

Density of G4FS/kb in the genomic feature

Genomic feature	G4H1	G4H1.2	G4H1.5	G4H1.75	G4H2	QP37	QP312	QP27
Prom	5,38	3,62	1,88	1,12	0,62	0,69	1,23	6,78
CDS	4,87	2,73	1,00	0,43	0,17	0,21	0,56	6,53
UTR5p	7,12	4,68	2,21	1,17	0,59	0,72	1,45	9,15
UTR3p	3,49	2,13	0,96	0,50	0,24	0,26	0,52	3,94
Intron_unique	2,93	1,64	0,68	0,35	0,17	0,18	0,35	3,61
Intron_1	2,75	1,51	0,62	0,32	0,15	0,16	0,32	3,47
Intron_last	2,61	1,40	0,56	0,27	0,13	0,14	0,28	3,28
Intron_other	2,47	1,31	0,52	0,25	0,12	0,13	0,25	3,10
Exon_unique	4,18	2,45	1,02	0,49	0,23	0,29	0,62	5,60
Exon_1	7,30	4,83	2,28	1,20	0,59	0,74	1,52	9,84
Exon_last	3,56	2,14	0,93	0,47	0,22	0,25	0,51	4,27
Exon_other	4,62	2,51	0,87	0,37	0,14	0,17	0,46	5,98
Intron_unique_j_ei	9,86	6,98	3,71	2,21	1,15	1,51	2,67	12,16
Intron_1_j_ei	10,02	7,12	3,82	2,21	1,14	1,51	2,90	12,32
Intron_last_j_ei	6,10	3,96	1,91	1,03	0,50	0,64	1,26	7,02
Intron_other_j_ei	5,73	3,67	1,75	0,94	0,46	0,60	1,18	6,58
Intron_unique_j_ie	6,39	4,06	1,72	0,91	0,48	0,49	1,05	7,25
Intron_1_j_ie	5,75	3,61	1,59	0,81	0,38	0,44	0,96	6,31
Intron_last_j_ie	5,73	3,62	1,64	0,82	0,39	0,43	0,96	6,15
Intron_other_j_ie	5,36	3,33	1,49	0,75	0,33	0,41	0,91	5,80
intergennoP	2,23	1,14	0,43	0,20	0,10	0,10	0,20	2,68
intergen	2,26	1,17	0,44	0,22	0,10	0,11	0,21	2,73
Global Density	2,43	1,28	0,50	0,25	0,12	0,13	0,25	3,00

Enrichment vs global background

Genomic feature	G4H1	G4H1.2	G4H1.5	G4H1.75	G4H2	QP37	QP312	QP27
Prom	2,22	2,82	3,75	4,53	5,23	5,48	4,96	2,26
CDS	2,01	2,13	1,99	1,73	1,43	1,68	2,29	2,18
UTR5p	2,93	3,64	4,40	4,73	4,97	5,70	5,87	3,06
UTR3p	1,44	1,66	1,90	2,02	2,03	2,04	2,09	1,31
Intron_unique	1,21	1,28	1,36	1,41	1,43	1,41	1,42	1,21
Intron_1	1,13	1,18	1,24	1,28	1,30	1,29	1,29	1,16
Intron_last	1,08	1,09	1,11	1,11	1,07	1,10	1,12	1,10
Intron_other	1,02	1,02	1,03	1,02	1,01	1,02	1,02	1,04
Exon_unique	1,72	1,91	2,04	1,99	1,92	2,30	2,52	1,87
Exon_1	3,01	3,76	4,55	4,85	4,95	5,81	6,15	3,28
Exon_last	1,47	1,66	1,85	1,90	1,87	1,96	2,08	1,42
Exon_other	1,90	1,96	1,74	1,48	1,18	1,31	1,87	2,00
Intron_unique_j_ei	4,07	5,44	7,40	8,96	9,65	11,96	10,81	4,06
Intron_1_j_ei	4,13	5,54	7,61	8,93	9,57	11,90	11,72	4,11
Intron_last_j_ei	2,51	3,08	3,80	4,19	4,18	5,03	5,08	2,34
Intron_other_j_ei	2,36	2,86	3,49	3,81	3,83	4,77	4,79	2,20
Intron_unique_j_ie	2,63	3,16	3,42	3,69	4,02	3,90	4,27	2,42
Intron_1_j_ie	2,37	2,81	3,16	3,27	3,17	3,45	3,89	2,10
Intron_last_j_ie	2,36	2,82	3,26	3,32	3,29	3,36	3,89	2,05
Intron_other_j_ie	2,21	2,59	2,96	3,05	2,80	3,24	3,69	1,94
intergennoP	0,92	0,89	0,85	0,83	0,83	0,81	0,81	0,89
intergen	0,93	0,91	0,88	0,87	0,88	0,86	0,86	0,91

Mean for 1000 resampling

Genomic feature	G4H1	G4H1.2	G4H1.5	G4H1.75	G4H2	QP37	QP312	QP27
Prom	2,71	1,46	0,59	0,29	0,14	0,15	0,30	3,39
CDS	3,14	1,69	0,68	0,34	0,16	0,17	0,35	3,74
UTR5p	3,13	1,69	0,67	0,33	0,16	0,17	0,35	3,73
UTR3p	2,66	1,43	0,57	0,28	0,14	0,15	0,29	3,31
Intron_unique	2,48	1,32	0,52	0,26	0,12	0,13	0,26	3,08
Intron_1	2,48	1,32	0,52	0,26	0,12	0,13	0,26	3,08
Intron_last	2,49	1,33	0,52	0,26	0,12	0,13	0,26	3,09
Intron_other	2,47	1,31	0,51	0,25	0,12	0,13	0,25	3,06
Exon_unique	2,62	1,41	0,56	0,28	0,13	0,14	0,28	3,23
Exon_1	2,89	1,55	0,62	0,31	0,15	0,16	0,32	3,52
Exon_last	2,67	1,44	0,58	0,29	0,14	0,15	0,29	3,33
Exon_other	3,20	1,72	0,69	0,34	0,16	0,17	0,35	3,78
Intron_unique_j_ei	3,54	1,91	0,76	0,38	0,18	0,19	0,39	4,08
Intron_1_j_ei	3,52	1,89	0,75	0,37	0,18	0,19	0,39	4,06
Intron_last_j_ei	3,54	1,90	0,76	0,38	0,18	0,19	0,39	4,07
Intron_other_j_ei	3,50	1,88	0,74	0,37	0,18	0,18	0,38	4,02
Intron_unique_j_ie	3,54	1,90	0,76	0,38	0,18	0,19	0,39	4,08
Intron_1_j_ie	3,53	1,90	0,76	0,38	0,18	0,19	0,39	4,07
Intron_last_j_ie	3,54	1,90	0,76	0,38	0,18	0,19	0,39	4,08
Intron_other_j_ie	3,50	1,88	0,74	0,37	0,18	0,18	0,38	4,02
intergennoP	2,39	1,26	0,49	0,24	0,12	0,12	0,24	2,93
intergen	2,39	1,26	0,49	0,24	0,12	0,12	0,24	2,94

	G4H1	G4H1.2	G4H1.5	G4H1.75	G4H2	QP37	QP312	QP27
Prom	0,01	0,01	0,004	0,003	0,002	0,002	0,003	0,01
CDS	0,01	0,01	0,005	0,003	0,002	0,002	0,003	0,01
UTR5p	0,02	0,01	0,01	0,01	0,004	0,004	0,01	0,02
UTR3p	0,01	0,01	0,004	0,003	0,002	0,002	0,003	0,01
Intron_unique	0,01	0,01	0,004	0,003	0,002	0,002	0,002	0,01
Intron_1	0,002	0,002	0,001	0,001	0,001	0,001	0,001	0,003
Intron_last	0,004	0,003	0,002	0,001	0,001	0,001	0,001	0,004
Intron_other	0,001	0,001	0,001	0,0005	0,0003	0,0004	0,0005	0,002
Exon_unique	0,03	0,02	0,01	0,01	0,01	0,01	0,01	0,03
Exon_1	0,02	0,01	0,01	0,01	0,004	0,004	0,01	0,02
Exon_last	0,01	0,01	0,004	0,003	0,002	0,002	0,003	0,01
Exon_other	0,01	0,01	0,01	0,004	0,002	0,003	0,004	0,01
Intron_unique_j_ei	0,10	0,08	0,05	0,03	0,02	0,02	0,03	0,11
Intron_1_j_ei	0,03	0,02	0,02	0,01	0,01	0,01	0,01	0,03
Intron_last_j_ei	0,03	0,02	0,02	0,01	0,01	0,01	0,01	0,04
Intron_other_j_ei	0,01	0,01	0,01	0,01	0,003	0,004	0,01	0,02
Intron_unique_j_ie	0,10	0,08	0,05	0,03	0,02	0,02	0,04	0,11
Intron_1_j_ie	0,03	0,03	0,02	0,01	0,01	0,01	0,01	0,04
Intron_last_j_ie	0,03	0,03	0,02	0,01	0,01	0,01	0,01	0,04
Intron_other_j_ie	0,01	0,01	0,01	0,005	0,004	0,003	0,01	0,02
intergennoP	0,0008	0,0006	0,0004	0,0003	0,0002	0,0002	0,0003	0,0009
intergen	0,0008	0,0006	0,0004	0,0003	0,0002	0,0002	0,0003	0,0009

Genomic feature	G4H1	G4H1.2	G4H1.5	G4H1.75	G4H2	QP37	QP312	QP27
Prom	1,99	2,47	3,21	3,82	4,41	4,57	4,10	2,00
CDS	1,55	1,61	1,47	1,27	1,05	1,24	1,63	1,74
UTR5p	2,27	2,77	3,28	3,50	3,68	4,25	4,20	2,45
UTR3p	1,31	1,48	1,67	1,76	1,77	1,77	1,79	1,19
Intron_unique	1,18	1,24	1,31	1,35	1,37	1,34	1,35	1,17
Intron_1	1,11	1,14	1,20	1,24	1,25	1,25	1,23	1,13
Intron_last	1,05	1,06	1,07	1,06	1,03	1,05	1,07	1,06
Intron_other	1,00	1,00	1,00	1,00	0,99	1,00	1,00	1,02
Exon_unique	1,59	1,75	1,83	1,79	1,72	2,05	2,22	1,73
Exon_1	2,53	3,11	3,67	3,88	3,96	4,66	4,80	2,80
Exon_last	1,34	1,49	1,61	1,64	1,61	1,67	1,77	1,28
Exon_other	1,44	1,46	1,27	1,07	0,86	0,97	1,32	1,58
Intron_unique_j_ei	2,79	3,66	4,86	5,86	6,33	7,98	6,79	2,98
Intron_1_j_ei	2,85	3,76	5,06	5,90	6,34	8,04	7,41	3,03
Intron_last_j_ei	1,72	2,08	2,51	2,75	2,75	3,38	3,20	1,72
Intron_other_j_ei	1,64	1,95	2,35	2,56	2,58	3,29	3,08	1,64
Intron_unique_j_ie	1,81	2,13	2,25	2,42	2,65	2,61	2,68	1,78
Intron_1_j_ie	1,63	1,90	2,10	2,15	2,09	2,32	2,45	1,55
Intron_last_j_ie	1,62	1,90	2,16	2,18	2,17	2,26	2,44	1,51
Intron_other_j_ie	1,53	1,77	2,00	2,05	1,89	2,23	2,38	1,44
intergennoP	0,93	0,91	0,87	0,85	0,85	0,83	0,83	0,91
intergen	0,95	0,93	0,90	0,89	0,90	0,89	0,88	0,93

[illegible]