

ONC	G4H1	G4H1.2	G4H1.52	G4H1.76	G4H2	QP37	QP312	QP27
Prom	99,0%	91,5%	82,0%	69,5%	55,0%	52,5%	73,0%	97,5%
Trans	99,2%	98,4%	95,7%	90,3%	84,4%	84,8%	93,8%	99,6%
Exon1	66,5%	48,8%	26,6%	15,8%	8,9%	9,9%	19,2%	76,4%
Intron1	91,3%	90,0%	79,5%	70,7%	58,5%	60,3%	74,7%	94,3%
UTR5p	42,9%	29,7%	16,3%	8,2%	4,7%	5,5%	12,2%	49,3%
UTR3p	61,4%	49,2%	34,4%	20,6%	12,7%	13,8%	21,2%	61,4%

Genome	G4H1	G4H1.2	G4H1.52	G4H1.76	G4H2	QP37	QP312	QP27
Prom	94,7%	85,8%	68,3%	53,3%	37,7%	39,7%	54,4%	94,8%
Trans	96,6%	95,3%	90,6%	83,1%	70,6%	72,4%	83,5%	96,8%
Exon1	61,9%	47,8%	27,3%	15,7%	8,0%	9,8%	19,3%	66,9%
Intron1	92,3%	86,9%	73,0%	58,7%	42,9%	45,4%	61,0%	92,2%
UTR5p	37,9%	27,1%	14,4%	8,2%	4,2%	5,1%	10,0%	43,2%
UTR3p	56,2%	42,8%	26,2%	16,5%	9,3%	10,2%	16,5%	55,5%

cONC.mean	G4H1	G4H1.2	G4H1.52	G4H1.76	G4H2	QP37	QP312	QP27
Prom	94,7%	85,8%	68,3%	53,2%	37,6%	39,6%	54,3%	94,9%
Trans	96,6%	95,2%	90,4%	82,8%	70,4%	72,1%	83,4%	96,8%
Exon1	61,9%	48,0%	27,4%	15,7%	7,9%	9,8%	19,3%	66,9%
Intron1	92,2%	86,7%	72,9%	58,4%	42,6%	45,1%	60,8%	92,1%
UTR5p	38,1%	27,3%	14,4%	8,2%	4,2%	5,1%	10,0%	43,3%
UTR3p	56,4%	42,9%	26,1%	16,3%	9,1%	10,1%	16,6%	55,6%

sd	G4H1	G4H1.2	G4H1.52	G4H1.76	G4H2	QP37	QP312	QP27
Prom	1,9%	3,1%	4,1%	4,5%	4,4%	4,5%	4,4%	1,9%
Trans	1,3%	1,6%	2,5%	3,5%	4,6%	4,3%	3,4%	1,3%
Exon1	4,1%	4,2%	3,6%	3,0%	2,2%	2,4%	3,2%	4,1%
Intron1	2,3%	2,9%	4,1%	4,7%	4,8%	4,8%	4,6%	2,4%
UTR5p	3,7%	3,2%	2,5%	2,0%	1,4%	1,6%	2,1%	3,8%
UTR3p	4,9%	5,0%	4,5%	3,7%	2,9%	3,0%	3,7%	5,1%

btONCgr	G4H1	G4H1.2	G4H1.52	G4H1.76	G4H2	QP37	QP312	QP27
Prom	1,45E-03	1,03E-02	9,31E-06	2,24E-06	5,47E-07	1,58E-04	4,68E-08	5,04E-02
Trans	7,64E-03	5,95E-03	1,48E-03	7,17E-04	1,71E-07	1,86E-06	6,67E-07	2,30E-03
Exon1	9,91E-02	4,13E-01	6,16E-01	5,24E-01	3,57E-01	5,33E-01	5,36E-01	2,05E-03
Intron1	7,70E-01	9,54E-02	1,48E-02	1,11E-04	1,45E-06	4,30E-06	8,86E-06	1,37E-01
UTR5p	3,40E-02	1,52E-01	1,73E-01	5,38E-01	3,75E-01	3,90E-01	9,87E-02	1,37E-02
UTR3p	8,62E-02	4,50E-02	7,46E-03	7,82E-02	7,28E-02	6,95E-02	5,57E-02	6,04E-02

btONCle	G4H1	G4H1.2	G4H1.52	G4H1.76	G4H2	QP37	QP312	QP27
Prom	1,00E+00	9,95E-01	1,00E+00	1,00E+00	1,00E+00	1,00E+00	1,00E+00	9,79E-01
Trans	9,98E-01	9,98E-01	9,99E-01	1,00E+00	1,00E+00	1,00E+00	1,00E+00	1,00E+00
Exon1	9,24E-01	6,41E-01	4,46E-01	5,53E-01	7,32E-01	5,60E-01	5,35E-01	9,99E-01
Intron1	3,09E-01	9,36E-01	9,90E-01	1,00E+00	1,00E+00	1,00E+00	1,00E+00	9,14E-01
UTR5p	9,73E-01	8,75E-01	8,62E-01	5,40E-01	7,19E-01	6,98E-01	9,28E-01	9,90E-01
UTR3p	9,35E-01	9,67E-01	9,95E-01	9,45E-01	9,54E-01	9,55E-01	9,62E-01	9,55E-01

pg.ONC	G4H1	G4H1.2	G4H1.52	G4H1.76	G4H2	QP37	QP312	QP27
Prom	1,24E-02	3,20E-02	4,50E-04	1,70E-04	4,20E-05	2,18E-03	1,21E-05	8,16E-02
Trans	2,28E-02	2,10E-02	1,49E-02	1,59E-02	1,16E-03	1,77E-03	9,49E-04	1,59E-02
Exon1	1,33E-01	4,25E-01	5,85E-01	4,89E-01	3,38E-01	4,85E-01	5,11E-01	1,03E-02
Intron1	6,65E-01	1,38E-01	5,27E-02	4,02E-03	5,31E-04	8,04E-04	1,18E-03	1,72E-01
UTR5p	9,92E-02	2,24E-01	2,23E-01	5,03E-01	3,75E-01	3,91E-01	1,47E-01	5,54E-02
UTR3p	1,54E-01	1,02E-01	3,42E-02	1,21E-01	1,10E-01	1,11E-01	1,06E-01	1,27E-01

pl.ONC	G4H1	G4H1.2	G4H1.52	G4H1.76	G4H2	QP37	QP312	QP27
Prom	9,88E-01	9,68E-01	1,00E+00	1,00E+00	1,00E+00	9,98E-01	1,00E+00	9,18E-01
Trans	9,77E-01	9,79E-01	9,85E-01	9,84E-01	9,99E-01	9,98E-01	9,99E-01	9,84E-01
Exon1	8,67E-01	5,75E-01	4,15E-01	5,11E-01	6,62E-01	5,15E-01	4,89E-01	9,90E-01
Intron1	3,35E-01	8,62E-01	9,47E-01	9,96E-01	9,99E-01	9,99E-01	9,99E-01	8,28E-01
UTR5p	9,01E-01	7,76E-01	7,77E-01	4,97E-01	6,25E-01	6,09E-01	8,53E-01	9,45E-01
UTR3p	8,46E-01	8,98E-01	9,66E-01	8,79E-01	8,90E-01	8,89E-01	8,94E-01	8,73E-01