分治算法在链表中的应用

原创 尚子皓 LOA算法学习笔记 2021-02-20 20:08

分治算法将原问题分解为规模较小的独立子问题,并将子问题的解组合为原问题的解。分治在数组结构的应用非常广泛,例如排序问题中有基于下标划分的归并排序,基于元素值划分的快速排序等。链表和数组的访问方式有所不同,本文通过两个例子展示在链表结构中如何应用分治算法。

01 排序链表

1.1 问题描述

给出一个单链表的头节点head,将链表中元素从小到大排序,并返回排序后的链表。例如:输入链表[4,2,1,3],正确输出为[1,2,3,4]。

1.2 算法描述

首先回顾一下数组中的常用排序算法。冒泡排序,插入排序,简单选择排序的平均时间复杂度均为 $O(n^2)$,暂不考虑。归并排序,堆排序和快速排序的时间复杂度为 $O(n\log n)$ 。数组中可以通过下标直接访问元素,链表则需要指针间接访问,在快速排序和堆排序中都有下标访问元素的需求,因此归并排序最适合于链表结构。

对链表进行归并排序的步骤如下:

- (1) 找到链表的中点,将链表以中点为界分为左右两个子链表。寻找中点可以使用快慢指针。令快指针fast和慢指针 slow均指向头结点head, fast每次移动两步, slow每次移动一步, 当slow移动到链表末尾(指向NULL)时, fast指向位置即为链表中点。
- (2) 使用递归的方法对两个子链表进行排序。
- (3) 将排序后的两个子链表进行合并(merge)。合并方法为用两个指针分别指向子链表的头结点,将当前两个指针中值较小的节点加入新建的合并链表,同时原指向该节点的指针后移,直到某一指针移动到链表末尾(指向NULL)停止。最后若某一链表有剩余节点,直接接在合并链表后面即可。

1.3 代码实现

```
int val;
ListNode *next;
ListNode(): val(0), next(nullptr) {}
ListNode(int x): val(x), next(nullptr) {}
ListNode(int x, ListNode *next): val(x), next(next) {}
};
ListNode* mergeSort(ListNode *head)
{
if(head == nullptr || head->next == nullptr) return head;
if(head->next->next == nullptr)
{
if(head->val > head->next->val)
{
```

```
int temp = head->val;
                head->val = head->next->val;
                head->next->val = temp;
            return head;
        ListNode *fast = head, *slow = head;
        while(fast != nullptr && fast->next != nullptr)
        {
            fast = fast->next->next;
            slow = slow->next;
        }
        ListNode *mid = slow->next;
        slow->next = nullptr;
        ListNode *leftHalf = mergeSort(head);
        ListNode *rightHalf = mergeSort(mid);
        return merge(leftHalf, rightHalf);
35 }
   ListNode* merge(ListNode *1, ListNode *r)
        ListNode *dummyNode = new ListNode(∅);
        ListNode *cur = dummyNode;
        while(1 != nullptr && r != nullptr)
            if(1->val < r->val)
            {
                cur->next = 1;
                cur = cur->next;
                1 = 1 \rightarrow \text{next};
            }
            else
            {
                cur->next = r;
                cur = cur->next;
                r = r - > next;
            }
        cur->next = (1 == nullptr ? r : 1);
        return dummyNode->next;
}
```

02 合并k个排序链表

2.1 问题描述

排序链表指的是链表中的元素是从小到大排序的。给出k个排序链表,将所有链表合并为一个排序链表并返回。 例如:输入3个链表为[[1,4,5],[1,3,4],[2,6]],正确输出为[1,1,2,3,4,4,5,6]。

2.2 算法描述

(1) 顺序合并

合并两个排序链表的方法即排序链表问题中的merge过程,已经给出。对于k个排序链表的合并,最朴素的想法是先将其中两个链表进行合并,合并的结果res再和第三个链表合并,以此类推,直到res和第k个链表合并。

时间复杂度:假设每个链表的最大长度为n,第i次合并后,res长度为i*n,第i次合并花费时间为O(i*n),总时间复杂度为 $O(\sum_{i=1}^k (i*n)) = O(k^2*n)$ 。

(2) 分治合并

我们尝试用分治法优化时间复杂度,采用类似归并排序的思想。先将k个链表两两配对,进行合并,得到k/2个链表,平均长度为2n/k,然后将k/2个链表两两合并为k/4个链表,以此类推,直到得到一个有序链表。

具体实现可以用递归的方法。递归终止条件为:输入链表数量为0时,返回NULL;数量为1,返回其本身;数量为2时,将两个排序链表合并后返回。输入链表数量大于2时,按顺序从中间分为左右两组链表,分别递归地进行合并,得两条排序链表。最后将这两条排序链表进行合并并返回结果。

时间复杂度:第一轮合并k/2组链表,每一组耗时O(2n);第二轮合并k/4组链表,每一组耗时O(4n)。以此类推,总时间复杂度为 $O(\sum_{i=1}^{\infty} k/2^i*2^in) = O(logk*kn)$ 。

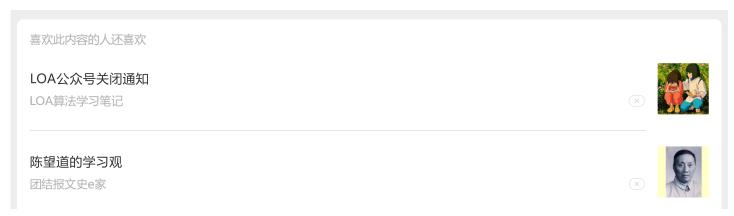
2.3 代码实现

```
□ struct ListNode
≅ {
       int val;
       ListNode *next;
       ListNode(): val(0), next(nullptr){}
       ListNode(int x): val(x), next(nullptr){}
       ListNode(int x, ListNode *next): val(x), next(next){}
 };
" //顺序合并
ListNode* mergeKLists(vector& lists)
       int N = lists.size();
       if(N == 0) return nullptr;
       ListNode* res = lists[0];
       for(int i = 1; i < N; i++)</pre>
           res = mergeTwoLists(res, lists[i]);
       return res;
23 }
ListNode* mergeKLists(vector& lists)
       int N = lists.size();
       if(N == 0) return nullptr;
       if(N == 1) return lists[0];
       if(N == 2) return mergeTwoLists(lists[0], lists[1]);
```

```
int mid = N / 2;
       vector leftLists(lists.begin(), lists.begin() + mid);
       vector rightLists(lists.begin() + mid, lists.end());
        return mergeTwoLists(mergeKLists(leftLists), mergeKLists(rightLists));
35 }
36 //合并两个排序链表
ListNode* mergeTwoLists(ListNode* 11, ListNode* 12)
       if(l1 == nullptr && l2 == nullptr) return nullptr;
       ListNode *13 = new ListNode(-1);
        ListNode *13_head = 13;
        while(l1 != nullptr && l2 != nullptr)
            if(l1->val < l2->val)
            {
                13 - \text{next} = 11;
                13 = 13->next;
               11 = 11->next;
            }
            else
                13 - \text{next} = 12;
               13 = 13->next;
                12 = 12 \rightarrow \text{next};
            }
        13->next = (11 == nullptr ? 12 : 11);
        return 13_head->next;
59 }
```

03 总结

本文通过排序链表和合并k个排序链表两个问题展示了分治算法在链表结构中的应用,往往可以有效地将时间复杂度从 $O(n^2)$ 级别降低到O(nlogn)级别。链表中的元素不像数组可以用下标直接访问,因此对其处理时需要一些技巧,如用快慢指针求链表的中点。而对于多个链表的处理,我们可以先将每个链表看作一个整体,进行宏观上的处理,然后再用技巧处理链表中的每个节点,从而达到目的。



锐评 | 日本年度防卫预算"脱缰" , 总额首超6万亿日元

央广军事



