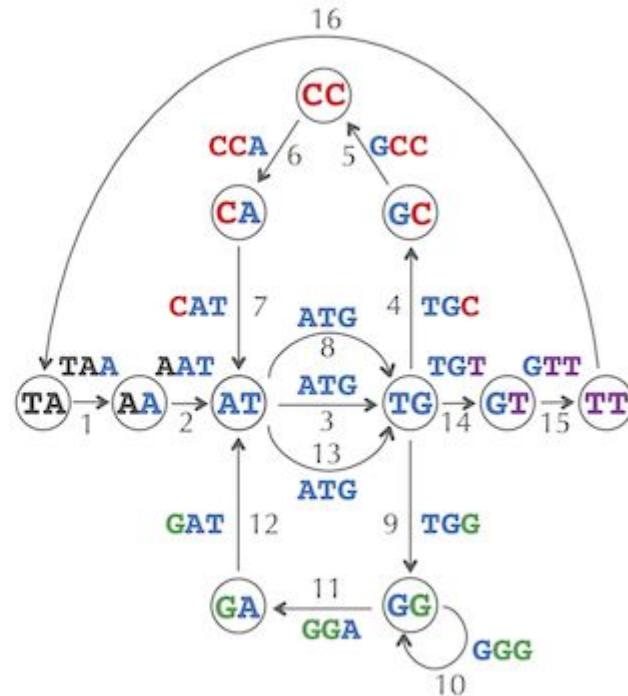
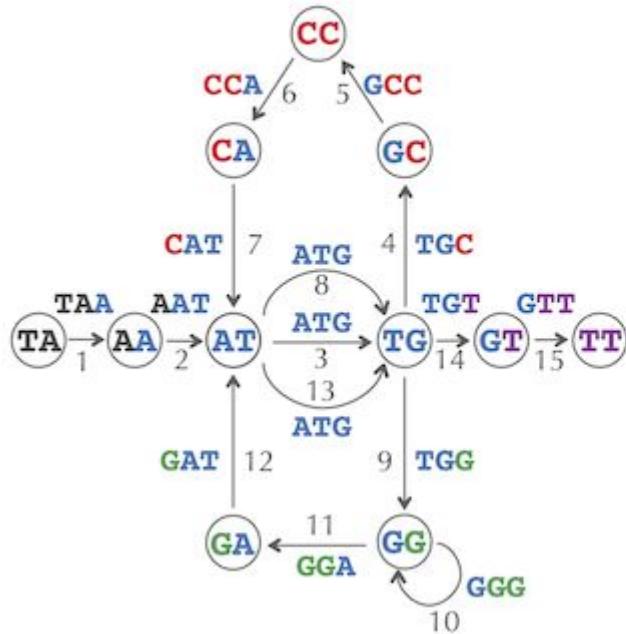
 select a node *newStart* in *Cycle* with still unexplored edges

 form *Cycle'* by traversing *Cycle* (starting at *newStart*) and then randomly walking

Cycle \leftarrow *Cycle'*

return *Cycle*

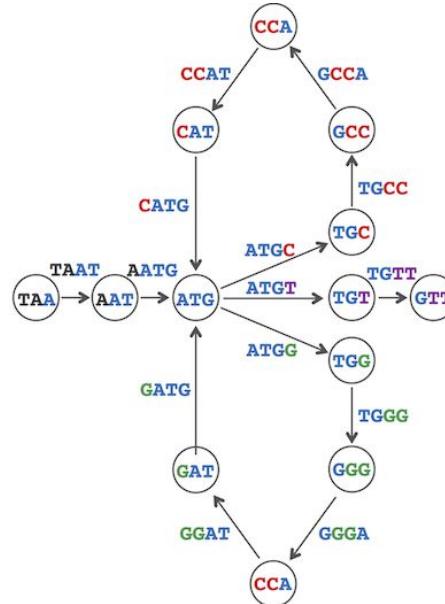
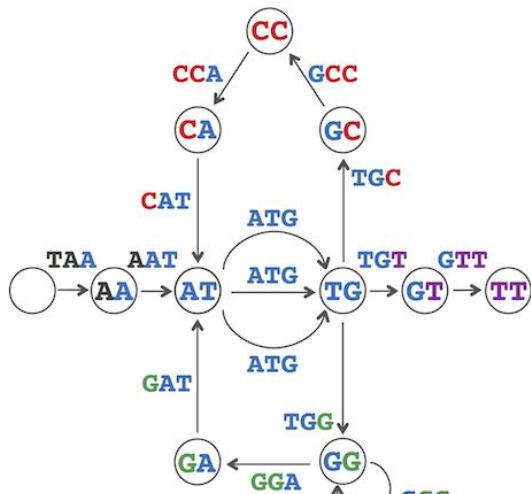
Nuestro caso: un grafo casi balanceado



Resumen:

```
StringReconstruction(Patterns)
    dB ← DeBruijn(Patterns)
    path ← EulerianPath(dB)
    Text ← PathToGenome(path)
    return Text
```

Algunas cosas a considerar



Actividad

Selecciona una secuencia trabajada.

Obtén la **composición** de dicha secuencia.

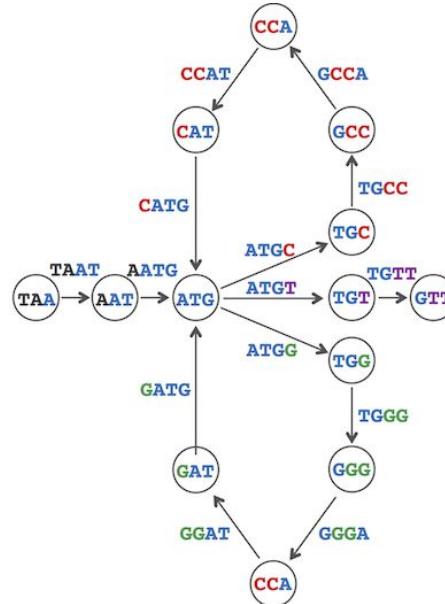
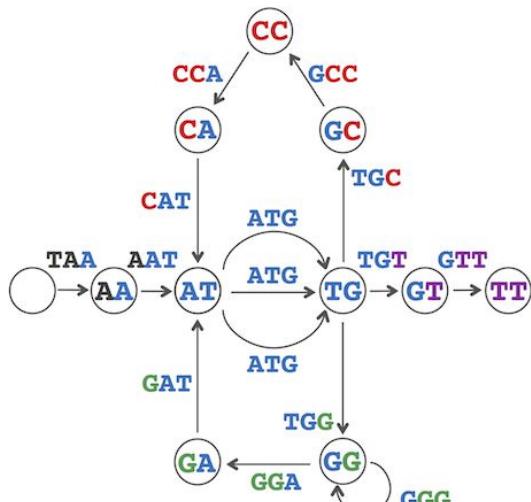
Investiga cómo encontrar el camino euleriano en un grafo utilizando la librería **networkx**. Con esta funcionalidad, implementa una función que reconstruye una cadena a partir del camino euleriano.

¿Obtuviste la cadena original?

Resumen:

```
StringReconstruction(Patterns)
    dB ← DeBruijn(Patterns)
    path ← EulerianPath(dB)
    Text ← PathToGenome(path)
    return Text
```

Algunas cosas a considerar



Actividad

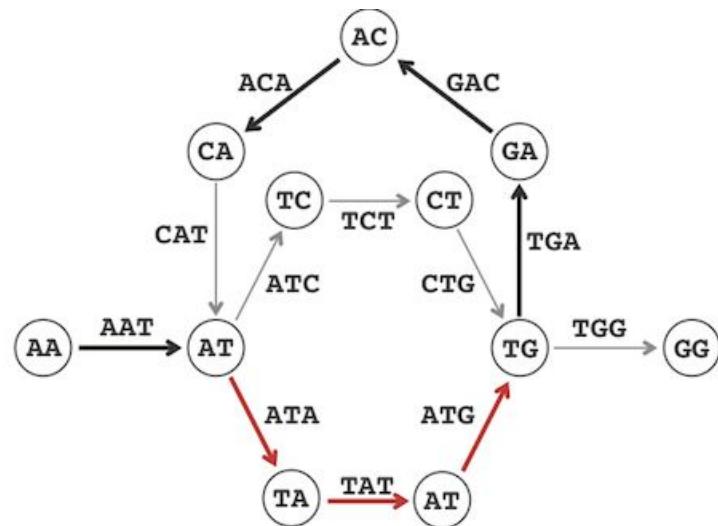
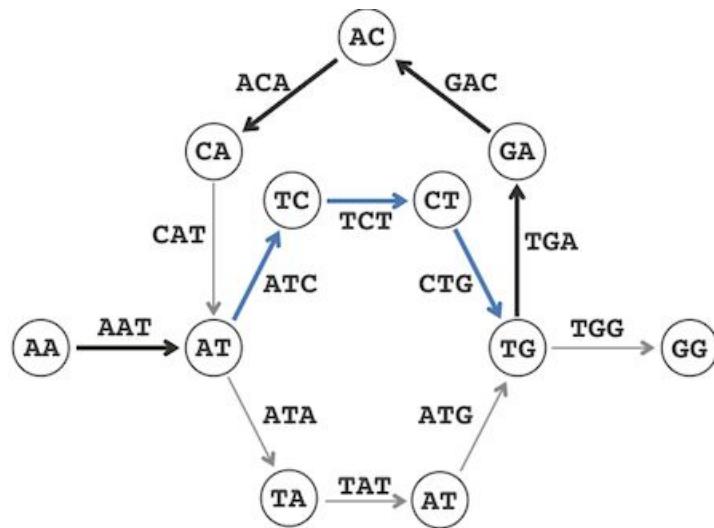
Selecciona una secuencia trabajada.

Obtén la **composición** de dicha secuencia.

Investiga cómo encontrar el camino euleriano en un grafo utilizando la librería **networkx**. Con esta funcionalidad, implementa una función que reconstruye una cadena a partir del camino euleriano.

¿Obtuviste la cadena original?

Relación entre un grafo de de Bruijn y una secuencia



Lecturas (reads) por pares

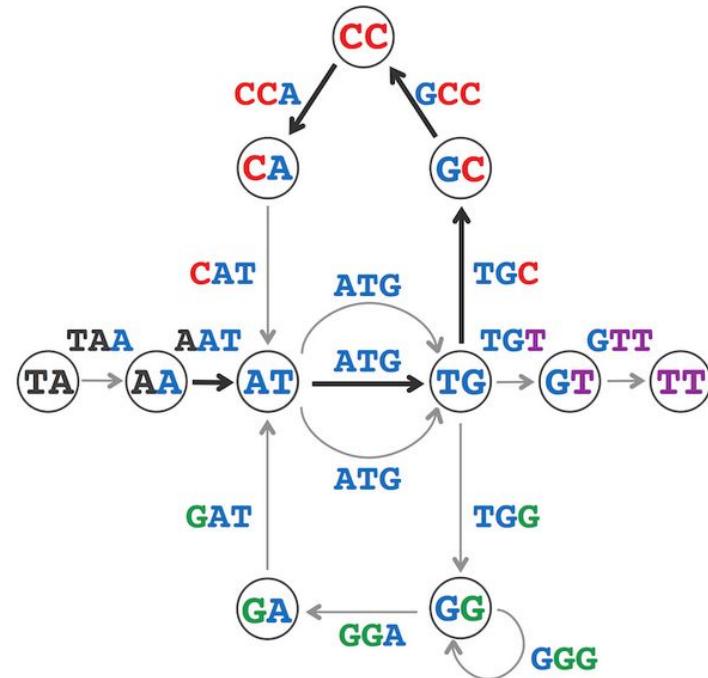
Un (k,d) -mero es un par de k -meros separados por una distancia d . Utilizamos la notación $(\text{Pattern}_1 | \text{Pattern}_2)$

Por ejemplo, **(AAT|TGG)** es un $(3,4)$ -mero de **TAATGCCATGGGATGTT**.

La colección de todos los (k,d) -meros en una cadena se denota por

$\text{PairedComposition}_{k,d}(\text{Text})$,

Algunas ventajas de utilizar reads por pares



Composición de (k,d)-meros

TAA GCC

AAT CCA

ATG CAT

TGC ATG

GCC TGG

CCA GGG

CAT GGA

ATG GAT

TGG ATG

GGG TGT

GGA GTT

TAATGCCATGGGATGTT

Partes de un (k,d)-mero

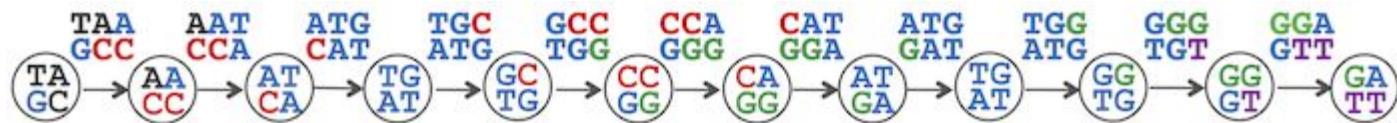
Dado un (k,d)-mero $(a_1 \dots a_k | b_1 \dots b_k)$ definimos el prefijo como el (k-1,d+1)-mero:

$$(a_1 \dots a_{k-1} | b_1 \dots b_{k-1})$$

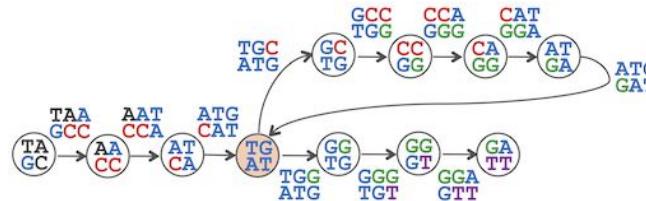
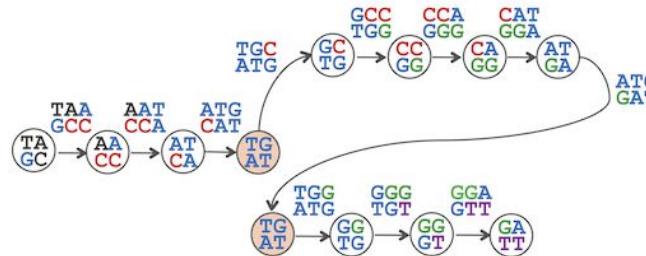
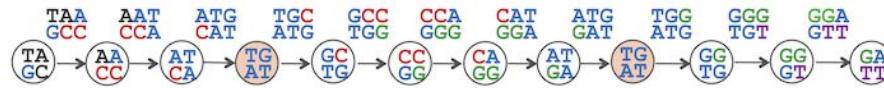
y el sufijo como el (k-1,d+1)-mero

$$(a_2 \dots a_k | b_2 \dots b_k)$$

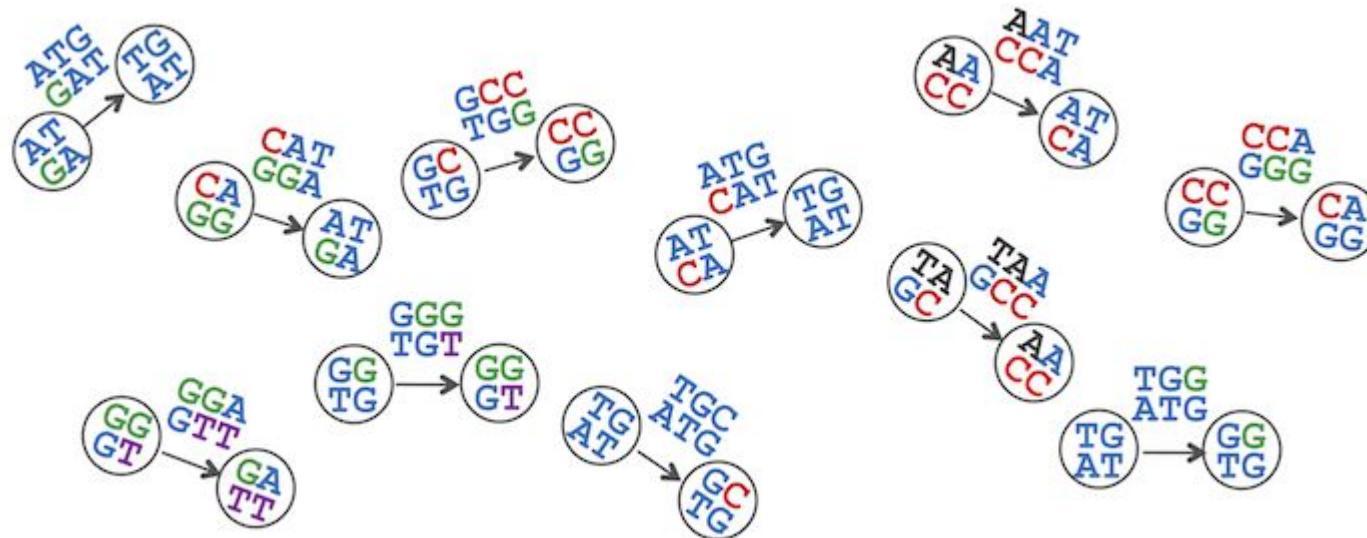
Grafo de de Bruijn con pares



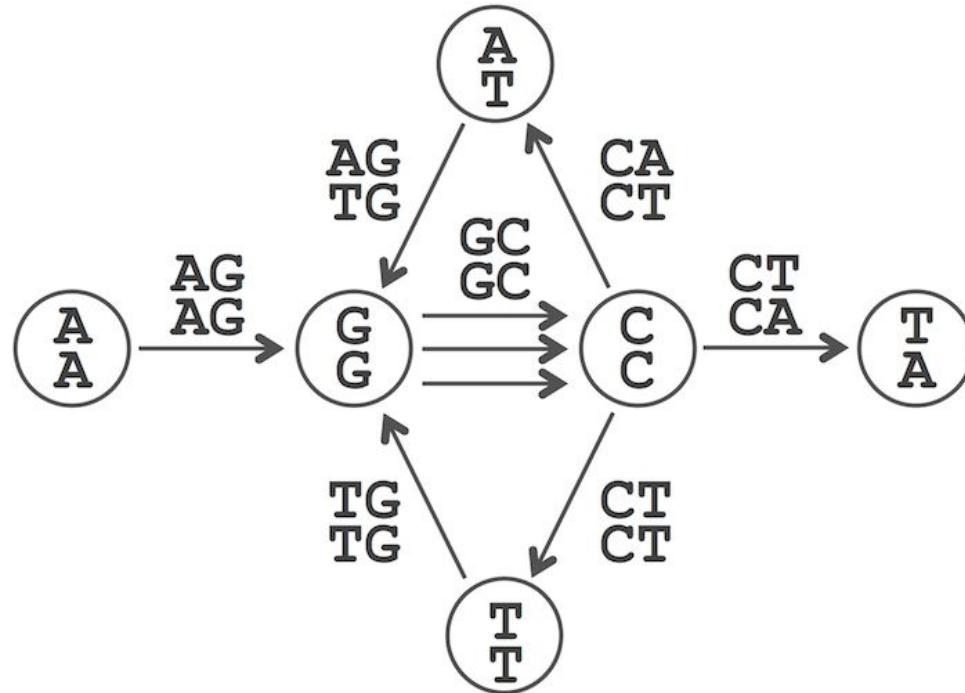
Construcción de grafo de de Bruijn con pares



Nuestros datos para el caso de lecturas en pares



Algunos problemas con las lecturas en par



Ensamblaje utilizando pares

AG-AG

GC-GC

CA-CT

AG-TG

GC-GC

CT-CT

TG-TG

GC-GC

CT-CA

AGCAGCTGCTGCA

Posibles errores...

AG-**A**G

GC-GC

CT-CT

TG-TG

GC-GC

CA-CT

AG-TG

GC-GC

CT-CA

AGC**?GC?**GCTGCA

Última actividad

1. Genera una función que, dada una cadena, construya la composición k,d .
2. Genera una función que dada la composición de (k,d) -meros, construya las aristas del grafo de De Bruijn.
3. Construye un grafo de De Bruijn y encuentra el ciclo euleriano.