



Laboratorio de Biogeografía Aplicada y Bioacústica

Iván González, Investigador Asistente I

Jorge Velásquez PHD, Investigador Adjunto

María Cecilia Londoño PhD, Investigador Titular

Versión 0.1. Agosto de 2014





Descripción

DINAVIS es una base de datos que pretende recoger información de las especies colombianas. La base de datos comprende varias tablas separadas para los temas: taxonomía, registros geográficos, mapas y rasgos ecológicos.

La información, procesada y depurada, es obtenida de fuentes en línea, artículos científicos y registros de organizaciones y organizaciones. Es por esta razón que la base de datos es de uso interno a la fecha, 2014-07-25. En caso de requerirse compartir la información es necesario consultar a Iván González, Investigador Asistente I — Laboratorio de Biogeografía Aplicada y Bioacústica (igonzalez@humboldt.org.co).

Estructura

La base de datos se desarrolla en el programa R y se almacena en un solo archivo llamado *DINAVIS.RData*. El objeto contiene cuatro (4) tablas y una (1) función.

Las tablas son:

- TAX: Contiene detalles taxonómicos de cada taxón. Se presenta una sola fila por cada taxón
- GEO: Contiene los registros geográficos de las especies y detalles de la localización de registros. Existen varios registros por especie.
- MAP: Contiene el listado de los mapas experto disponibles así como el de los modelos de distribución generados por el LBAB.
- MED: contiene los rasgos y mediciones ecológicas de las especies

La función contenida en el objeto *DINAVIS.RData* se llama *buscarSP*. La función tiene dos (2) argumentos: *sp* y *outdir*.

- sp: Un listado de nombres científicos a ser buscados.
- outdir: (opcional) Una localización en el computador donde quiera guardar los resultados.

La función retorna las posiciones para cada tabla en las que las especies 'sp' se encuentran. El resultado es una lista que contiene cuatro (4) elementos:

- IDs: Los ID's internos de las especies
- indexTAX: las posiciones (o el número de columnas en las que se encuentran) de las especies buscadas en la tabla de taxonomía.

Sede Principal: Calle28A#15-09 Bogotá, D.C., Colombia | PBX: (57)(1) 3202767 | NIT 820000142-2



- indexGEO: las posiciones de las especies buscadas en la tabla de registros geográficos.
- indexMAP: las posiciones de las especies buscadas en la tabla mapas disponibles.
- indexMED: las posiciones de las especies buscadas en la tabla de medidas ecológicas.

Uso

La manera de consultar las tablas es la siguiente:

- Para consultar la tabla de taxonomía: TAX[\$indexTAX,]
- Para consultar la tabla de registros geográficos: GEO[\$indexGEO,]
- Para consultar la tabla de mapas disponibles: MAP[\$indexMAP,]
- Para consultar la tabla demedidas ecológicas: MED[\$indexMED,]

En el caso que el parámetro *outdir* sea especificado, las tablas son guardadas en el directorio indicado.

Tutorial

A continuación la manera de usar la base de datos. Para realizarlo se deben tener conocimientos básicos de R.

##

Cargamos la base de datos

Load(DINAVIS.R)

Creamos el listado de especies

Listado <- c("Ateles hybridus", "Ara macao", "Canis familiaris")</p>

Indicamos la dirección de salida para guardar tablas

dirSalida <- "C:/Datos"</p>

Hacemos la búsqueda

busqueda <- buscarSP(Listado, dirSalida)</p>

Sede Principal: Calle28A#15-09 Bogotá, D.C., Colombia | PBX: (57)(1) 3202767 | NIT 820000142-2



En este momento los resultados quedan guardados en el directorio indicado.

Para consultar y manipular las tablas en R

- tablaTaxonomia <- TAX[busqueda\$indexTAX,]</p>
- > tablaRegistros<- GEO[busqueda\$indexGEO,]
- tablaMapas <- MAP[busqueda\$indexMAP,]</p>
- tablaMedidas <- MED[busqueda\$indexMED,]</p>

Contacto

En caso de identificar errores, tener sugerencias, dudas o comentarios, escribir a Iván González <u>igonzalez@humboldt.org.co</u>

