

//SCRIPT1:

fissiamo una tolleranza per usarla come criterio di stop. Possiamo usare 2 metodi:

- richiedendo che la differenza in norma di due iterazioni sia minore di una certa tolleranza (scarto tra due iterazioni assoluto)
- la differenza in norma di due iterazioni diviso la norma del vettore al passo x_k sia inferiore sempre di una certa tolleranza (scarto relativo)

differenze tra i due scarti: cambia il fatto che, mentre nella prima non c'è indicazione sull'ordine di grandezza dei vettori che stiamo andando a considerare, nella seconda noi stiamo calcolando il rapporto rispetto alla norma dell'approssimazione e stiamo ignorando l'ordine di grandezza.

Fissata la tolleranza, noi andremo a controllare se il numero di cifre tra x_{k+1} e x_k coincide per il numero che abbiamo fissato noi.

Quindi, se abbiamo fissato una tolleranza di 10^{-3} allora controllando lo scarto relativo andiamo a vedere se $k+1$ e k coincidono per 3 cifre significative. Dunque ciò che fisso è il numero di cifre che voglio che coincidano nei 2 vettori. Questo sarà il nostro criterio di stop.

Per evitare casi in cui questo diventa molto piccolo (e rischiando di creare instabilità), alla fine riscriviamo portando la norma di x_k al numeratore dall'altra parte, quindi il nostro criterio di stop sarà minore di una certa tolleranza per la norma di x_k

Questo è il metodo ideale di quando converge, bisogna affiancare un metodo di sicurezza in caso il metodo non converga, per non cadere in un loop infinito. Inseriamo quindi un numero di stop k basato sul numero di iterazioni. Cicliamo quindi con un while fino a che k è minore di un certo k_{max} che fissiamo noi

Quindi utilizzeremo 2 criteri di stop:

- quello riferito allo scarto di due iterazioni (convergenza)
- quello riferito al numero di iterazioni (non convergenza)

-----SCRIPT- jacobi-----

//creo una function che mi renda in output l'approssimazione che si ottiene applicando il metodo di jacobi per risolvere il sistema lineare $Ax=b$

Mi serve in **input**:

- la matrice dei coefficienti (A)
- il vettore dei termini noti (b)
- un vettore di innesco, richiesto da ogni metodo iterativo (x_0)
- criterio di stop /tolleranza di convergenza (τ)
- criterio di stop di non convergenza (k_{max})

Cosa mi interessa ricevere in **output**:

- l'approssimazione della soluzione (x)
- il numero di iterazioni fatte per raggiungere l'approssimazione (k)

function [**x,k**] = jacobi(**A,b,x0,tau,kmax**)

//posso chiamarla jacobi perché non esiste in matlab nessuna function con questo nome

//devo costruire le matrici dello splitting additivo D,E,F

```

D = diag(diag(A)); //matrice diagonale che contiene la diagonale di A
E = -tril(A,-1); //matrice che contiene tutto ciò che c'è sopra la diagonale(-1) di A cambiato di segno
F = -triu(A,1); //matrice che contiene tutto ciò che c'è sotto la diagonale(1) di A cambiato di segno
//implementiamo il passo iterativo
//Noi dobbiamo calcolare  $x_{k+1}=Bx_k+f$ . A noi non serve memorizzare tutte le approssimazioni di tutti i passi
che compio, perché  $x_{k+1}$  dipende solo dall'  $x$  precedente, e il criterio di stop prende in considerazione solo i
vettori  $x_{k+1}$  e  $x_k$ 

```

```

B = D\(E+F); //calcolo il valore di  $B=D^{-1}(E+F)$ 
f = D\b; //calcolo il valore di  $f=D^{-1}b$ 
flag = 1;
k = 0;
x_new = x0; //al primo passo avrò un solo vettore

while flag
//primo passo: ho x0 in ingresso, quindi calcolo x_new semplicemente applicando la formula
    x0 = x_new; //ad ogni iterazione inserisco il valore di x_new nella var x0
    x_new = B*x0 + f;
    k = k+1;
//vado a controllare se son verificate le due condizioni di stop
    flag = (norm(x_new - x0) > tau*norm(x0)) && (k<kmax);
end
x = x_new; //assegno x_new alla soluzione approssimata x

```

```

//creo una matrice random e un vettore soluzioni che conosco

```

```

A = rand(10);
x = ones(10,1);
b = A*x; //calcolo il vettore di termini noti
tau = 1e-3; //imposto criterio di stop per lo scarto min
kmax = 100; //imposto criterio di stop per i passi massimi
x0 = zeros(10,1); //inizializzo il vettore x0 con tutti zero
[x,k] = jacobi(A,b,x0,tau,kmax);

```

k

```

k=//in questo caso abbiamo ricevuto il massimo delle iterazioni

```

100

x

```
x = //la soluzione non corrisponde a quella imposta da noi: il metodo non converge!
```

```
1.0e+124 *
```

```
-0.2518
```

```
-0.1012
```

```
-0.2015
```

```
-2.7112
```

```
-0.7640
```

```
-0.4184
```

```
-0.3889
```

```
-0.5760
```

```
-0.6446
```

```
-0.3226
```

//per poter testare un algoritmo di questo tipo, è necessario applicarlo ANCHE in modo che converga.
mi serve quindi una matrice che so che fa convergere il metodo di jacobi(e gauss-seidel)

Condizioni della matrice per jacobi:

-strettamente diagonalmente dominante (somma degli elementi della riga è minore dell'elemento della diagonale)

-definita positiva(autovalori positivi)

-----SCRIPT: test jacobi-----

//questo script crea una matrice strettamente diagonalmente dominante

```
n = 10;
```

```
A = rand(n); //creo una matrice random di n elementi
```

```
A = A - diag(diag(A)); //prendo la diagonale di A e la tolgo dalla matrice
```

```
s = sum(abs(A'));
```

//al posto della diagonale di A metto un vettore che assicuri la dominanza. Lo creo sommando tutti gli elementi di una stessa riga tra loro, e maggiorando la somma.

//sum di default effettua la somma di tutte le colonne, quindi devo trasporre A per poter sommare le righe

//abs(matrice) restituisce una matrice di valori assoluti!

```
s = s*3; //maggioro il vettore per rendere la matrice strettamente diagonalmente dominante
```

```
A = A + diag(s); //con diag(s) creo una matrice con il vettore s come diagonale, e inserisco la diagonale nuova dentro A semplicemente sommando le due matrici
```

//creo il sistema con la soluzione nota:

```
x = ones(n,1); //soluzione: vettore di tutti uno di dimensioni opportune
```

```
b = A*x; //b viene calcolato in dipendenza di x
```

```
x0 = zeros(n,1); //inizializziamo il passo base come vettore di zeri
```

```
tau = 1e-3; //inizializzo i criteri di stop
kmax = 100;
//chiamo la function jacobi: notare che xj corrisponderà alla x in output della function
[xj,k] = jacobi(A,b,x0,tau,kmax);
err = norm(xj-x)/norm(x); //calcolo l'errore relativo (approssimazione-valore vero/valore vero)
```

```
clear
```

```
clc
```

```
test_jacobi
```

```
//posso vedere che l'errore va bene, perché il limite era  $10^{-3}$ , ed è arrivato a  $10^{-4}$ , e ci ha messo solo 8 iterazioni
```

```
err
```

```
err =
```

```
1.5242e-04
```

```
k
```

```
k =
```

```
8
```

```
//xj se uso 3 cifre significative va esattamente ad 1
```

```
xj
```

```
xj =
```

```
0.9998
```

```
0.9998
```

```
0.9998
```

```
0.9998
```

```
0.9998
```

```
0.9998
```

```
0.9998
```

```
0.9998
```

```
0.9998
```

```
0.9998
```

```
//ora cambio la precisione, portando il criterio di stop da  $10^{-3}$  a  $10^{-5}$ 
```

-----SCRIPT: test jacobi-----

```
n = 10;
A = rand(n);
A = A - diag(diag(A));
s = sum(abs(A'));

s = s*3;
A = A + diag(s);
x = ones(n,1);
b = A*x;

x0 = zeros(n,1)
tau = 1e-5;
kmax = 100;
[xj,k] = jacobi(A,b,x0,tau,kmax);
err = norm(xj-x)/norm(x);
```

clear

clc

test_jacobi

//l'errore va bene perché sta sotto 10^{-5} , ho 12 iterazioni e xj con format long è molto vicino ad uno, con il format short è 1

err

err =

1.8817e-06

k

k =

12

xj

xj =

1.0000

1.0000

1.0000

1.0000

1.0000

1.0000

1.0000

1.0000

1.0000

1.0000

format long

xj

xj =

0.999998118323577

0.999998118323577

0.999998118323577

0.999998118323577

0.999998118323577

0.999998118323577

0.999998118323577

0.999998118323577

0.999998118323577

0.999998118323577

//faccio adesso la function di gauss seidel

-----SCRIPT: gs-----

```
function [x,k] = gs(A,b,x0,tau,kmax)
D = diag(diag(A));
E = -tril(A,-1);
F = -triu(A,1);
//in questa function cambia solo la generazione di B e f rispetto a jacobi
B = (D-E)\F;
f = (D-E)\b;
x_new = B*x0 + f;
k = 1;

while (norm(x_new - x0) > tau*norm(x0)) && (k<kmax)
    x0 = x_new;
    x_new = B*x0 + f;
    k = k+1;
end
x = x_new;
```

//creo il test dedicato per l'algoritmo di gauss-seidel

-----SCRIPT: test gs-----

```
n = 10;
A = rand(n);
A = A - diag(diag(A));
s = sum(abs(A'));
```

```

s = s*3;
A = A + diag(s);

x = ones(n,1);
b = A*x;

x0 = zeros(n,1);
tau = 1e-5;
kmax = 100;

[xgs,k] = gs(A,b,x0,tau,kmax);
err = norm(xgs-x)/norm(x);

```

```
clear
```

```
clc
```

```
test_gs
```

//noto che il vettore delle soluzioni xgs, calcolato con gauss seidel, è differente da quello precedente calcolato con jacobi. Questo perché la matrice di origine è diversa!
 è necessario costruire un test per poter testare insieme i due algoritmi

```
err
```

```
err =
```

```
2.063074675103854e-07
```

```
k
```

```
k =
```

```
6
```

```
xgs
```

```
xgs =
```

```
0.999999736276536
```

```
0.999999569672641
```

```
0.999999788867923
```

```
0.999999680078398
```

```
0.999999888216049
```

```
0.999999965770601
```

```
1.000000048013477
```

```
1.000000064475666
```

```
1.000000053560844
```

1.000000031160092

-----SCRIPT: test metodi iter-----

```
n = 10;  
A = rand(n);  
A = A - diag(diag(A));  
s = sum(abs(A'));  
s = s*3;  
A = A + diag(s);
```

```
x = ones(n,1);  
b = A*x;
```

```
x0 = zeros(n,1);  
tau = 1e-5;  
kmax = 100;
```

```
//in questo modo i due algoritmi si basano esattamente sugli stessi dati di partenza  
//ho 2 approssimazioni, xj e xgs, e 2 contatori, kj e kgs
```

```
[xj,kj] = jacobi(A,b,x0,tau,kmax);  
[xgs,kgs] = gs(A,b,x0,tau,kmax);  
err_j = norm(xj-x)/norm(x);  
err_gs = norm(xgs-x)/norm(x);
```

clear

clc

test_metodi_iter

err_gs

err_gs = //errore di gauss-seidel

1.208702855311383e-07

err_j

err_j = //errore di jacobi

1.881676423154399e-06

kj

kj = //iterazioni jacobi

12

kgs

kgs = //iterazioni gauss seidel

6

//l'errore calcolato con GS è inferiore, quindi l'approssimazione è più precisa

//GS per ottenere una miglior precisione impiega circa la metà delle iterazioni di jacobi e questo dipende dal fatto che intrinsecamente gs utilizza informazioni aggiornate del vettore approssimazione

//più si diminuisce il valore di tolleranza, più il divario tra i 2 si fa marcato

//Come assegnare valori di default: uso un comando che va a guardare quanti argomenti in input vengono dati durante la chiamata alla funzione. Quando io chiamo la funzione, se non gli dico nulla, lui si aspetta che io gli dia 5 input. Se non glieli do mi avvisa che il numero di input è insufficiente.

Se vado a calcolare quanti input assegno alla chiamata, posso dire "se il numero di input è 4 e non 5, vuol dire che kmax non mi interessa dartelo, usa il valore di default"

quindi dovrò usare una combinazione tra controllo di numero input e if numero input:

-----SCRIPT-jacobi-----

```
function [x,k] = jacobi(A,b,x0,tau,kmax)
```

//inserisco dentro la function queste condizioni tramite la funzione nargin che misura il numero di argomenti in input

```
if (nargin < 5),kmax = 100;end
```

```
if (nargin < 4),tau = 1e-5;end
```

```
if (nargin < 3),x0 = zeros(size(b));end
```

//nell'ultimo if ci serve la lunghezza opportuna di x0, che ha la stessa dimensione di b, che sto inserendo in input. Inserisco quindi la lunghezza di b come riferimento.

//posso scrivere gli if sulla stessa riga, mettendo una virgola dopo le condizioni

```
D = diag(diag(A));
```

```
E = -tril(A,-1);
```

```
F = -triu(A,1);
```

```
B = D\(E+F);
```

```
f = D\b;
```

```
flag = 1; //imposto il valore di flag a 1 per entrare all'interno del ciclo while
```

```
k = 0;
```

```
x_new = x0;
```

```
while flag
```

```
    x0 = x_new;
```

```
    x_new = B*x0 + f;
```

```
    k = k+1;
```

```
    flag = (norm(x_new - x0) > tau*norm(x0)) && (k<kmax); //imposto un controllo in
```

uscita dal ciclo con una flag, per evitare di ripetere operazioni all'interno del while

```
end
```

```
x = x_new;
```

//ESERCIZIO(CONSIGLIATO CALDAMENTE): FARE LE STESSE MODIFICHE SU GS, E MODIFICARE IL TEST PER ENTRAMBI GLI ALGORITMI IN MODO CHE FACCIA DEI TEST SU MATRICI DI DIMENSIONE CRESCENTE:SI FA UN CICLO FOR CHE MODIFICA n, SI MEMORIZZA IN UN VETTORE DI ERRORI.