ONC	G4H1	G4H1.2	G4H1.52	G4H1.76	G4H2 (QP37 Q	P312	QP27	btONCgr	G4H1	G4H1.2	G4H1.52	G4H1.76	G4H2	QP37	QP312	QP27
Prom	99,0%	91,5%	82,0%	69,5%	55,0%	52,5%	73,0%	97,5%	Prom	1,45E-03	1,03E-02	9,31E-06	2,24E-06	5,47E-07	1,58E-04	4,68E-08	5,04E-02
Trans	99,2%	98,4%	95,7%	90,3%	84,4%	84,8%	93,8%	99,6%	Trans	7,64E-03	5,95E-03	1,48E-03	7,17E-04	1,71E-07	1,86E-06	6,67E-07	2,30E-03
Exon1	66,5%	48,8%	26,6%	15,8%	8,9%	9,9%	19,2%	76,4%	Exon1	9,91E-02	4,13E-01	6,16E-01	5,24E-01	3,57E-01	5,33E-01	5,36E-01	2,05E-03
Intron1	91,3%	90,0%	79,5%	70,7%	58,5%	60,3%	74,7%	94,3%	Intron1	7,70E-01	9,54E-02	1,48E-02	1,11E-04	1,45E-06	4,30E-06	8,86E-06	1,37E-01
UTR5p	42,9%	29,7%	16,3%	8,2%	4,7%	5,5%	12,2%	49,3%	UTR5p	3,40E-02	1,52E-01	1,73E-01	5,38E-01	3,75E-01	3,90E-01	9,87E-02	1,37E-02
UTR3p	61,4%	49,2%	34,4%	20,6%	12,7%	13,8%	21,2%	61,4%	UTR3p	8,62E-02	4,50E-02	7,46E-03	7,82E-02	7,28E-02	6,95E-02	5,57E-02	6,04E-02
Genome	G4H1	G4H1.2	G4H1.52	G4H1.76	G4H2 (QP37 Q	P312	QP27	btONCle	G4H1	G4H1.2	G4H1.52	G4H1.76	G4H2	QP37	QP312	QP27
Prom	94,7%	85,8%	68,3%	53,3%	37,7%	39,7%	54,4%	94,8%	Prom	1,00E+00	9,95E-01	1,00E+00	1,00E+00	1,00E+00	1,00E+00	1,00E+00	9,79E-01
Trans	96,6%	95,3%	90,6%	83,1%	70,6%	72,4%	83,5%	96,8%	Trans	9,98E-01	9,98E-01	9,99E-01	1,00E+00	1,00E+00	1,00E+00	1,00E+00	1,00E+00
Exon1	61,9%	47,8%	27,3%	15,7%	8,0%	9,8%	19,3%	66,9%	Exon1	9,24E-01	6,41E-01	4,46E-01	5,53E-01	7,32E-01	5,60E-01	5,35E-01	9,99E-01
Intron1	92,3%	86,9%	73,0%	58,7%	42,9%	45,4%	61,0%	92,2%	Intron1	3,09E-01	9,36E-01	9,90E-01	1,00E+00	1,00E+00	1,00E+00	1,00E+00	9,14E-01
UTR5p	37,9%	27,1%	14,4%	8,2%	4,2%	5,1%	10,0%	43,2%	UTR5p	9,73E-01	8,75E-01	8,62E-01	5,40E-01	7,19E-01	6,98E-01	9,28E-01	9,90E-01
UTR3p	56,2%	42,8%	26,2%	16,5%	9,3%	10,2%	16,5%	55,5%	UTR3p	9,35E-01	9,67E-01	9,95E-01	9,45E-01	9,54E-01	9,55E-01	9,62E-01	9,55E-01
cONC.mea	n G4H1	G4H1.2	G4H1.52	G4H1.76	G4H2 (P312	QP27	pg.ONC	G4H1	G4H1.2	G4H1.52	G4H1.76	G4H2	QP37	QP312	QP27
Prom	94,7%	85,8%	68,3%	53,2%	37,6%	39,6%	54,3%	94,9%	Prom	1,24E-02	3,20E-02	4,50E-04	1,70E-04	4,20E-05	2,18E-03	1,21E-05	8,16E-02
	34,770	03,070	00,370	,						1,242 02							
Trans	96,6%	,	90,4%		70,4%	72,1%	83,4%	96,8%	Trans	2,28E-02	2,10E-02	1,49E-02	1,59E-02	1,16E-03	1,77E-03	9,49E-04	1,59E-02
Trans Exon1	•	95,2%		82,8%	70,4% 7,9%	72,1% 9,8%	83,4% 19,3%	96,8% 66,9%	Trans Exon1		2,10E-02 4,25E-01	1,49E-02 5,85E-01	1,59E-02 4,89E-01	1,16E-03 3,38E-01	1,77E-03 4,85E-01	-,	1,59E-02 1,03E-02
	96,6%	95,2% 48,0%	90,4%	82,8% 15,7%	,					2,28E-02	,	,			,	5,11E-01	
Exon1 Intron1 UTR5p	96,6% 61,9%	95,2% 48,0% 86,7%	90,4% 27,4%	82,8% 15,7% 58,4%	7,9%	9,8%	19,3%	66,9%	Exon1	2,28E-02 1,33E-01	4,25E-01	5,85E-01	4,89E-01	3,38E-01	4,85E-01	5,11E-01 1,18E-03	1,03E-02 1,72E-01 5,54E-02
Exon1 Intron1	96,6% 61,9% 92,2%	95,2% 48,0% 86,7% 27,3%	90,4% 27,4% 72,9%	82,8% 15,7% 58,4% 8,2%	7,9% 42,6%	9,8% 45,1%	19,3% 60,8%	66,9% 92,1%	Exon1 Intron1	2,28E-02 1,33E-01 6,65E-01	4,25E-01 1,38E-01	5,85E-01 5,27E-02	4,89E-01 4,02E-03	3,38E-01 5,31E-04	4,85E-01 8,04E-04	5,11E-01 1,18E-03 1,47E-01	1,03E-02 1,72E-01
Exon1 Intron1 UTR5p	96,6% 61,9% 92,2% 38,1% 56,4%	95,2% 48,0% 86,7% 27,3% 42,9%	90,4% 27,4% 72,9% 14,4% 26,1%	82,8% 15,7% 58,4% 8,2% 16,3%	7,9% 42,6% 4,2% 9,1%	9,8% 45,1% 5,1% 10,1%	19,3% 60,8% 10,0% 16,6%	66,9% 92,1% 43,3% 55,6%	Exon1 Intron1 UTR5p UTR3p	2,28E-02 1,33E-01 6,65E-01 9,92E-02 1,54E-01	4,25E-01 1,38E-01 2,24E-01 1,02E-01	5,85E-01 5,27E-02 2,23E-01 3,42E-02	4,89E-01 4,02E-03 5,03E-01 1,21E-01	3,38E-01 5,31E-04 3,75E-01 1,10E-01	4,85E-01 8,04E-04 3,91E-01 1,11E-01	5,11E-01 1,18E-03 1,47E-01 1,06E-01	1,03E-02 1,72E-01 5,54E-02 1,27E-01
Exon1 Intron1 UTR5p	96,6% 61,9% 92,2% 38,1% 56,4%	95,2% 48,0% 86,7% 27,3% 42,9%	90,4% 27,4% 72,9% 14,4% 26,1%	82,8% 15,7% 58,4% 8,2% 16,3%	7,9% 42,6% 4,2% 9,1%	9,8% 45,1% 5,1% 10,1%	19,3% 60,8% 10,0% 16,6%	66,9% 92,1% 43,3% 55,6%	Exon1 Intron1 UTR5p	2,28E-02 1,33E-01 6,65E-01 9,92E-02 1,54E-01	4,25E-01 1,38E-01 2,24E-01 1,02E-01	5,85E-01 5,27E-02 2,23E-01 3,42E-02	4,89E-01 4,02E-03 5,03E-01 1,21E-01	3,38E-01 5,31E-04 3,75E-01 1,10E-01	4,85E-01 8,04E-04 3,91E-01	5,11E-01 1,18E-03 1,47E-01 1,06E-01	1,03E-02 1,72E-01 5,54E-02
Exon1 Intron1 UTR5p UTR3p	96,6% 61,9% 92,2% 38,1% 56,4%	95,2% 48,0% 86,7% 27,3% 42,9%	90,4% 27,4% 72,9% 14,4% 26,1%	82,8% 15,7% 58,4% 8,2% 16,3%	7,9% 42,6% 4,2% 9,1%	9,8% 45,1% 5,1% 10,1%	19,3% 60,8% 10,0% 16,6%	66,9% 92,1% 43,3% 55,6%	Exon1 Intron1 UTR5p UTR3p	2,28E-02 1,33E-01 6,65E-01 9,92E-02 1,54E-01	4,25E-01 1,38E-01 2,24E-01 1,02E-01	5,85E-01 5,27E-02 2,23E-01 3,42E-02	4,89E-01 4,02E-03 5,03E-01 1,21E-01	3,38E-01 5,31E-04 3,75E-01 1,10E-01	4,85E-01 8,04E-04 3,91E-01 1,11E-01	5,11E-01 1,18E-03 1,47E-01 1,06E-01	1,03E-02 1,72E-01 5,54E-02 1,27E-01 QP27 9,18E-01
Exon1 Intron1 UTR5p UTR3p	96,6% 61,9% 92,2% 38,1% 56,4%	95,2% 48,0% 86,7% 27,3% 42,9% G4H1.2 3,1%	90,4% 27,4% 72,9% 14,4% 26,1%	82,8% 15,7% 58,4% 8,2% 16,3% G4H1.76 4,5%	7,9% 42,6% 4,2% 9,1%	9,8% 45,1% 5,1% 10,1%	19,3% 60,8% 10,0% 16,6%	66,9% 92,1% 43,3% 55,6%	Exon1 Intron1 UTR5p UTR3p pl.ONC	2,28E-02 1,33E-01 6,65E-01 9,92E-02 1,54E-01	4,25E-01 1,38E-01 2,24E-01 1,02E-01	5,85E-01 5,27E-02 2,23E-01 3,42E-02 G4H1.52	4,89E-01 4,02E-03 5,03E-01 1,21E-01 G4H1.76	3,38E-01 5,31E-04 3,75E-01 1,10E-01	4,85E-01 8,04E-04 3,91E-01 1,11E-01	5,11E-01 1,18E-03 1,47E-01 1,06E-01 QP312 1,00E+00	1,03E-02 1,72E-01 5,54E-02 1,27E-01
Exon1 Intron1 UTR5p UTR3p sd Prom	96,6% 61,9% 92,2% 38,1% 56,4% G4H1 1,9%	95,2% 48,0% 86,7% 27,3% 42,9% G4H1.2 3,1% 1,6%	90,4% 27,4% 72,9% 14,4% 26,1% G4H1.52 4,1%	82,8% 15,7% 58,4% 8,2% 16,3% G4H1.76 4,5% 3,5%	7,9% 42,6% 4,2% 9,1% G4H2 4,4%	9,8% 45,1% 5,1% 10,1% QP37 Q 4,5%	19,3% 60,8% 10,0% 16,6% P312 4,4%	66,9% 92,1% 43,3% 55,6% QP27 1,9%	Exon1 Intron1 UTR5p UTR3p pl.ONC Prom	2,28E-02 1,33E-01 6,65E-01 9,92E-02 1,54E-01 G4H1 9,88E-01	4,25E-01 1,38E-01 2,24E-01 1,02E-01 G4H1.2 9,68E-01	5,85E-01 5,27E-02 2,23E-01 3,42E-02 G4H1.52 1,00E+00	4,89E-01 4,02E-03 5,03E-01 1,21E-01 G4H1.76 1,00E+00	3,38E-01 5,31E-04 3,75E-01 1,10E-01 G4H2 1,00E+00	4,85E-01 8,04E-04 3,91E-01 1,11E-01 QP37 9,98E-01	5,11E-01 1,18E-03 1,47E-01 1,06E-01 QP312 1,00E+00 9,99E-01	1,03E-02 1,72E-01 5,54E-02 1,27E-01 QP27 9,18E-01 9,84E-01 9,90E-01
Exon1 Intron1 UTR5p UTR3p sd Prom Trans Exon1 Intron1	96,6% 61,9% 92,2% 38,1% 56,4% G4H1 1,9% 1,3% 4,1% 2,3%	95,2% 48,0% 86,7% 27,3% 42,9% G4H1.2 3,1% 1,6% 4,2% 2,9%	90,4% 27,4% 72,9% 14,4% 26,1% G4H1.52 4,1% 2,5% 3,6% 4,1%	82,8% 15,7% 58,4% 8,2% 16,3% G4H1.76 4,5% 3,5% 3,0% 4,7%	7,9% 42,6% 4,2% 9,1% G4H2 4,4% 4,6%	9,8% 45,1% 5,1% 10,1% QP37 QP37 Q,5% 4,3% 2,4% 4,8%	19,3% 60,8% 10,0% 16,6% P312 4,4% 3,4% 3,2% 4,6%	66,9% 92,1% 43,3% 55,6% QP27 1,9% 1,3% 4,1% 2,4%	Exon1 Intron1 UTR5p UTR3p pl.ONC Prom Trans Exon1 Intron1	2,28E-02 1,33E-01 6,65E-01 9,92E-02 1,54E-01 G4H1 9,88E-01 9,77E-01	4,25E-01 1,38E-01 2,24E-01 1,02E-01 G4H1.2 9,68E-01 9,79E-01	5,85E-01 5,27E-02 2,23E-01 3,42E-02 G4H1.52 1,00E+00 9,85E-01 4,15E-01 9,47E-01	4,89E-01 4,02E-03 5,03E-01 1,21E-01 G4H1.76 1,00E+00 9,84E-01 5,11E-01 9,96E-01	3,38E-01 5,31E-04 3,75E-01 1,10E-01 G4H2 1,00E+00 9,99E-01	4,85E-01 8,04E-04 3,91E-01 1,11E-01 QP37 9,98E-01 9,98E-01	0. 5,11E-01 1,18E-03 1,47E-01 1,06E-01 0P312 1,00E+00 9,99E-01 4,89E-01	1,03E-02 1,72E-01 5,54E-02 1,27E-01 QP27 9,18E-01 9,84E-01 9,90E-01 8,28E-01
Exon1 Intron1 UTR5p UTR3p sd Prom Trans Exon1	96,6% 61,9% 92,2% 38,1% 56,4% G4H1 1,9% 1,3% 4,1%	95,2% 48,0% 86,7% 27,3% 42,9% G4H1.2 3,1% 1,6% 4,2% 2,9%	90,4% 27,4% 72,9% 14,4% 26,1% G4H1.52 4,1% 2,5% 3,6%	82,8% 15,7% 58,4% 8,2% 16,3% G4H1.76 4,5% 3,5% 3,0% 4,7%	7,9% 42,6% 4,2% 9,1% G4H2 4,4% 4,6% 2,2%	9,8% 45,1% 5,1% 10,1% QP37 Q 4,5% 4,3% 2,4%	19,3% 60,8% 10,0% 16,6% P312 4,4% 3,4% 3,2%	66,9% 92,1% 43,3% 55,6% QP27 1,9% 1,3% 4,1%	Exon1 Intron1 UTR5p UTR3p pl.ONC Prom Trans Exon1	2,28E-02 1,33E-01 6,65E-01 9,92E-02 1,54E-01 G4H1 9,88E-01 9,77E-01 8,67E-01	4,25E-01 1,38E-01 2,24E-01 1,02E-01 G4H1.2 9,68E-01 9,79E-01 5,75E-01	5,85E-01 5,27E-02 2,23E-01 3,42E-02 G4H1.52 1,00E+00 9,85E-01 4,15E-01	4,89E-01 4,02E-03 5,03E-01 1,21E-01 G4H1.76 1,00E+00 9,84E-01 5,11E-01	3,38E-01 5,31E-04 3,75E-01 1,10E-01 G4H2 1,00E+00 9,99E-01 6,62E-01	4,85E-01 8,04E-04 3,91E-01 1,11E-01 QP37 9,98E-01 9,98E-01 5,15E-01	5,11E-01 1,18E-03 1,47E-01 1,06E-01 QP312 1,00E+00 9,99E-01 4,89E-01 9,99E-01	1,03E-02 1,72E-01 5,54E-02 1,27E-01 QP27 9,18E-01 9,84E-01 9,90E-01