

Universidad: UADER FCyT Concepción del Uruguay

Profesores: María Fabiana Piccoli, Carlos Casanova

Alumnos: Cepeda Leandro, Gonzalez Exequiel



Práctico Final: Computación Avanzada

- 1. Estudie el código del algoritmo simplex revisado.
- 2. Identifique partes del algoritmo que puedan ser paralelizables y proponga alternativas para hacerlo.
- 3. Escriba una versión paralela del algoritmo simplex y compárela con la versión secuencial utilizando al menos 5 instancias de PL distintas. Recomendamos que las ejecuciones sean locales en la misma PC para hacer la comparación lo más justa posible.

2. Identifique partes del algoritmo que puedan ser paralelizables y proponga alternativas para hacerlo.

A. El producto de matrices de la librería numpy.

```
\begin{split} zj\_cj &= np.round(np.matmul(c\_p[base], np.matmul(B\_1, A)) - c\_p, 10) \\ A\_ve &= np.matmul(B\_1, A[:, ve]) \\ b\_p &= np.matmul(B\_1, b) \\ B\_1 &= np.matmul(E\_1, B\_1) \\ zj\_cj &= np.round(np.matmul(c\_p[base], np.matmul(B\_1, A)) - c\_p, 10) \\ z\_opt &= np.matmul(c\_p[base], b\_p) \end{split}
```

Para paralelizar esta parte del problema definimos una función que se encarga de realizar la multiplicación de matrices en paralelo, si el proceso es el 0, le envía a cada uno de los procesos restantes un índice que indica a partir de que columna de la matriz A (se utiliza también para las filas de la matriz B) le corresponde calcular a cada proceso (en el caso que la cantidad de columnas sea múltiplo de la cantidad de procesos se le asigna a todos la misma cantidad de columnas, caso contrario al último proceso se le asignan las columnas sobrantes).

Luego cada uno de los procesos excepto el 0, realizan los cálculos en paralelo del producto de matrices y le envían los resultados al proceso 0. Finalmente el proceso 0 recibe de todos los demás procesos el resultado de cada uno, y lo agrupa todo en la matriz resultado.

```
#Se calcula la cantidad de columnas que le corresponde a cada proceso
cols_per_proces = cols_A // (total_processes-1)
#Para el caso en el que los datos a repartir y los procesos no son múltiplos
rest = cols_A % (total_processes-1)
if (rank == (total\_processes-1)) and rest != 0:
 cols_per_proces += rest
for i in range (rows_A):
 for j in range (cols_B):
  suma = 0
  if rank == 0:
   #Se reparten las columnas de A que van a trabajar los procesos
  for col in range(0,cols_A,cols_per_proces):
    if (process == (total_processes)) and (cols_A % (total_processes-1)!= 0):
    break
    else:
    comm.send(col,dest=process)
   process += 1
   #El proceso 0 recibe los resultados y acumula todo en la matriz resultado
  for proc in range(1,total_processes):
   suma += comm.recv(None,source=proc)
  C[i,j] = suma
  else:
  #Cada proceso recibe su parte y resuelve el calculo
  col = comm.recv(None.source=0)
   for k in range(col,col+cols_per_proces):
   suma += A[i,k]*B[k,j]
   comm.send(suma,dest=0)
  ,,,,,,
```



B. Primer ciclo for de la matriz extendida.

```
for i in range(cant_lt):

A[:, n+i] = [(1. if i == j else 0) for j in range(m)]

base.append(n+i)
```

Para resolver esto, definimos que el proceso 0 le envía a cada uno de los procesos restantes un índice que indica a partir de que fila le corresponde calcular a cada proceso (en el caso que la cantidad de filas sea múltiplo de la cantidad de procesos se le asigna a todos la misma cantidad de filas, caso contrario al último proceso se le asignan las filas sobrantes).

Cada uno de los procesos excepto el 0, calcula las filas correspondientes agregando los 1 y 0 respectivamente, y envían los resultados al proceso 0. Por último el proceso 0 recibe de todos los demás procesos el resultado de cada uno, agrega a las filas de la matriz extendida los vectores con 1 y 0, y almacena en la base los índices correspondientes.

```
#Se calcula la cantidad de filas que le corresponde a cada proceso
amount_per_process = amount_lt // (total_processes-1)
rest = amount_lt % (total_processes-1)
#Para el caso en el que las filas a repartir y los procesos no son múltiplos
if (rank == (total_processes-1)) and rest != 0:
amount_per_process += rest
,,,,,,
if rank == 0:
 #Se envia a cada proceso su parte para calcular
 for i in range(0,amount lt,amount per process):
  if (process == (total_processes)) and (amount_lt % (total_processes-1)!= 0):
  comm.send(i,dest=process)
  process += 1
 #Agrupa los vectores soluciones en la base y la matriz A
 for i in range(1,total_processes):
  result = comm.recv(None,source=i)
 for tupla in result:
  pos = tupla[1]
   A[:,n+pos] = tupla[0]
   base.append(n+pos)
 #Cada proceso recibe y quarda en una lista las tuplas con el vector y la posición correspondiente en cada una
 i = comm.recv(None, source=0)
 result = []
 for x in range(i,i+amount_per_process):
 result.append(([(1. if x == j else 0) for j in range(m)],x))
comm.send(result,dest=0)
,,,,,,,
```



C. Calculo de los cocientes de las titas.

```
titas = [(b_p[i]/A_ve[i] if A_ve[i] > 0 else np.nan) for i in range(m)]
```

En esta parte del código lo que hacemos es, si es el proceso 0 se le envía a cada uno de los procesos restantes un índice que indica a partir de que fila deberá calcular los cocientes de las titas (en el caso que la cantidad de filas sea múltiplo de la cantidad de procesos se le asigna a todos la misma cantidad de filas, caso contrario al último proceso se le asignan las filas sobrantes).

Luego cada proceso exceptuando el 0, realiza la operación que le corresponde y envía al proceso 0 una lista con los resultados. El proceso 0 recibe los resultados de cada uno de los procesos restantes, y por último los agrupa en la lista de titas.

```
#Se calcula la cantidad de filas que le corresponde a cada proceso
amount_per_process = m // (total_processes-1)
rest = m % (total_processes-1)
#Para el caso en el que las filas a repartir y los procesos no son múltiplos
if (rank == (total_processes-1)) and rest != 0:
amount_per_process += rest
titas = []
if rank == 0:
#Se envia a cada proceso su parte para calcular las titas
for i in range(0,m,amount_per_process):
 if (process == (total_processes)) and (m % (total_processes-1)!= 0):
   comm.send(i,dest=process)
 process += 1
 #Agrupa los resultados en el vector de titas
for i in range(1,total_processes):
 result = comm.recv(None,source=i)
 titas.extend(result)
#Cada proceso calcula el valor de la tita en el caso que sea mayor a 0 y lo guarda en una lista
i = comm.recv(None,source=0)
result = []
for x in range(i,i+amount_per_process):
 if A_{ve}[x] > 0:
  calculo = b_p[x]/A_ve[x]
  calculo = np.nan
 result.append(calculo)
comm.send(result,dest=0)
************************************
**************************************
```



3. Escriba una versión paralela del algoritmo simplex y compárela con la versión secuencial utilizando al menos 5 instancias de PL distintas. Recomendamos que las ejecuciones sean locales en la misma PC para hacer la comparación lo más justa posible.

	Modelo PL	Simplex Secuencial	Simplex Paralelo (4 procesos)
1	Variables: 30, Restricciones: 50	0.021016359329223633	1.2993285655975342
2	Variables: 50, Restricciones: 70	0.0042078495025634766	1.7274954319000244
3	Variables: 70, Restricciones: 90	0.021578311920166016	26.977094173431396
4	Variables: 90, Restricciones: 110	0.03616046905517578	18.241262912750244
5	Variables: 110, Restricciones: 130	0.016227006912231445	37.33506727218628

En el siguiente gráfico podemos observar que el paralelismo realizado bajo el rendimiento de la ejecución del programa en comparación con el algoritmo secuencial que empleaba las librerías de numpy.

Parallel SImplex (4 processes)

