Genomic feature	G4H1	G4H1.2	G4H1.5	G4H1.75	G4H2	QP37	QP312	QP27
rom	5,38	3,62	1,88	1,12	0,62	0,69	1,23	6,78
OS 	4,87	2,73	1,00	0,43	0,17	0,21	0,56	6,53
TR5p	7,12	4,68	2,21	1,17	0,59	0,72	1,45	9,15
TR3p	3,49	2,13	0,96	0,50	0,24	0,26	0,52	3,94
tron_unique	2,93	1,64	0,68	0,35	0,17	0,18	0,35	3,61
tron_1	2,75	1,51	0,62	0,32	0,15	0,16	0,32	3,47
tron_last	2,61	1,40	0,56	0,27	0,13	0,14	0,28	3,28
tron_other	2,47	1,31	0,52	0,25	0,12	0,13	0,25	3,10
con_unique	4,18	2,45	1,02	0,49	0,23	0,29	0,62	5,60
con_1	7,30	4,83	2,28	1,20	0,59	0,74	1,52	9,84
con_last	3,56	2,14	0,93	0,47	0,22	0,25	0,51	4,27
con_other	4,62	2,51	0,87	0,37	0,14	0,17	0,46	5,98
tron_unique_j_ei	9,86	6,98	3,71	2,21	1,15	1,51	2,67	12,16
tron_1_j_ei	10,02	7,12	3,82	2,21	1,14	1,51	2,90	12,32
tron_last_j_ei	6,10	3,96	1,91	1,03	0,50	0,64	1,26	7,02
tron_other_j_ei	5,73	3,67	1,75	0,94	0,46	0,60	1,18	6,58
tron_unique_j_ie	6,39	4,06	1,72	0,91	0,48	0,49	1,05	7,25
tron_1_j_ie	5,75	3,61	1,59	0,81	0,38	0,44	0,96	6,31
tron_last_j_ie	5,73	3,62	1,64	0,82	0,39	0,43	0,96	6,15
tron_other_j_ie	5,36	3,33	1,49	0,75	0,33	0,41	0,91	5,80
tergennoP	2,23	1,14	0,43	0,20	0,10	0,10	0,20	2,68
tergen	2,26	1,17	0,44	0,22	0,10	0,11	0,21	2,73
lobal Density	2,43	1,28	0,50	0,25	0,12	0,13	0,25	3,00
neighmont : 1 1 1 1 1	karour d							
nrichment vs global bac enomic feature	kground G4H1	G4H1.2	G4H1.5	G4H1.75	G4H2	QP37	QP312	QP27
om	2,22	2,82	3,75	4,53	5,23	5,48	4,96	2,26
DS .	2,01	2,13	1,99	1,73	1,43	1,68	2,29	2,18
TR5p	2,93	3,64	4,40	4,73	4,97	5,70	5,87	3,06
TR3p	1,44	1,66	1,90	2,02	2,03	2,04	2,09	1,31
tron unique	1,21	1,28	1,36	1,41	1,43	1,41	1,42	1,21
tron_unique	1,13	1,18	1,24	1,28	1,30	1,29	1,29	1,16
tron_1	1,08	1,09	1,11	1,11	1,07	1,10	1,12	1,10
tron_iast	1,03	1,03	1,03	1,02	1,01	1,10	1,02	1,10
con_unique	1,72	1,91	2,04	1,99	1,92	2,30	2,52	1,87
on 1	3,01	3,76	4,55	4,85	4,95	5,81	6,15	3,28
con_last	1,47	1,66	1,85	1,90	1,87	1,96	2,08	1,42
on other	1,90	1,96	1,74	1,48	1,18	1,31	1,87	2,00
tron_unique_j_ei	4,07	5,44	7,40	8,96	9,65	11,96	10,81	4,06
tron_1_j_ei	4,13	5,54	7,40	8,93	9,57	11,90	11,72	4,00
tron_last_j_ei	2,51	3,08	3,80	4,19	4,18	5,03	5,08	2,34
tron_lastei	2,36	2,86	3,49	3,81	3,83	4,77	4,79	2,34
	2,63	3,16	3,42	3,69	4,02	3,90	4,27	
tron_unique_j_ie								2,42
tron_1_j_ie	2,37	2,81	3,16	3,27	3,17	3,45	3,89	2,10
tron_last_j_ie	2,36	2,82	3,26	3,32	3,29	3,36	3,89	2,05
tron_other_j_ie	2,21	2,59	2,96	3,05	2,80	3,24	3,69	1,94
tergennoP	0,92	0,89	0,85	0,83	0,83	0,81	0,81	0,89
tergen	0,93	0,91	0,88	0,87	0,88	0,86	0,86	0,91
ean for 1000 resamplin	σ							
enomic feature	G4H1	G4H1.2	G4H1.5	G4H1.75	G4H2	QP37	QP312	QP27
om	2,71	1,46	0,59	0,29	0,14	0,15	0,30	3,39
OS .	3,14	1,69	0,68	0,34	0,14	0,17	0,35	3,74
TR5p	3,13	1,69	0,67	0,33	0,16	0,17	0,35	3,73
rR3p	2,66	1,43	0,57	0,28	0,14	0,17	0,29	3,73
tron_unique	2,48	1,32	0,57	0,26	0,14	0,13	0,26	3,08
tron_unique	2,48	1,32	0,52	0,26	0,12	0,13	0,26	3,08
tron_1 tron_last	2,48 2,49	1,32	0,52	0,26	0,12	0,13	0,26	3,08
tron_iast tron_other	2,49	1,33	0,52	0,25	0,12	0,13	0,25	3,09
on unique	2,62	1,31	0,51	0,28	0,12	0,13	0,28	3,23
on 1	2,89	1,41	0,62	0,31	0,15	0,14	0,32	3,52
on_1	2,67	1,44	0,58	0,31	0,13	0,16	0,32	3,33
on_iast on_other	3,20	1,44	0,58	0,29	0,14	0,15	0,29	3,33 3,78
on_other tron_unique_j_ei	3,20 3,54	1,72	0,69	0,34	0,18	0,17	0,35	3,78 4,08
	3,54 3,52	1,91 1,89	0,76 0,75		0,18 0,18		0,39	4,08 4,06
tron_1_j_ei				0,37		0,19		
tron_last_j_ei	3,54	1,90	0,76	0,38	0,18	0,19	0,39	4,07
tron_other_j_ei	3,50	1,88	0,74	0,37	0,18	0,18	0,38	4,02
tron_unique_j_ie	3,54	1,90	0,76	0,38	0,18	0,19	0,39	4,08
	3,53	1,90	0,76	0,38	0,18	0,19	0,39	4,07
tron_1_j_ie	3,54	1,90	0,76	0,38	0,18	0,19	0,39	4,08
tron_1_j_ie tron_last_j_ie			~					
tron_1_j_ie tron_last_j_ie tron_other_j_ie	3,50	1,88	0,74	0,37	0,18	0,18	0,38	
tron_1_j_ie tron_last_j_ie		1,88 1,26 1,26	0,74 0,49 0,49	0,37 0,24 0,24	0,18 0,12 0,12	0,18 0,12 0,12	0,38 0,24 0,24	4,02 2,93 2,94

sd for 1000 resampli	ing							
·	G4H1	G4H1.2	G4H1.5	G4H1.75	G4H2	QP37	QP312	QP27
Prom	0,01	0,01	0,004	0,003	0,002	0,002	0,003	0,01
CDS	0,01	0,01	0,005	0,003	0,002	0,002	0,003	0,01
UTR5p	0,02	0,01	0,01	0,01	0,004	0,004	0,01	0,02
UTR3p	0,01	0,01	0,004	0,003	0,002	0,002	0,003	0,01
Intron_unique	0,01	0,01	0,004	0,003	0,002	0,002	0,002	0,01
Intron_1	0,002	0,002	0,001	0,001	0,001	0,001	0,001	0,003
Intron_last	0,004	0,003	0,002	0,001	0,001	0,001	0,001	0,004
Intron_other	0,001	0,001	0,001	0,0005	0,0003	0,0004	0,0005	0,002
Exon_unique	0,03	0,02	0,01	0,01	0,01	0,01	0,01	0,03
Exon_1	0,02	0,01	0,01	0,01	0,004	0,004	0,01	0,02
Exon_last	0,01	0,01	0,004	0,003	0,002	0,002	0,003	0,01
Exon_other	0,01	0,01	0,01	0,004	0,002	0,003	0,004	0,01
Intron_unique_j_ei	0,10	0,08	0,05	0,03	0,02	0,02	0,03	0,11
Intron_1_j_ei	0,03	0,02	0,02	0,01	0,01	0,01	0,01	0,03
Intron_last_j_ei	0,03	0,02	0,02	0,01	0,01	0,01	0,01	0,04
Intron_other_j_ei	0,01	0,01	0,01	0,01	0,003	0,004	0,01	0,02
Intron_unique_j_ie	0,10	0,08	0,05	0,03	0,02	0,02	0,04	0,11
Intron_1_j_ie	0,03	0,03	0,02	0,01	0,01	0,01	0,01	0,04
Intron_last_j_ie	0,03	0,03	0,02	0,01	0,01	0,01	0,01	0,04
Intron_other_j_ie	0,01	0,01	0,01	0,005	0,004	0,003	0,01	0,02
intergennoP intergen	0,0008 0,0008	0,0006 0,0006	0,0004 0,0004	0,0003 0,0003	0,0002 0,0002	0,0002 0,0002	0,0003 0,0003	0,0009 0,0009
intergen	0,0008	0,0000	0,0004	0,0003	0,0002	0,0002	0,0003	0,0009
Enrichment vs resam		C4114.3	CALLA	CAU14 35	64113	0027	00242	0027
Genomic feature	G4H1	G4H1.2	G4H1.5	G4H1.75	G4H2	QP37	QP312	QP27
Prom	1,99	2,47	3,21	3,82	4,41	4,57	4,10	2,00
CDS	1,55	1,61	1,47	1,27	1,05	1,24	1,63	1,74
UTR5p	2,27	2,77	3,28	3,50	3,68	4,25	4,20	2,45
UTR3p	1,31	1,48	1,67	1,76	1,77	1,77	1,79	1,19
Intron_unique	1,18	1,24	1,31	1,35	1,37	1,34	1,35	1,17
Intron_1	1,11	1,14	1,20	1,24	1,25	1,25	1,23	1,13
Intron_last	1,05	1,06	1,07	1,06	1,03	1,05	1,07	1,06
Intron_other	1,00	1,00	1,00	1,00	0,99	1,00	1,00	1,02
Exon_unique	1,59	1,75	1,83	1,79	1,72	2,05	2,22	1,73
Exon_1	2,53	3,11	3,67	3,88	3,96	4,66	4,80	2,80
			4 64					
Exon_last	1,34	1,49	1,61	1,64	1,61	1,67	1,77	1,28
Exon_other	1,44	1,46	1,27	1,07	0,86	0,97	1,32	1,58
Exon_other Intron_unique_j_ei	1,44 2,79	1,46 3,66	1,27 4,86	1,07 5,86	0,86 6,33	0,97 7,9 8	1,32 6,79	1,58 2,98
Exon_other Intron_unique_j_ei Intron_1_j_ei	1,44 2,79 2,85	1,46 3,66 3,76	1,27 4,86 5,06	1,07 5,86 5,90	0,86 6,33 6,34	0,97 7,98 8,04	1,32 6,79 7,41	1,58 2,98 3,03
Exon_other Intron_unique_j_ei Intron_1_j_ei Intron_last_j_ei	1,44 2,79 2,85 1,72	1,46 3,66 3,76 2,08	1,27 4,86 5,06 2,51	1,07 5,86 5,90 2,75	0,86 6,33 6,34 2,75	0,97 7,98 8,04 3,38	1,32 6,79 7,41 3,20	1,58 2,98 3,03 1,72
Exon_other Intron_unique_j_ei Intron_1_j_ei Intron_last_j_ei Intron_other_j_ei	1,44 2,79 2,85 1,72 1,64	1,46 3,66 3,76 2,08 1,95	1,27 4,86 5,06 2,51 2,35	1,07 5,86 5,90 2,75 2,56	0,86 6,33 6,34 2,75 2,58	0,97 7,98 8,04 3,38 3,29	1,32 6,79 7,41 3,20 3,08	1,58 2,98 3,03 1,72 1,64
Exon_other Intron_unique_j_ei Intron_1_j_ei Intron_last_j_ei Intron_other_j_ei Intron_unique_j_ie	1,44 2,79 2,85 1,72 1,64 1,81	1,46 3,66 3,76 2,08 1,95 2,13	1,27 4,86 5,06 2,51 2,35 2,25	1,07 5,86 5,90 2,75 2,56 2,42	0,86 6,33 6,34 2,75 2,58 2,65	0,97 7,98 8,04 3,38 3,29 2,61	1,32 6,79 7,41 3,20 3,08 2,68	1,58 2,98 3,03 1,72 1,64 1,78
Exon_other Intron_unique_j_ei Intron_1_j_ei Intron_last_j_ei Intron_other_j_ei Intron_unique_j_ie Intron_1_j_ie	1,44 2,79 2,85 1,72 1,64 1,81 1,63	1,46 3,66 3,76 2,08 1,95 2,13 1,90	1,27 4,86 5,06 2,51 2,35 2,25 2,10	1,07 5,86 5,90 2,75 2,56 2,42 2,15	0,86 6,33 6,34 2,75 2,58 2,65 2,09	0,97 7,98 8,04 3,38 3,29 2,61 2,32	1,32 6,79 7,41 3,20 3,08 2,68 2,45	1,58 2,98 3,03 1,72 1,64 1,78 1,55
Exon_other Intron_unique_j_ei Intron_1_j_ei Intron_last_j_ei Intron_other_j_ei Intron_unique_j_ie Intron_1_j_ie Intron_last_j_ie	1,44 2,79 2,85 1,72 1,64 1,81 1,63 1,62	1,46 3,66 3,76 2,08 1,95 2,13 1,90 1,90	1,27 4,86 5,06 2,51 2,35 2,25 2,10 2,16	1,07 5,86 5,90 2,75 2,56 2,42 2,15 2,18	0,86 6,33 6,34 2,75 2,58 2,65 2,09 2,17	0,97 7,98 8,04 3,38 3,29 2,61 2,32 2,26	1,32 6,79 7,41 3,20 3,08 2,68 2,45 2,44	1,58 2,98 3,03 1,72 1,64 1,78 1,55 1,51
Exon_other Intron_unique_j_ei Intron_1_j_ei Intron_last_j_ei Intron_other_j_ei Intron_unique_j_ie Intron_1_j_ie Intron_last_j_ie Intron_last_j_ie Intron_other_j_ie	1,44 2,79 2,85 1,72 1,64 1,81 1,63 1,62 1,53	1,46 3,66 3,76 2,08 1,95 2,13 1,90 1,90 1,77	1,27 4,86 5,06 2,51 2,35 2,25 2,10 2,16 2,00	1,07 5,86 5,90 2,75 2,56 2,42 2,15 2,18 2,05	0,86 6,33 6,34 2,75 2,58 2,65 2,09 2,17 1,89	0,97 7,98 8,04 3,38 3,29 2,61 2,32 2,26 2,23	1,32 6,79 7,41 3,20 3,08 2,68 2,45 2,44 2,38	1,58 2,98 3,03 1,72 1,64 1,78 1,55 1,51 1,44
Exon_other Intron_unique_j_ei Intron_1_j_ei Intron_last_j_ei Intron_other_j_ei Intron_unique_j_ie Intron_1_j_ie Intron_last_j_ie Intron_other_j_ie intergennoP	1,44 2,79 2,85 1,72 1,64 1,81 1,63 1,62	1,46 3,66 3,76 2,08 1,95 2,13 1,90 1,90 1,77 0,91	1,27 4,86 5,06 2,51 2,35 2,25 2,10 2,16	1,07 5,86 5,90 2,75 2,56 2,42 2,15 2,18	0,86 6,33 6,34 2,75 2,58 2,65 2,09 2,17 1,89 0,85	0,97 7,98 8,04 3,38 3,29 2,61 2,32 2,26	1,32 6,79 7,41 3,20 3,08 2,68 2,45 2,44	1,58 2,98 3,03 1,72 1,64 1,78 1,55 1,51 1,44 0,91
Exon_other Intron_unique_j_ei Intron_1_j_ei Intron_last_j_ei Intron_other_j_ei Intron_unique_j_ie Intron_last_j_ie Intron_last_j_ie Intron_other_j_ie intergennoP intergen	1,44 2,79 2,85 1,72 1,64 1,81 1,63 1,62 1,53 0,93 0,95	1,46 3,66 3,76 2,08 1,95 2,13 1,90 1,90 1,77	1,27 4,86 5,06 2,51 2,35 2,25 2,10 2,16 2,00 0,87	1,07 5,86 5,90 2,75 2,56 2,42 2,15 2,18 2,05 0,85	0,86 6,33 6,34 2,75 2,58 2,65 2,09 2,17 1,89	0,97 7,98 8,04 3,38 3,29 2,61 2,32 2,26 2,23 0,83	1,32 6,79 7,41 3,20 3,08 2,68 2,45 2,44 2,38 0,83	1,58 2,98 3,03 1,72 1,64 1,78 1,55 1,51 1,44
Exon_other Intron_unique_j_ei Intron_1_j_ei Intron_last_j_ei Intron_other_j_ei Intron_unique_j_ie Intron_1_j_ie Intron_last_j_ie Intron_other_j_ie Intron_other_j_ie intergennop intergen p-value by resamplir	1,44 2,79 2,85 1,72 1,64 1,81 1,63 1,62 1,53 0,93 0,95 * means <1/1000	1,46 3,66 3,76 2,08 1,95 2,13 1,90 1,90 1,77 0,91 0,93	1,27 4,86 5,06 2,51 2,35 2,25 2,10 2,16 2,00 0,87 0,90	1,07 5,86 5,90 2,75 2,56 2,42 2,15 2,18 2,05 0,85 0,89	0,86 6,33 6,34 2,75 2,58 2,65 2,09 2,17 1,89 0,85 0,90	0,97 7,98 8,04 3,38 3,29 2,61 2,32 2,26 2,23 0,83 0,89	1,32 6,79 7,41 3,20 3,08 2,68 2,45 2,44 2,38 0,83 0,88	1,58 2,98 3,03 1,72 1,64 1,78 1,55 1,51 1,44 0,91 0,93
Exon_other Intron_unique_j_ei Intron_1_j_ei Intron_last_j_ei Intron_other_j_ei Intron_unique_j_ie Intron_1_j_ie Intron_last_j_ie Intron_other_j_ei Intron_other_j_ei Intron_other_j_ie Intron_other_j_ie Intron_other_j_ie Intron_other_j_ie IntergennoP Intergen p-value by resamplir Genomic feature	1,44 2,79 2,85 1,72 1,64 1,81 1,63 1,62 1,53 0,93 0,95 * means <1/1000 G4H1	1,46 3,66 3,76 2,08 1,95 2,13 1,90 1,90 1,77 0,91 0,93	1,27 4,86 5,06 2,51 2,35 2,25 2,10 2,16 2,00 0,87 0,90	1,07 5,86 5,90 2,75 2,56 2,42 2,15 2,18 2,05 0,85 0,89	0,86 6,33 6,34 2,75 2,58 2,65 2,09 2,17 1,89 0,85 0,90	0,97 7,98 8,04 3,38 3,29 2,61 2,32 2,26 2,23 0,83 0,89	1,32 6,79 7,41 3,20 3,08 2,68 2,45 2,44 2,38 0,83 0,83	1,58 2,98 3,03 1,72 1,64 1,78 1,55 1,51 1,44 0,91
Exon_other Intron_unique_j_ei Intron_1_j_ei Intron_last_j_ei Intron_other_j_ei Intron_unique_j_ie Intron_last_j_ie Intron_last_j_ie Intron_other_j_ei Intron_other_j_ei Intron_other_j_ie Intron_other_j_ie Intron_other_j_ie IntergennoP Intergen p-value by resamplir Genomic feature Prom	1,44 2,79 2,85 1,72 1,64 1,81 1,63 1,62 1,53 0,93 0,95 * means <1/1000 G4H1 *	1,46 3,66 3,76 2,08 1,95 2,13 1,90 1,90 1,77 0,91 0,93	1,27 4,86 5,06 2,51 2,35 2,25 2,10 2,16 2,00 0,87 0,90	1,07 5,86 5,90 2,75 2,56 2,42 2,15 2,18 2,05 0,85 0,89	0,86 6,33 6,34 2,75 2,58 2,65 2,09 2,17 1,89 0,85 0,90	0,97 7,98 8,04 3,38 3,29 2,61 2,32 2,26 2,23 0,83 0,89	1,32 6,79 7,41 3,20 3,08 2,68 2,45 2,44 2,38 0,83 0,83	1,58 2,98 3,03 1,72 1,64 1,78 1,55 1,51 1,44 0,91 0,93
Exon_other Intron_unique_j_ei Intron_1_j_ei Intron_last j_ei Intron_other_j_ei Intron_unique_j_ie Intron_1_j_ie Intron_other_j_ie Intron_other_j_ie intergennoP intergen p-value by resamplir Genomic feature Prom CDS	1,44 2,79 2,85 1,72 1,64 1,81 1,63 1,62 1,53 0,93 0,95 mg * means <1/1000 G4H1 *	1,46 3,66 3,76 2,08 1,95 2,13 1,90 1,90 1,77 0,91 0,93	1,27 4,86 5,06 2,51 2,35 2,25 2,10 2,16 2,00 0,87 0,90	1,07 5,86 5,90 2,75 2,56 2,42 2,15 2,18 2,05 0,85 0,89	0,86 6,33 6,34 2,75 2,58 2,65 2,09 2,17 1,89 0,85 0,90	0,97 7,98 8,04 3,38 3,29 2,61 2,32 2,26 2,23 0,83 0,89	1,32 6,79 7,41 3,20 3,08 2,68 2,45 2,44 2,38 0,83 0,83	1,58 2,98 3,03 1,72 1,64 1,78 1,55 1,51 1,44 0,91 0,93
Exon_other Intron_unique_j_ei Intron_1_j_ei Intron_last_j_ei Intron_other_j_ei Intron_unique_j_ie Intron_1_j_ie Intron_other_j_ie Intron_other_j_ie intergennoP intergen p-value by resamplir Genomic feature Prom CDS UTRSp	1,44 2,79 2,85 1,72 1,64 1,81 1,63 1,62 1,53 0,93 0,95 * means <1/1000 G4H1 *	1,46 3,66 3,76 2,08 1,95 2,13 1,90 1,90 1,77 0,91 0,93	1,27 4,86 5,06 2,51 2,35 2,25 2,10 2,16 2,00 0,87 0,90	1,07 5,86 5,90 2,75 2,56 2,42 2,15 2,18 2,05 0,85 0,89	0,86 6,33 6,34 2,75 2,58 2,65 2,09 2,17 1,89 0,85 0,90 G4H2 * *	0,97 7,98 8,04 3,38 3,29 2,61 2,32 2,26 2,23 0,83 0,89	1,32 6,79 7,41 3,20 3,08 2,68 2,45 2,44 2,38 0,83 0,88	1,58 2,98 3,03 1,72 1,64 1,78 1,55 1,51 1,44 0,91 0,93
Exon_other Intron_unique_j_ei Intron_1_j_ei Intron_last_j_ei Intron_other_j_ei Intron_unique_j_ie Intron_1_j_ie Intron_last_j_ie Intron_last_j_ie Intron_other_j_ie Intron_other_j_ie intergennoP intergen p-value by resamplir Genomic feature Prom CDS UTRSp UTR3p	1,44 2,79 2,85 1,72 1,64 1,81 1,63 1,62 1,53 0,93 0,95 mg * means <1/1000 G4H1 *	1,46 3,66 3,76 2,08 1,95 2,13 1,90 1,90 1,77 0,91 0,93	1,27 4,86 5,06 2,51 2,35 2,25 2,10 2,16 2,00 0,87 0,90 G4H1.5 * * *	1,07 5,86 5,90 2,75 2,56 2,42 2,15 2,18 2,05 0,85 0,89	0,86 6,33 6,34 2,75 2,58 2,65 2,09 2,17 1,89 0,85 0,90	0,97 7,98 8,04 3,38 3,29 2,61 2,32 2,26 2,23 0,83 0,89	1,32 6,79 7,41 3,20 3,08 2,68 2,45 2,44 2,38 0,83 0,83	1,58 2,98 3,03 1,72 1,64 1,78 1,55 1,51 1,44 0,91 0,93
Exon_other Intron_unique_j_ei Intron_1_j_ei Intron_last_j_ei Intron_other_j_ei Intron_unique_j_ie Intron_last_j_ie Intron_last_j_ie Intron_last_j_ie Intron_other_j_ie Intron_last_j_ie Intron_last_j_ie Intron_last_j_ie Intron_other_j_ie IntergennoP IntergennoP IntergennoP IntergennoF IntergennoF Intergen P-value by resamplir Genomic feature Prom CDS UTR5p UTR3p Intron_unique	1,44 2,79 2,85 1,72 1,64 1,81 1,63 1,62 1,53 0,93 0,95 mg * means <1/1000 G4H1 *	1,46 3,66 3,76 2,08 1,95 2,13 1,90 1,90 1,77 0,91 0,93	1,27 4,86 5,06 2,51 2,35 2,25 2,10 2,16 2,00 0,87 0,90	1,07 5,86 5,90 2,75 2,56 2,42 2,15 2,18 2,05 0,85 0,89	0,86 6,33 6,34 2,75 2,58 2,65 2,09 2,17 1,89 0,85 0,90 G4H2 * * * *	0,97 7,98 8,04 3,38 3,29 2,61 2,32 2,26 2,23 0,83 0,89	1,32 6,79 7,41 3,20 3,08 2,68 2,45 2,44 2,38 0,83 0,88	1,58 2,98 3,03 1,72 1,64 1,78 1,55 1,51 1,44 0,91 0,93
Exon_other Intron_unique_j_ei Intron_1_j_ei Intron_last_j_ei Intron_other_j_ei Intron_unique_j_ie Intron_last_j_ie Intron_last_j_ie Intron_last_j_ie Intron_other_j_ie Intron_	1,44 2,79 2,85 1,72 1,64 1,81 1,63 1,62 1,53 0,93 0,95 * means <1/1000 G4H1 * * * * * * * * *	1,46 3,66 3,76 2,08 1,95 2,13 1,90 1,90 1,77 0,91 0,93	1,27 4,86 5,06 2,51 2,35 2,25 2,10 2,16 2,00 0,87 0,90 G4H1.5 * * * * * * *	1,07 5,86 5,90 2,75 2,56 2,42 2,15 2,18 2,05 0,85 0,89	0,86 6,33 6,34 2,75 2,58 2,65 2,09 2,17 1,89 0,85 0,90 G4H2 * * * * *	0,97 7,98 8,04 3,38 3,29 2,61 2,32 2,26 2,23 0,83 0,89	1,32 6,79 7,41 3,20 3,08 2,68 2,45 2,44 2,38 0,83 0,88	1,58 2,98 3,03 1,72 1,64 1,78 1,55 1,51 1,44 0,91 0,93
Exon_other Intron_unique_j_ei Intron_1 j_ei Intron_last_j_ei Intron_other_j_ei Intron_unique_j_ie Intron_unique_j_ie Intron_last_j_ie Intron_last_j_ie Intron_other_j_ei Intron_other_j_ie Intron_other_j_ie Intron_other_j_ie Intron_other_j_ie Intron_other_j_ie Intron_other_j_ie Intron_other_j_ie Intron_other_j_ie Intron_other_j_ie Intron_unique Intron_last	1,44 2,79 2,85 1,72 1,64 1,81 1,63 1,62 1,53 0,93 0,95 * means <1/1000 G4H1 * * * * * * * * *	1,46 3,66 3,76 2,08 1,95 2,13 1,90 1,90 1,77 0,91 0,93 G4H1.2 * * * * * * * *	1,27 4,86 5,06 2,51 2,35 2,25 2,10 2,16 2,00 0,87 0,90 G4H1.5 * * * * * * * *	1,07 5,86 5,90 2,75 2,56 2,42 2,15 2,18 2,05 0,85 0,89	0,86 6,33 6,34 2,75 2,58 2,65 2,09 2,17 1,89 0,85 0,90 G4H2 * * * * * *	0,97 7,98 8,04 3,38 3,29 2,61 2,32 2,26 2,23 0,83 0,89	1,32 6,79 7,41 3,20 3,08 2,68 2,45 2,44 2,38 0,83 0,88	1,58 2,98 3,03 1,72 1,64 1,78 1,55 1,51 1,44 0,91 0,93
Exon_other Intron_unique_j_ei Intron_1_j_ei Intron_last_j_ei Intron_other_j_ei Intron_unique_j_ie Intron_last_j_ie Intron_last_j_ie Intron_other_j_ei Intron_other_j_ei Intron_other_j_ei IntergennoP Intergen p-value by resamplir Genomic feature Prom CDS UTR5p UTR3p UTR3p Intron_unique Intron_1 Intron_last Intron_last Intron_other	1,44 2,79 2,85 1,72 1,64 1,81 1,63 1,62 1,53 0,93 0,95 * means <1/1000 G4H1 * * * * * * 1,00	1,46 3,66 3,76 2,08 1,95 2,13 1,90 1,90 1,77 0,91 0,93 G4H1.2 * * * * * * * * * * * * * * * * * * *	1,27 4,86 5,06 2,51 2,35 2,25 2,10 2,16 2,00 0,87 0,90 G4H1.5 * * * * * * * * * * * * * * * * * * *	1,07 5,86 5,90 2,75 2,56 2,42 2,15 2,18 2,05 0,85 0,89	0,86 6,33 6,34 2,75 2,58 2,65 2,09 2,17 1,89 0,85 0,90 G4H2 * * * * 1,00	0,97 7,98 8,04 3,38 3,29 2,61 2,32 2,26 2,23 0,83 0,89 QP37 * * * * * 0,92	1,32 6,79 7,41 3,20 3,08 2,68 2,45 2,44 2,38 0,83 0,83 0,88	1,58 2,98 3,03 1,72 1,64 1,78 1,55 1,51 1,44 0,91 0,93
Exon_other Intron_unique_j_ei Intron_1_j_ei Intron_last_j_ei Intron_other_j_ei Intron_unique_j_ie Intron_last_j_ie Intron_other_j_ei Intron_other_j_ei Intron_other_j_ie Intron_other_j_ie IntergennoP Intergen p-value by resamplir Genomic feature Prom CDS UTR5p UTR3p UTR3p Intron_unique Intron_1 Intron_last Intron_other Exon_unique	1,44 2,79 2,85 1,72 1,64 1,81 1,63 1,62 1,53 0,93 0,95 * means <1/1000 G4H1 * * * * * * * * * * * * *	1,46 3,66 3,76 2,08 1,95 2,13 1,90 1,90 1,77 0,91 0,93 G4H1.2 * * * * * * * * * * * * * * * * * * *	1,27 4,86 5,06 2,51 2,35 2,25 2,10 2,16 2,00 0,87 0,90 G4H1.5 * * * * * * * * * * * * *	1,07 5,86 5,90 2,75 2,56 2,42 2,15 2,18 2,05 0,85 0,89 G4H1.75 * * * * * * * * * * * * *	0,86 6,33 6,34 2,75 2,58 2,65 2,09 2,17 1,89 0,85 0,90 G4H2 * * * 1,000 *	0,97 7,98 8,04 3,38 3,29 2,61 2,32 2,26 2,23 0,83 0,89 QP37 * * * * * * * * * * * * *	1,32 6,79 7,41 3,20 3,08 2,68 2,45 2,44 2,38 0,83 0,88 QP312 * * * *	1,58 2,98 3,03 1,72 1,64 1,78 1,55 1,51 1,44 0,91 0,93
Exon_other Intron_unique_j_ei Intron_1_j_ei Intron_last_j_ei Intron_other_j_ei Intron_unique_j_ie Intron_1_j_ei Intron_last_j_ei Intron_last_j_ie Intron_last_j_ie Intron_last_j_ie Intron_last_j_ie Intron_last_j_ie Intron_last_j_ie Intron_last_j_ie Intron_last_j_ie Intron_unique Intron_unique Intron_1 Intron_unique Intron_last Intron_other Exon_unique Exon_1	1,44 2,79 2,85 1,72 1,64 1,81 1,63 1,62 1,53 0,93 0,95 * means <1/1000 G4H1 * * * * * * 1,00	1,46 3,66 3,76 2,08 1,95 2,13 1,90 1,90 1,77 0,91 0,93 G4H1.2 * * * * * * * * * * * * *	1,27 4,86 5,06 2,51 2,35 2,25 2,10 2,16 2,00 0,87 0,90 G4H1.5 * * * * * * * * * * * * *	1,07 5,86 5,90 2,75 2,56 2,42 2,15 2,18 2,05 0,85 0,89	0,86 6,33 6,34 2,75 2,58 2,65 2,09 2,17 1,89 0,85 0,90 G4H2 * * * * 1,00 * *	0,97 7,98 8,04 3,38 3,29 2,61 2,32 2,26 2,23 0,83 0,89	1,32 6,79 7,41 3,20 3,08 2,68 2,45 2,44 2,38 0,83 0,88 QP312 * * * * *	1,58 2,98 3,03 1,72 1,64 1,78 1,55 1,51 1,44 0,91 0,93
Exon_other Intron_unique_j_ei Intron_1_j_ei Intron_last_j_ei Intron_other_j_ei Intron_unique_j_ie Intron_last_j_ei Intron_last_j_ei Intron_last_j_ie Intron_last_j_ie Intron_last_j_ie Intron_last_j_ie Intron_last_j_ie Intron_last_j_ie Intron_other_j_ie intergen p-value by resamplir Genomic feature Prom CDS UTR5p UTR3p Intron_unique Intron_1 Intron_last Intron_last Intron_other Exon_unique Exon_1 Exon_last	1,44 2,79 2,85 1,72 1,64 1,81 1,63 1,62 1,53 0,93 0,95 * means <1/1000 G4H1 * * * * * * * * * * * * *	1,46 3,66 3,76 2,08 1,95 2,13 1,90 1,90 1,77 0,91 0,93 G4H1.2 * * * * * * * * * * * * *	1,27 4,86 5,06 2,51 2,35 2,25 2,10 2,16 2,00 0,87 0,90 G4H1.5 * * * 0,005 * * * * * * * * * * * * *	1,07 5,86 5,90 2,75 2,56 2,42 2,15 2,18 2,05 0,85 0,89	0,86 6,33 6,34 2,75 2,58 2,65 2,09 2,17 1,89 0,85 0,90 G4H2 * * * 1,00 * * *	0,97 7,98 8,04 3,38 3,29 2,61 2,32 2,26 2,23 0,83 0,89	1,32 6,79 7,41 3,20 3,08 2,68 2,45 2,44 2,38 0,83 0,88 QP312 * * * * * * * * * * * * * * * * * * *	1,58 2,98 3,03 1,72 1,64 1,78 1,55 1,51 1,44 0,91 0,93
Exon_other Intron_unique_j_ei Intron_1_j_ei Intron_last_j_ei Intron_other_j_ei Intron_unique_j_ie Intron_unique_j_ie Intron_last_j_ie Intron_last_j_ie Intron_last_j_ie Intron_last_j_ie Intron_last_j_ie Intron_other_j_ie intergenno intergen p-value by resamplir Genomic feature Prom CDS UTR5p UTR3p Intron_unique Intron_1 Intron_last Intron_last Intron_unique Exon_1 Exon_unique Exon_1 Exon_last Exon_other	1,44 2,79 2,85 1,72 1,64 1,81 1,63 1,62 1,53 0,93 0,95 * means <1/1000 G4H1 * * * * * * * * * * * * *	1,46 3,66 3,76 2,08 1,95 2,13 1,90 1,90 1,77 0,91 0,93 G4H1.2 * * * * * * * * * * * * * * * * * * *	1,27 4,86 5,06 2,51 2,35 2,25 2,10 2,16 2,00 0,87 0,90 G4H1.5 * * * * * * * * * * * * * * * * * *	1,07 5,86 5,90 2,75 2,56 2,42 2,15 2,18 2,05 0,85 0,89	0,86 6,33 6,34 2,75 2,58 2,65 2,09 2,17 1,89 0,85 0,90 G4H2 * * * * 1,00	0,97 7,98 8,04 3,38 3,29 2,61 2,32 2,26 2,23 0,83 0,89 QP37 * * * * * * * * * * * * * * * * * * *	1,32 6,79 7,41 3,20 3,08 2,68 2,45 2,44 2,38 0,83 0,88 QP312 * * * * *	1,58 2,98 3,03 1,72 1,64 1,78 1,55 1,51 1,44 0,91 0,93
Exon_other Intron_unique_j_ei Intron_1_j_ei Intron_last_j_ei Intron_other_j_ei Intron_unique_j_ie Intron_unique_j_ie Intron_last_j_ie Intron_last_j_ie Intron_last_j_ie Intron_last_j_ie Intron_last_j_ie Intron_other_j_ie intergennoP intergen p-value by resamplir Genomic feature Prom CDS UTR5p UTR3p Intron_unique Intron_1 Intron_last Intron_last Intron_other Exon_unique Exon_1 Exon_last Exon_last Exon_other Intron_unique_j_ei	1,44 2,79 2,85 1,72 1,64 1,81 1,63 1,62 1,53 0,93 0,95 * means <1/1000 G4H1 * * * * * * * * * * * * *	1,46 3,66 3,76 2,08 1,95 2,13 1,90 1,90 1,77 0,91 0,93 G4H1.2 * * * * * * * * * * * * * * * * * * *	1,27 4,86 5,06 2,51 2,35 2,25 2,10 2,16 2,00 0,87 0,90 G4H1.5 * * * 0,005 * * * * * * * * * * * * *	1,07 5,86 5,90 2,75 2,56 2,42 2,15 2,18 2,05 0,85 0,89 G4H1.75 * * * * * * * * * * * * *	0,86 6,33 6,34 2,75 2,58 2,65 2,09 2,17 1,89 0,85 0,90 G4H2 * * * * 1,000 * *	0,97 7,98 8,04 3,38 3,29 2,61 2,32 2,26 2,23 0,83 0,89 QP37 * * * * * * * * * * * * * * * * * * *	1,32 6,79 7,41 3,20 3,08 2,68 2,45 2,44 2,38 0,83 0,88 QP312 * * * * * * * * * * * * * * * * * * *	1,58 2,98 3,03 1,72 1,64 1,78 1,55 1,51 1,44 0,91 0,93
Exon_other Intron_unique_j_ei Intron_1 j_ei Intron_last_j_ei Intron_other_j_ei Intron_unique_j_ie Intron_unique_j_ie Intron_last_j_ie Intron_last_j_ie Intron_other_j_ei Intron_other_j_ei Intron_other_j_ie Intron_other_j_ie Intron_other_j_ie Intron_other_j_ie Intron_other_j_ie Intron_other_ie Intron_other_ie Intron_unique Intron_1 Intron_last Intron_other Intron_unique Intron_last Intron_other Intron_last Intron_other Intron_last Intron_other Intron_last Intron_other Intron_other Intron_unique_j_ei Intron_l_j_ei	1,44 2,79 2,85 1,72 1,64 1,81 1,63 1,62 1,53 0,93 0,95 * means <1/1000 G4H1 * * * * * * * * * * * * *	1,46 3,66 3,76 2,08 1,95 2,13 1,90 1,90 1,77 0,91 0,93 G4H1.2 * * * * * * * * * * * * * * * * * * *	1,27 4,86 5,06 2,51 2,35 2,25 2,10 2,16 2,00 0,87 0,90 G4H1.5 * * * * * * * * * * * * *	1,07 5,86 5,90 2,75 2,56 2,42 2,15 2,18 2,05 0,85 0,89	0,86 6,33 6,34 2,75 2,58 2,65 2,09 2,17 1,89 0,85 0,90 G4H2 * * * * 1,00	0,97 7,98 8,04 3,38 3,29 2,61 2,32 2,26 2,23 0,83 0,89 QP37 * * * * * * * * * * * * * * * * * * *	1,32 6,79 7,41 3,20 3,08 2,68 2,45 2,44 2,38 0,83 0,88 QP312 * * * * * * * * * * * * * * * * * * *	1,58 2,98 3,03 1,72 1,64 1,78 1,55 1,51 1,44 0,91 0,93
Exon_other Intron_unique_j_ei Intron_1_j_ei Intron_last_j_ei Intron_other_j_ei Intron_unique_j_ei Intron_last_j_ei Intron_last_j_ie Intron_last_j_ie Intron_other_j_ei Intron_other_j_ei Intron_other_j_ei Intron_other_j_ei Intron_other_j_ei Intron_other_j_ei Intron_other_j_ei Intron_other_j_ei Intron_unique Intron_unique Intron_last Intron_other Exon_unique Exon_1 Exon_last Exon_other Intron_unique_j_ei Intron_last_j_ei Intron_last_j_ei	1,44 2,79 2,85 1,72 1,64 1,81 1,63 1,62 1,53 0,93 0,95 * means <1/1000 G4H1 * * * * * * * * * * * * *	1,46 3,66 3,76 2,08 1,95 2,13 1,90 1,90 1,77 0,91 0,93 G4H1.2 * * * * * * * * * * * * * * * * * * *	1,27 4,86 5,06 2,51 2,35 2,25 2,10 2,16 2,00 0,87 0,90 G4H1.5 * * * * * * * * * * * * *	1,07 5,86 5,90 2,75 2,56 2,42 2,15 2,18 2,05 0,85 0,89 G4H1.75 * * * * * * * * * * * * *	0,86 6,33 6,34 2,75 2,58 2,65 2,09 2,17 1,89 0,85 0,90 G4H2 * * * 1,00 * * * 1,00 * * *	0,97 7,98 8,04 3,38 3,29 2,61 2,32 2,26 2,23 0,83 0,89 QP37 * * * * 0,92 * * 0,98 * * * * * * * * * * * * *	1,32 6,79 7,41 3,20 3,08 2,68 2,45 2,44 2,38 0,83 0,88 QP312 * * * * * * * * * * * * * * * * * * *	1,58 2,98 3,03 1,72 1,64 1,78 1,55 1,51 1,44 0,91 0,93
Exon_other Intron_unique_j_ei Intron_1_j_ei Intron_last_j_ei Intron_other_j_ei Intron_other_j_ei Intron_last_j_ei Intron_last_j_ie Intron_last_j_ie Intron_last_j_ie Intron_last_j_ie Intron_last_j_ie Intron_last_j_ie Intron_last_j_ie Intron_other_j_ie Intron_unique Intron_1 Intron_last Intron_other Exon_unique Exon_1 Exon_last Exon_other Intron_unique_j_ei Intron_l_j_ei Intron_last_j_ei Intron_last_j_ei Intron_last_j_ei Intron_last_j_ei Intron_lother_j_ei	1,44 2,79 2,85 1,72 1,64 1,81 1,63 1,62 1,53 0,93 0,95 * means <1/1000 G4H1 * * * * * * * * * * * * *	1,46 3,66 3,76 2,08 1,95 2,13 1,90 1,90 1,77 0,91 0,93 G4H1.2 * * * * * * * * * * * * *	1,27 4,86 5,06 2,51 2,35 2,25 2,10 2,16 2,00 0,87 0,90 G4H1.5 * * * * * * * * * * * * *	1,07 5,86 5,90 2,75 2,56 2,42 2,15 2,18 2,05 0,85 0,89 G4H1.75 * * * * * * * * * * * * *	0,86 6,33 6,34 2,75 2,58 2,65 2,09 2,17 1,89 0,85 0,90 G4H2 * * * * 1,00 * * 1,00 * *	0,97 7,98 8,04 3,38 3,29 2,61 2,32 2,26 2,23 0,83 0,89 QP37 * * * 0,92 * 0,98 * 1,098 * 1,098	1,32 6,79 7,41 3,20 3,08 2,68 2,45 2,44 2,38 0,83 0,88 QP312 * * * * * * * * * * * * * * * * * * *	1,58 2,98 3,03 1,72 1,64 1,78 1,55 1,51 1,44 0,91 0,93
Exon_other Intron_unique_j_ei Intron_1_j_ei Intron_last_j_ei Intron_other_j_ei Intron_other_j_ei Intron_last_j_ie Intron_last_j_ie Intron_last_j_ie Intron_last_j_ie Intron_last_j_ie Intron_last_j_ie Intron_last_j_ie Intron_last_j_ie Intron_other_j_ie Intron_other_j_ie Intron_other_last_Intron_last_Intron_last_Intron_last_Intron_last_Intron_last_Intron_last_Intron_last_Intron_last_Intron_last_Intron_last_Intron_last_Intron_last_Intron_last_Intron_last_Intron_last_Intron_last_Intron_last_Intron_last_iei Intron_last_j_ei Intron_last_j_ei Intron_unique_j_ei Intron_unique_j_iei	1,44 2,79 2,85 1,72 1,64 1,81 1,63 1,62 1,53 0,93 0,95 * means <1/1000 G4H1 * * * * * * * * * * * * *	1,46 3,66 3,76 2,08 1,95 2,13 1,90 1,90 1,77 0,91 0,93 G4H1.2 * * * * * * * * * * * * *	1,27 4,86 5,06 2,51 2,35 2,25 2,10 2,16 2,00 0,87 0,90 G4H1.5 * * * * * * * * * * * * *	1,07 5,86 5,90 2,75 2,56 2,42 2,15 2,18 2,05 0,85 0,89 G4H1.75 * * * * * * * * * * * * *	0,86 6,33 6,34 2,75 2,58 2,65 2,09 2,17 1,89 0,85 0,90 G4H2 * * * 1,00 * * * 1,00 * * *	0,97 7,98 8,04 3,38 3,29 2,61 2,32 2,26 2,23 0,83 0,89 QP37 * * * 0,92 * 0,98 * 1,098 * 1,098	1,32 6,79 7,41 3,20 3,08 2,68 2,45 2,44 2,38 0,83 0,88 QP312 * * * * * * * * * * * * * * * * * * *	1,58 2,98 3,03 1,72 1,64 1,78 1,55 1,51 1,44 0,91 0,93
Exon_other Intron_unique_j_ei Intron_1_j_ei Intron_last_j_ei Intron_other_j_ei Intron_unique_j_ie Intron_unique_j_ie Intron_last_j_ie Intron_other_j_ie Intron_last_j_ie Intron_last_j_ie Intron_other_j_ie Intron_last_intergen p-value by resamplir Genomic feature Prom CDS UTRSp UTRSp UTRSp UTRSp Intron_unique Intron_1 Intron_last Intron_other Exon_unique Exon_1 Exon_last Exon_other Intron_unique_j_ei Intron_last_j_ei Intron_other_j_ei Intron_other_j_ei Intron_1_j_iei Intron_1_j_iei Intron_1_1_j_iei Intron_1_1_j_iei Intron_1_1_j_iei Intron_1_1_j_iei Intron_1_1_j_iei Intron_1_1_j_iei Intron_1_1_j_iei	1,44 2,79 2,85 1,72 1,64 1,81 1,63 1,62 1,53 0,93 0,95 * means <1/1000 G4H1 * * * * * * * * * * * * *	1,46 3,66 3,76 2,08 1,95 2,13 1,90 1,90 1,77 0,91 0,93 G4H1.2 * * * * * * * * * * * * *	1,27 4,86 5,06 2,51 2,35 2,25 2,10 2,16 2,00 0,87 0,90 G4H1.5 * * * * * * * * * * * * *	1,07 5,86 5,90 2,75 2,56 2,42 2,15 2,18 2,05 0,85 0,89 G4H1.75 * * * * * * * * * * * * *	0,86 6,33 6,34 2,75 2,58 2,65 2,09 2,17 1,89 0,85 0,90 G4H2 * * * 1,00 * * * 1,00 * * *	0,97 7,98 8,04 3,38 3,29 2,61 2,32 2,26 2,23 0,83 0,89 QP37 * * * 0,92 * 0,98 * 1,098 * 1,098	1,32 6,79 7,41 3,20 3,08 2,68 2,45 2,44 2,38 0,83 0,88 QP312 * * * * * * * * * * * * * * * * * * *	1,58 2,98 3,03 1,72 1,64 1,78 1,55 1,51 1,44 0,91 0,93
Exon_other Intron_unique_j_ei Intron_1_j_ei Intron_tast_j_ei Intron_other_j_ei Intron_unique_j_ie Intron_unique_j_ie Intron_last_j_ie Intron_dther_j_ei Intron_ether_j_ei Intron_other_j_ie Intron_other_j_ie Intron_other_j_ie Intron_other_j_ie Intron_tast_ie Intron_unique Intron_1 Intron_last Intron_unique Exon_1 Exon_last Exon_other Intron_last Intron_last_j_ei Intron_unique_j_ei Intron_unique_j_ie Intron_unique_j_ie Intron_unique_j_ie Intron_unique_j_ie Intron_unique_j_ie Intron_unique_j_ie Intron_unique_j_ie Intron_last_j_ie	1,44 2,79 2,85 1,72 1,64 1,81 1,63 1,62 1,53 0,93 0,95 * means <1/1000 G4H1 * * * * * * * * * * * * *	1,46 3,66 3,76 2,08 1,95 2,13 1,90 1,90 1,77 0,91 0,93 G4H1.2 * * * * * * * * * * * * * * * * * * *	1,27 4,86 5,06 2,51 2,35 2,25 2,10 2,16 2,00 0,87 0,90 G4H1.5 * * * * * * * * * * * * *	1,07 5,86 5,90 2,75 2,56 2,42 2,15 2,18 2,05 0,85 0,89 G4H1.75 * * * * * * * * * * * * *	0,86 6,33 6,34 2,75 2,58 2,65 2,09 2,17 1,89 0,85 0,90 G4H2 * * * 1,000 * * * * * * * * * * * * * * * * * *	0,97 7,98 8,04 3,38 3,29 2,61 2,32 2,26 2,23 0,83 0,89 QP37 * * * 0,92 * 0,98 * 1,098 * 1,098	1,32 6,79 7,41 3,20 3,08 2,68 2,45 2,44 2,38 0,83 0,88 QP312 * * * * * * * * * * * * * * * * * * *	1,58 2,98 3,03 1,72 1,64 1,78 1,55 1,51 1,44 0,91 0,93
Exon_other Intron_unique_j_ei Intron_1_j_ei Intron_last_j_ei Intron_other_j_ei Intron_unique_j_ie Intron_unique_j_ie Intron_last_j_ie Intron_other_j_ei Intron_other_j_ei Intron_other_j_ie Intron_other_j_ie Intron_other_j_ie Intron_other_intron_unique Intron_1 Intron_last Intron_other Exon_unique Exon_1 Exon_last Exon_other Intron_last_j_ei Intron_last_j_ei Intron_last_j_ei Intron_last_j_ie Intron_last_j_ie Intron_last_j_ie Intron_last_j_ie Intron_last_j_ie Intron_last_j_ie Intron_last_j_ie Intron_last_j_ie Intron_last_j_ie Intron_other_j_ie Intron_other_j_ie	1,44 2,79 2,85 1,72 1,64 1,81 1,63 1,62 1,53 0,93 0,95 * means <1/1000 G4H1 * * * * * * * * * * * * *	1,46 3,66 3,76 2,08 1,95 2,13 1,90 1,90 1,77 0,91 0,93 G4H1.2 * * * * * * * * * * * * *	1,27 4,86 5,06 2,51 2,35 2,25 2,10 2,16 2,00 0,87 0,90 G4H1.5 * * * * * * * * * * * * *	1,07 5,86 5,90 2,75 2,56 2,42 2,15 2,18 2,05 0,85 0,89 G4H1.75 * * * * * * * * * * * * *	0,86 6,33 6,34 2,75 2,58 2,65 2,09 2,17 1,89 0,85 0,90 G4H2 * * * * 1,000 * * * * * * * * * * * * * * * * * *	0,97 7,98 8,04 3,38 3,29 2,61 2,32 2,26 2,23 0,83 0,89 QP37 * * * * 0,92 * * 0,98 * * * * * * * * * * * * *	1,32 6,79 7,41 3,20 3,08 2,68 2,45 2,44 2,38 0,83 0,88 QP312 * * * * * * * * * * * * *	1,58 2,98 3,03 1,72 1,64 1,78 1,55 1,51 1,44 0,91 0,93 QP27 * * * * * * * * * * * * *
Exon_other Intron_unique_j_ei Intron_1_j_ei Intron_last_j_ei Intron_other_j_ei Intron_unique_j_ie Intron_unique_j_ie Intron_last_j_ie Intron_other_j_ei Intron_last_j_ie Intron_other_j_ie intergennoP intergen p-value by resamplir Genomic feature Prom CDS UTR5p UTR3p Intron_unique Intron_1 Intron_last Intron_other Exon_unique Exon_1 Exon_last Exon_other Intron_unique_j_ei Intron_l_j_ei Intron_last_j_ei Intron_unique_j_ie Intron_unique_j_ie Intron_l_j_ie Intron_last_j_ie Intron_last_j_ie	1,44 2,79 2,85 1,72 1,64 1,81 1,63 1,62 1,53 0,93 0,95 * means <1/1000 G4H1 * * * * * * * * * * * * *	1,46 3,66 3,76 2,08 1,95 2,13 1,90 1,90 1,77 0,91 0,93 G4H1.2 * * * * * * * * * * * * * * * * * * *	1,27 4,86 5,06 2,51 2,35 2,25 2,10 2,16 2,00 0,87 0,90 G4H1.5 * * * * * * * * * * * * *	1,07 5,86 5,90 2,75 2,56 2,42 2,15 2,18 2,05 0,85 0,89 G4H1.75 * * * * * * * * * * * * *	0,86 6,33 6,34 2,75 2,58 2,65 2,09 2,17 1,89 0,85 0,90 G4H2 * * * 1,000 * * * * * * * * * * * * * * * * * *	0,97 7,98 8,04 3,38 3,29 2,61 2,32 2,26 2,23 0,83 0,89 QP37 * * * 0,92 * 0,98 * 1,098 * 1,098	1,32 6,79 7,41 3,20 3,08 2,68 2,45 2,44 2,38 0,83 0,88 QP312 * * * * * * * * * * * * * * * * * * *	1,58 2,98 3,03 1,72 1,64 1,78 1,55 1,51 1,44 0,91 0,93